

ABGD Group (P = 0.01-0.1)	Putative species	N	Intra-specific		Inter-specific		Nearest neighbor (min p -distance)
			min	max	min	max	
Leu02	<i>Eudorella hirsuta</i>	2	0.00	0.00	0.24	0.35	Leu10
Leu04-A	<i>Eudorella truncatula</i> (seq 64/ 67)	2	0.00	0.00	0.21	0.38	Leu04-C
Leu04-B	<i>Eudorella truncatula</i> (seq 65/ 68)	2	0.01	0.01	0.17	0.37	Leu04-C
Leu04-C	<i>Eudorella truncatula</i> (seq 69)	1	0.00	0.00	0.17	0.36	Leu04-B
Leu11	<i>Leucon (Leucon) profundus</i>	3	0.00	0.00	0.22	0.36	Leu10
Leu05	<i>Leucon (Alytoleucon) pallidus</i>	7	0.00	0.00	0.21	0.34	Leu08
Leu14	<i>Leucon (Macrauloleucon) spinulosus</i>	1	0.00	0.00	0.32	0.38	Leu10, Leu05
	<i>Leucon (Leucon) assimilis</i>	2	0.00	0.00	0.22	0.35	Leu10
	<i>Leucon (Crymoleucon) intermedius</i>	2	0.01	0.01	0.29	0.38	Leu02
Leu08	<i>Leucon (Leucon) nathorsti/ L. (L.) aff. nathorsti</i>	3	0.00	0.01	0.21	0.35	Leu05
Leu10	<i>Leucon (Leucon) nasicooides</i>	1	0.00	0.00	0.22	0.33	Leu10, Le08
	<i>Leucon</i> sp.	1	0.00	0.00	0.28	0.38	Leu10

N = Number of sequences