

## **Asociaciones genéticas entre fibras meduladas, producción y diámetro de lana en Corriedale**

Ana L. Sánchez<sup>1</sup>, Jorge I. Urioste<sup>1</sup>, Karina Neimaur<sup>2</sup>, Inés Sienra<sup>2</sup>, Roberto Kremer<sup>2</sup>

1- Facultad de Agronomía, Garzón 780. Montevideo, Uruguay.

2- Facultad de Veterinaria, Lasplaces 1620. Montevideo, Uruguay.

Estudios de asociaciones genéticas entre la presencia de fibras meduladas (FM) con caracteres del vellón en la raza Corriedale son prácticamente inexistentes.. El objetivo de este trabajo fue estimar asociaciones genéticas entre FM y peso de vellón sucio (PVS), peso de vellón limpio (PVL) y diámetro de fibra (DF). Se dispuso de una base de datos con información genealógica de 3800 animales, registros de FM de 688 animales y de características del vellón de 811 animales. Se estimaron heredabilidades y correlaciones genéticas entre características de medulación (presencia de FM, presencia de kemps (K) y presencia de FM totales (FMT= FM+K)) y características del vellón (PVS, PVL y DF), utilizando un “modelo animal bivariado” que tomó en cuenta los efectos de majada, año y animal. Para ello se utilizó el programa Thrgibbs1f90. El promedio de las heredabilidades (desvío estándar) para FMT y FM fue de 0.22(0.09), para K fue de 0.26(0.11), para DF de 0.58(0.10), para PVS fue de 0.34 (0.08) y para PVL de 0.39 (0.08). La correlación genética encontrada entre FMT-DF y entre FM-DF fue de 0.08(0.38), entre FMT-PVS y FM-PVS de 0.22(0.26) y entre FMT-PVL y FM-PVL de 0.15(0.24); entre K y DF fue de 0.34(0.33), entre K y PVS fue de 0.19(0.25) y entre K y PVL fue de 0.11(0.24). Los valores de correlación genética, si bien fueron positivos no fueron distintos a cero, lo cual implica que al seleccionar por mayor PVS o menor DF no se espera un aumento en los niveles de FM en el vellón.