

19



OFICINA ESPAÑOLA DE
PATENTES Y MARCAS

ESPAÑA



11 Número de publicación: **2 524 475**

51 Int. Cl.:

A23K 1/16 (2006.01)

A23K 1/18 (2006.01)

12

TRADUCCIÓN DE PATENTE EUROPEA

T3

96 Fecha de presentación y número de la solicitud europea: **20.07.2009 E 09790646 (5)**

97 Fecha y número de publicación de la concesión europea: **20.08.2014 EP 2315532**

54 Título: **Composiciones y métodos para tratar trastornos asociados con animales con sobrepeso**

30 Prioridad:

18.07.2008 US 82184

06.01.2009 US 142709

45 Fecha de publicación y mención en BOPI de la traducción de la patente:

09.12.2014

73 Titular/es:

HILL'S PET NUTRITION, INC. (100.0%)

400 Southwest 8th Avenue

Topeka, KS 66605, US

72 Inventor/es:

YAMKA, RYAN, MICHAEL;

FRANTZ, NOLAN, ZEBULON;

GAO, XIANGMING y

AL MURRANI, SAMER

74 Agente/Representante:

CARVAJAL Y URQUIJO, Isabel

ES 2 524 475 T3

Aviso: En el plazo de nueve meses a contar desde la fecha de publicación en el Boletín europeo de patentes, de la mención de concesión de la patente europea, cualquier persona podrá oponerse ante la Oficina Europea de Patentes a la patente concedida. La oposición deberá formularse por escrito y estar motivada; sólo se considerará como formulada una vez que se haya realizado el pago de la tasa de oposición (art. 99.1 del Convenio sobre concesión de Patentes Europeas).

DESCRIPCIÓN

Composiciones y métodos para tratar trastornos asociados con animales con sobrepeso

Campo de la invención

5 La invención incluye composiciones y métodos para tratar trastornos y enfermedades asociadas con la obesidad en los gatos y los perros usando las composiciones tal como se reivindica. La aplicación también abarca genes expresados diferencialmente en los animales y en particular a los genes expresados diferencialmente en los animales obesos en comparación con los animales delgados. La invención también abarca composiciones y métodos para modular la cantidad de grasa en animales con nutrición dirigida que está diseñada para afectar, entre otros, los genes clave involucrados en el metabolismo de la grasa. La invención identifica además componentes bioactivos de la dieta que individualmente o en conjunto pueden afectar la expresión y la actividad de los genes clave involucrados en el metabolismo de la grasa. La invención se define solamente por las reivindicaciones y se limita a composiciones para animales caninos y felinos.

Antecedentes de la invención

15 Generalmente se acepta en la comunidad científica que la regulación de la expresión del gen juega un papel clave en el desarrollo de algunas enfermedades o condiciones que afectan la salud y el bienestar de un animal. De la misma forma, la expresión diferencial de genes es un factor en el desarrollo de tales enfermedades y condiciones y la evaluación de los patrones de la expresión del gen ha sido reconocida como crucial para entender el desarrollo y el control de tales enfermedades y condiciones al nivel molecular. Para avanzar en el entendimiento de los genes y su relación con la enfermedad, se han desarrollado un número de métodos para el estudio diferencial de la expresión del gen, por ejemplo, microdisposiciones de AND, Etiquetas de Secuencia Expresada (EST), análisis en serie de la expresión del gen (SAGE), hibridación sustractiva, clonación sustractiva y el despliegue diferencial (DD) para el ARNm, PCR cebada arbitrariamente al ARN (RAP-PCR), Análisis de la Diferencia Representacional (RDA), electroforesis en gel de dos dimensiones, la espectrometría de masas, disposición y disposiciones de proteínas en Fase Reversa.

25 La expresión del gen en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados no ha sido investigada exhaustivamente. Por lo tanto, existe una necesidad para identificar los genes y las proteínas que se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. Tales genes, proteínas y sus fragmentos serían útiles para formular una prognosis de que es probable que un animal se vuelva obeso, desarrollar un diagnóstico de que un animal es obeso, detectar sustancias para determinar si es probable que sean útiles para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal, y el uso de tales sustancias para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal.

35 Animales con sobrepeso pueden ser definidos como aquellos animales que tienen un exceso de tejido adiposo corporal. Generalmente, los animales tales como los humanos, caninos, felinos y que pesen más del 15% de su peso corporal ideal son considerados obesos. La causa más común de que un animal se vuelva obeso, es un consumo excesivo de alimentos que da como resultado un consumo excesivo de calorías. Sin embargo, hay otros factores que pueden incrementar las probabilidades de un animal para ser obeso, por ejemplo, el estilo de vida, la salud, los hábitos alimenticios, la raza, la esterilización y castración. Además, la incidencia de los animales de adquirir sobrepeso generalmente se incrementa con la edad debido a una disminución general en la rata metabólica y la actividad física. Las encuestas estiman que el 25% de los perros en los Estados Unidos, que visitan las clínicas veterinarias son obesos hasta el punto de ser obesos. Los estudios han demostrado que los animales con sobrepeso están significativamente más en riesgo de enfermedades tales como la artritis, enfermedad del corazón, enfermedad respiratoria, diabetes, cáncer de vejiga, hipotiroidismo y pancreatitis. Las dietas típicas para perros y gatos se divulgan en la WO 2008/009739.

45 Modular la cantidad de tejido adiposo en un animal, incluyendo prevenir que un animal alcance sobrepeso o tratar a un animal con sobrepeso para reducir la cantidad de tejido adiposo en el animal o tratar un animal delgado para incrementar la cantidad de tejido adiposo en el animal, es difícil. El incremento de la cantidad de tejido adiposo en un animal usualmente involucra el incremento de la cantidad de alimento consumido. La manera más efectiva y más fácil de prevenir que un animal alcance sobrepeso o para reducir la cantidad de grasa en un animal es con restricción de la dieta y el ejercicio. Sin embargo, frecuentemente es difícil de asegurar el cumplimiento con los programas de dieta y ejercicio. Otros métodos involucran el uso de fármacos tales como fentermina, fenfluramina, sibutramina, orlistat, y fenilpropanolamina. Desafortunadamente, los efectos secundarios ocurren con estos fármacos. Por ejemplo, la administración de fenfluramina y fentermina para el tratamiento de la obesidad humana puede resultar en daño de la válvula cardíaca en humanos. La sibutramina puede aumentar la presión sanguínea y el orlistat puede tener efectos secundarios gastrointestinales desagradables.

55 Dados los problemas con los métodos actuales para tratar con el tejido adiposo en un animal, los inventores han desarrollado métodos y composiciones útiles para el tratamiento de enfermedades y trastornos en los animales y en la formulación de un pronóstico de que es probable que un animal se vuelva obeso, el desarrollo de un diagnóstico

de que un animal está obeso, la detección de sustancias para determinar si es probable que sean útiles para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal, y el uso de tales sustancias para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal.

Resumen de la invención

- 5 La invención abarca composiciones útiles en el tratamiento de trastornos en animales caninos y felinos en necesidad del mismo, y está definido por las reivindicaciones.
- 10 En una realización, la invención abarca una composición de alimento para mascotas caninas que comprende una cantidad efectiva de uno o más ingredientes que interfieren con la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, en donde dichos uno o más ingredientes que interfieren con la expresión de uno o más genes comprenden de 26% en peso a 35% en peso de proteína cruda sobre una base de material seco, de 7.5% en peso a 8.5% en peso de grasa cruda sobre una base de material seco, de 20% en peso a 30% en peso de fibra de dieta total sobre una base de material seco, y de 10% en peso a 20% en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.
- 15 En otra realización, la invención abarca una composición para el consumo felino que comprende una cantidad efectiva de uno o más ingredientes que interfiere con la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, en donde dichos uno o más ingredientes que interfieren con la expresión de uno o más genes comprende: de 30% en peso a 37% en peso de proteína cruda sobre una base de material seco, de 7.5% en peso a 9% de grasa cruda sobre un material seco, de 30 en peso a 35% en peso de fibra de dieta total sobre una base de material seco, y de 20% en peso a 25% de fibra cruda sobre una base de material seco.
- 20 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o prevención de la resistencia a la insulina en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la pancreatitis en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- 25 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención del hipotiroidismo en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la osteoartritis en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- 30 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la dislipidemia en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la hipertensión en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de trastornos oculares en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- 35 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la función renal alterada en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención respiratoria en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- 40 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la arterosclerosis en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de la diabetes mellitus en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de enfermedad del tracto urinario en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- 45 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de lípidosis hepática en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.
- Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de dislipidemia hepática en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de lípidosis hepática en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de neoplasia en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

- 5 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de enfermedad oral/dental en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de dermatopatía en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

- 10 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de debilidad en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de hiperlipidemia en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de trastornos del metabolismo de glucosa en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

- 15 Otra realización abarca una composición de la invención para uso en el tratamiento o la prevención de enfermedad coronaria en un animal de compañía en necesidad del mismo, por ejemplo, un canino o felino.

La descripción provee uno o más genes o segmentos de genes que se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados.

- 20 Otro aspecto de la descripción provee combinaciones de dos o más polinucleótidos o polipéptidos que se expresan diferencialmente en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados.

Otro aspecto de la descripción provee composiciones de dos o más sondas de polinucleótidos o polipéptidos adecuados para detectar la expresión de los genes expresados diferencialmente en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados y dispositivos tales como arreglos de sustrato que contiene las sondas.

- 25 En otro aspecto, la descripción provee métodos y composiciones para detectar la expresión diferencial de uno o más genes expresados diferencialmente en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados en una muestra.

- 30 En otro aspecto, la descripción provee métodos para medir el efecto de una sustancia de prueba en el perfil de expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados como un método para seleccionar una sustancia de prueba para determinar si es probable que es útil para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal.

En otro aspecto, la descripción provee métodos para la formulación de una prognosis de que un animal es propenso a tener sobrepeso o desarrollar un diagnóstico que un animal es obeso.

- 35 En otro aspecto, la descripción provee métodos y composiciones para modular la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados o para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal.

- 40 Uno o más de estos aspectos se logran utilizando combinaciones novedosas de 433 sondas de polinucleótidos que representan genes y segmentos de genes que se expresan diferencialmente en el tejido adiposo de animales con sobrepeso en comparación con el tejido adiposo de los animales delgados. (Tabla 1). Además, una o más de estas realizaciones se logran utilizando combinaciones novedosas 1703 sondas de polinucleótidos que representan genes y segmentos de genes que se expresan diferencialmente en los linfocitos tomados de los animales con sobrepeso en comparación con los linfocitos de los animales delgados (Tabla 2). Adicionalmente, una o más de estas realizaciones se logra utilizando combinaciones novedosas de sondas de polinucleótidos que representan a los genes y segmentos de genes que se expresan diferencialmente en los perros con sobrepeso y delgados y se consideran por ser genes clave para el metabolismo de ácidos grasos (Tabla 3). Los polinucleótidos se utilizan para producir composiciones, sondas, dispositivos basados en las sondas y métodos para determinar el estatus de los polinucleótidos expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados útiles para lograr los objetivos identificados anteriormente, por ejemplo, pronosticar y diagnosticar las condiciones relacionadas con el tejido adiposo de los animales y para seleccionar las sustancias para determinar si es probable que sean útiles para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal. Tales sustancias, una vez identificadas, pueden ser utilizadas para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal. También se proveen diversos kits que comprenden combinaciones de sondas, dispositivos que utilizan las sondas, y sustancias.
- 50

También es un aspecto de la descripción abarcar métodos para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal in vivo mediante la administración de la composición de la invención que se muestra para modular la expresión de genes involucrados en el metabolismo de la grasa.

- 5 También es un aspecto de la descripción modular diversos biomarcadores caninos relacionados con la obesidad mediante la administración de una composición de la invención a un animal en necesidad del mismo en una cantidad efectiva para modular el biomarcador.

Ejemplos de biomarcadores relacionados con la obesidad que pueden ser modulados incluyen, pero no se limitan a, glucosa, insulina, GLP-I, IGF-I, colesterol, triglicéridos, LDL, quilomicrones, fosfatasa alcalina, síntesis de cartílago de tipo 2, leptina, grelina, y combinaciones de los mismos.

- 10 Otros y objetos adicionales, características y ventajas de la presente invención serán fácilmente evidentes para los experimentados en la técnica.

Breve descripción de las figuras

La Figura 1 muestra el resultado para la pérdida de peso de los perros alimentados con la fórmula de la presente invención en comparación con una fórmula de control de pérdida de peso.

- 15 La Figura 2 muestra el cambio en el perfil de genes en los perros alimentados con la fórmula de la presente invención en comparación con perros delgados, obesos

Descripción detallada de la invención

Definiciones

- 20 El término "animal" significa un humano u otro animal, incluyendo animales, aviarias, bovinos, caninos, equinos, felinos, hircinos, murinos, ovinos y porcinos, que tiene tejido adiposo. Cuando se utiliza el término en el contexto de la comparación de sobrepeso con animales delgados, los animales que son comparados son animales de la misma especie y, posiblemente, de la misma raza o especie. En realizaciones preferidas, el animal es un canino o un felino, más preferiblemente un canino.

- 25 El término "anticuerpo" significa cualquier inmunoglobulina que se une a un antígeno específico, incluyendo IgG, IgM, IgA, IgD e IgE. El término incluye composiciones de anticuerpos policlonales, monoclonales, monovalentes, humanizados, heteroconjugado, con especificidad poliepitópica, anticuerpos quiméricos, biespecíficos, diacuerpos, anticuerpos de cadena sencilla, y fragmentos de anticuerpos tales como Fab, Fab', F(ab')₂, y Fv, u otros fragmentos de enlazamiento a antígenos.

- 30 El término "arreglo" significa una disposición ordenada de al menos dos sondas en un sustrato. Al menos una de las sondas es un control o estándar y al menos una de las sondas es una sonda de diagnóstico. La disposición de dos o más sondas (hay arreglos, chips y otras plataformas ahora que van sobre 40,000) sobre un sustrato asegura que el tamaño y la intensidad de señal de cada complejo marcado formado entre una sonda y un polinucleótido o polipéptido de muestra es distinguible individualmente.

- 35 El término "calificación de condición corporal" (BCS) significa un método para el análisis de la composición corporal con base en el tamaño y la forma y la condición del cuerpo del animal. Se conocen varios métodos para personas experimentadas, por ejemplo, los métodos descritos en la Patente de los Estados Unidos No. 6,691,639 y en la referencia titulada "Small Animal Clinical Nutrition", 4th Edition, en Capítulo 13 (ISBN 0-945837-05-4). El término "Índice de Masa Corporal" (BMI) significa el peso de un animal (en kilogramos) dividido por su altura (en metros) al cuadrado.

- 40 El término "DEXA" significa análisis de la composición corporal por absorciometría por energía dual de rayos x.

El término "expresión diferencial" o "expresado diferencialmente" significa expresión del gen incrementada o sobrerregulada o significa la expresión del gen disminuida o subregulada como se detecta por la ausencia, presencia, o al menos un cambio de 1.3 veces en la cantidad del ARN mensajero transcrito o proteína traducida en una muestra.

- 45 El término "obeso" tal como se aplica a un animal significa cualquier animal que está determinado a tener una cantidad excesiva de tejido adiposo corporal o un animal que es propenso a desarrollar una cantidad en exceso de tejido adiposo corporal utilizando técnicas y métodos conocidos para los proveedores de cuidado de la salud y otras personas experimentadas. Un animal es propenso a alcanzar sobrepeso si el animal tiene una inclinación o una mayor probabilidad de desarrollar tejido adiposo en exceso en comparación con un animal promedio en la población general. Generalmente, sin limitar la definición, un animal se considera con sobrepeso si (1) el animal tiene un BMI de 25 o más (un número considerado para incluir "sobrepeso" y "obeso" en algunos métodos de caracterización de
- 50

- las condiciones de animal), (2) el peso del animal es de 15% o más de su peso corporal "ideal" tal como se define por los profesionales del cuidado de la salud o personas experimentadas relacionadas, (3) el porcentaje de grasa corporal de un animal es de 27% o más, según lo determinado por DEXA, o (4) un animal tiene una calificación de condición corporal de más de 3, como es determinado por personas experimentadas utilizando el método divulgado en "Small Animal Clinical Nutrition", 4th Edition, en el Capítulo 13 (ISBN 0-945837-05-4), o su equivalente utilizando otros métodos de BCS.
- El término "genes asociados a la grasa" significa todos o un subconjunto de los genes identificados en las tablas 1 y 2, en particular los genes representados por las 433 secuencias de sonda que se expresan diferencialmente entre el tejido adiposo extraído de animales con sobrepeso y tejido adiposo tomado de animales delgados así como los genes representados por las 1703 secuencias de la sonda que se expresan diferencialmente entre los linfocitos tomados de animales con sobrepeso y los linfocitos tomados de los animales delgados.
- El término "genes clave" significa todos o un subconjunto de genes identificados en la tabla 3
- El término "veces" cuando se utiliza como una medida de la expresión del gen diferencial significa una cantidad de la expresión del gen en un animal que es un múltiplo o una fracción de la expresión del gen comparado con la cantidad de la expresión del gen en un animal de comparación, por ejemplo, los animales con sobrepeso en comparación con un animal delgado. Por ejemplo, un gen que se expresa como mucho tres veces en el animal tal como en el animal de comparación tiene una expresión del gen diferencial de 3 veces y se dice que el gen está sobrerregulado. Por otro lado un gen que se expresa un tercio tanto en el animal como en el animal de comparación también tiene una expresión del gen diferencial de 3 veces y se dice que está subregulado
- El término "fragmento" significa (1) una secuencia de oligonucleótido o polinucleótido que es una porción de una secuencia completa y que tiene la misma o similar actividad para un uso particular como la secuencia de polinucleótido completa o (2) una secuencia de péptido o polipéptido que es una porción de una secuencia completa y que tiene la misma o similar actividad para un uso particular como la secuencia de polipéptido completo. Tales fragmentos pueden comprender cualquier número de nucleótidos o aminoácidos considerados adecuados para un uso particular. Generalmente, los fragmentos de oligonucleótidos o polinucleótidos contienen al menos 10, 50, 100, o 1000 nucleótidos y fragmentos de polipéptidos contienen al menos 4, 10, 20, o 50 aminoácidos consecutivos de la secuencia completa. El término abarca variantes de polinucleótidos y polipéptidos de los fragmentos.
- El término "gen" o "genes" significa un segmento completo o parcial de ADN involucrado en la producción de un polipéptido, incluyendo regiones que preceden y que siguen a la región de codificación (líder y remolque) y secuencias intermedias (intrones) entre segmentos codificantes individuales (exones). El término abarca cualquier secuencia de ADN que se hibrida con el complemento de las secuencias de codificación de genes.
- El término "genes diferencialmente expresados en los animales con sobrepeso" significa genes de los cuales la cantidad de ARNm expresado o la cantidad de producto de gen traducido a partir del ARNm es detectable diferente, bien sea más o menos, en el tejido de los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados.
- El término "homólogo" significa (1) un polinucleótido, incluyendo polinucleótidos de la misma o de diferentes especies de animales, que tiene más del 30%, 50%, 70%, o 90% de similitud de secuencia con un polinucleótido identificado en las tablas 1, 2, 3 y 5 y que tiene la misma o sustancialmente las mismas propiedades y que lleva a cabo la misma o sustancialmente la misma función como el polinucleótido completo, o que tiene la capacidad de hibridarse específicamente a un polinucleótido identificado en las tablas 1, 2, 3 y 5 bajo condiciones restrictivas o (2) un polipéptido, incluyendo polipéptidos de la misma o diferentes especies de animales, que tienen más del 30%, 50%, 70%, o 90% de similitud de secuencia con un polipéptido identificado por la expresión de polinucleótidos identificados en las tablas 1, 2, 3 y 5 y que tienen la misma o sustancialmente las mismas propiedades y que lleva a cabo la misma o sustancialmente la misma función como el polipéptido completo, o que tiene la capacidad de enlazarse específicamente a un polipéptido identificado por la expresión de polinucleótidos identificados en las tablas 1, 2, 3 y 5. La similitud de secuencia de dos secuencias de polipéptidos o de dos secuencias de polinucleótidos se determina usando métodos conocidos por personas experimentadas, por ejemplo, el algoritmo de Karlin y Altschul (Proc. Natl. Acad. Sci. USA 87:2264-2268 (1990)). Tal algoritmo se incorpora en los programas NBLAST y XBLAST de Altschul et al. (J. Mol. Biol. 215:403-410 (1990)). Para obtener alineamientos con brechas para propósitos de comparación, puede utilizarse Gapped BLAST tal como se describe en Altschul et al. (Nucl. Acids Res. 25: 3389-3402 (1997)). Cuando se utilizan los programas BLAST y Gapped BLAST, se utilizan los parámetros de fondo de los programas respectivos (por ejemplo XBLAST y NBLAST). Véase <http://www.ncbi.nlm.nih.gov>.
- El término "complejo de hibridación" significa un complejo que está formado entre los polinucleótidos de la muestra cuando las purinas de un hidrógeno de polinucleótido se enlazan con las pirimidinas del polinucleótido complementario, por ejemplo, pares de bases de 5'-A-GT-C-3' con 3'-T-C-A-G-5'. El grado de complementariedad y el uso de análogos de nucleótidos afectan a la eficiencia y la restricción de las reacciones de hibridación.
- El término "en conjunción" significa que un fármaco, comida, u otra sustancia es administrada a un animal (1) juntas en una composición, particularmente composición de alimentos, o (2) separadamente en la misma o diferente

frecuencia utilizando la misma o diferentes rutas de administración al mismo tiempo o periódicamente. "Periódicamente" significa que la sustancia es administrada en una programación de dosificación aceptable para una sustancia específica. "al mismo tiempo" generalmente significa que la sustancia (alimento o fármaco) es administrado al mismo tiempo o dentro de 72 horas una de otra. "En conjunción" incluye específicamente esquemas de administración en donde sustancias tales como fármacos son administrados durante un período y composiciones prescritas de la presente invención son administrados de forma indefinida.

El término "delgado/flaco" tal como se aplica a un animal significa cualquier animal que está determinado a no tener sobrepeso utilizando técnicas y métodos conocidos por los proveedores del cuidado de la salud y otras personas experimentadas. Generalmente, sin limitar la definición, un animal es considerado delgado si (1) el animal tiene un BMI de menos de 25 o (2) el peso del animal es de menos de 15% más que su peso corporal "ideal" tal como se define por los profesionales del cuidado de la salud o personas experimentadas relacionadas, (3) el porcentaje de grasa corporal de un animal es de menos del 27%, tal como se determina por DEXA, o (4) un animal tiene una calificación de condición corporal de 3 o menos según lo determinado por personas experimentadas usando el método divulgado en "Small Animal Clinical Nutrition", 4th Edition, en el Capítulo 13 (ISBN 0-945837-05-4) o su equivalente usando otros métodos de BCS.

El término "modulación de la cantidad de tejido adiposo en un animal" significa hacer que el animal pierda el tejido adiposo, hacer que el animal gane tejido adiposo, o hacer que el animal mantenga la cantidad de tejido adiposo en el animal si el animal es propenso a ganar o perder tejido adiposo. Así, la modulación de la cantidad de tejido adiposo en un animal abarca la prevención de que un animal delgado alcance sobrepeso y el tratamiento de un animal con sobrepeso para reducir la cantidad de tejido adiposo en el animal, así como tratar un animal delgado para adicionar tejido adiposo en las circunstancias apropiadas, por ejemplo, cuando en el tratamiento de un animal delgado se determina por las personas experimentadas que por ser tan bajo en peso, la adición de tejido adiposo es deseable. Se pueden usar los métodos convencionales para establecer la cantidad de tejido adiposo en un animal, así como para determinar la masa de músculo magro del animal y/o el contenido mineral óseo, información que puede ser de relevancia en este tipo de mediciones.

El término "polinucleótido" u "oligonucleótido" se refiere a un polímero de nucleótidos. El término abarca moléculas de ADN y ARN (incluyendo ADNc y ARNm), bien sea de cadena sencilla o doble y, si es de cadena sencilla, su secuencia complementaria, bien sea en forma lineal o circular. El término también abarca fragmentos, variantes, homólogos y alelos, según sea apropiado para las secuencias que tienen la misma o sustancialmente las mismas propiedades y realizan la misma o sustancialmente la misma función que la secuencia original. Las secuencias pueden ser totalmente complementarias (sin falta de coincidencias) cuando se alinean o puede tener hasta un 30% de secuencia sin coincidencia. Preferiblemente, para los polinucleótidos, la cadena contiene de 50 a 10,000 nucleótidos, más preferiblemente de 150 a 3,000 nucleótidos. Preferiblemente, para los oligonucleótidos, la cadena contiene de 2 a 100 nucleótidos, más preferiblemente de 6 a 30 nucleótidos. El tamaño exacto de un polinucleótido o un oligonucleótido dependerá de diversos factores y de la aplicación particular y el uso del polinucleótido o del oligonucleótido. El término incluye polímeros de nucleótidos que son sintetizados y que están aislados y purificados a partir de fuentes naturales. El término "polinucleótido" es inclusivo de "oligonucleótido".

El término "polipéptido", "péptido" o "proteína" se refiere a un polímero de aminoácidos. El término abarca de polímeros de origen natural y de origen no natural (sintéticos) y polímeros en los cuales los imitadores químicos artificiales están sustituidos por uno o más aminoácidos. El término también abarca fragmentos, variantes y homólogos que tienen la misma o sustancialmente las mismas propiedades y llevan a cabo la misma o sustancialmente la misma función que la secuencia original. El término abarca polímeros de cualquier longitud, preferiblemente polímeros que contienen de 2 a 1000 aminoácidos, más preferiblemente de 5 a 500 aminoácidos. El término incluye polímeros de aminoácidos que son sintetizados y que son aislados y purificados a partir de fuentes naturales.

El término "sonda" se refiere a (1) un oligonucleótido o un polinucleótido, bien sea ARN o ADN, ya sea de origen natural como en una digestión con enzimas de restricción purificada o producida sintéticamente, que es capaz de aparearse con o hibridarse específicamente a un polinucleótido con secuencias complementarias a la sonda o (2) un péptido o polipéptido capaz de enlazar específicamente una proteína particular o fragmento de proteína a la exclusión sustancial de otras proteínas o fragmentos de proteínas. Una sonda de oligonucleótido o polinucleótido puede ser bien sea de cadena sencilla o doble. La longitud exacta de la sonda dependerá de muchos factores, incluyendo la temperatura, el origen, y el uso. Por ejemplo, para aplicaciones de diagnóstico, dependiendo de la complejidad de la secuencia objetivo, una sonda de oligonucleótido contiene típicamente de 10 a 100, 15 a 50, o de 15 a 25 nucleótidos. En ciertas aplicaciones de diagnóstico, una sonda de polinucleótido contiene 100-1000, 300-600, nucleótidos, preferiblemente 300 nucleótidos. Aquí las sondas son seleccionadas para ser "sustancialmente" complementarias a diferentes cadenas de una secuencia objetivo particular. Esto significa que las sondas deben ser suficientemente complementarias para hibridar o aparear específicamente con sus respectivas secuencias objetivo bajo un conjunto de condiciones predeterminadas. Por lo tanto, la secuencia de la sonda no necesita reflejar la secuencia complementaria exacta del objetivo. Por ejemplo, un fragmento de nucleótido no complementario puede estar unido al extremo 5' o 3' de la sonda, con el resto de la secuencia de la sonda siendo complementaria con la secuencia objetivo. Alternativamente, las bases no complementarias o secuencias más largas pueden ser

- 5 intercaladas en la sonda, siempre que la secuencia de sonda tenga suficiente complementariedad con la secuencia del polinucleótido objetivo para aparear específicamente al polinucleótido objetivo. Una sonda de péptido o polipéptido puede ser cualquier molécula a la que la proteína o el péptido se une específicamente, incluyendo el ADN (para las proteínas enlazantes de ADN), anticuerpos, receptores de membrana celular, péptidos, cofactores, lectinas, azúcares, polisacáridos, células, membranas celulares, membranas de orgánulos y de organelas.
- 10 El término "muestra" significa cualquier tejido animal o fluido que contiene, por ejemplo, polinucleótidos, polipéptidos, anticuerpos, metabolitos, y similares, incluyendo las células y otros tejidos que contienen ADN y ARN. Los ejemplos incluyen tejido adiposo, sangre, cartílago, conectivo, epitelial, linfóide, músculo, nervioso, esputo, y similares. Una muestra puede ser sólida o líquida y puede ser ADN, ARN, ADNc, fluidos corporales tales como sangre u orina, células, preparaciones de células o fracciones solubles o alícuotas de los medios, cromosomas, organelas, y similares.
- 15 El término "empaquete individual" se refiere a que los componentes de un kit están asociados físicamente en o con uno o más contenedores y se consideran una unidad para la manufactura, distribución, venta o uso. Los contenedores incluyen, pero no se limitan a, bolsas, cajas, botellas, paquetes de envoltura encogida, grapados o de otra manera los componentes colocará, o combinaciones de los mismos. Un empaque individual pueden ser contenedores de composiciones alimenticias individuales asociadas físicamente de tal manera que se les considera una unidad para la manufactura, distribución, venta o uso.
- 20 El término "variaciones útiles" significa (1) para un polinucleótido, los complementos del polinucleótido; los homólogos del polinucleótido y sus complementos; las variantes del polinucleótido, sus complementos, y sus homólogos; y los fragmentos del polinucleótido, sus complementos, sus homólogos, y sus variantes y (2) para un polipéptido, los homólogos del polipéptido; las variantes del polipéptido y sus homólogos; y los fragmentos del polinucleótido, sus homólogos, y sus variantes.
- 25 El término "empaquete virtual" significa que los componentes de un kit están asociados por instrucciones en uno o más componentes físicos o virtuales del kit que instruyen al usuario sobre cómo obtener los otros componentes, por ejemplo, en una bolsa que contiene un componente e instrucciones enseñando al usuario a ir a un sitio web, hacer contacto con un mensaje grabado, ver un mensaje visual, o hacer contacto con un profesional de la salud o un instructor para obtener instrucciones sobre cómo usar el kit.
- 30 El término "estándar" se refiere a(1) una muestra de control que contiene el tejido de un animal delgado si un animal con sobrepeso está siendo probado o el tejido de un animal con sobrepeso si un animal delgado está siendo probado o (2) una muestra de control que contiene tejido de un animal de prueba delgado o con sobrepeso que no ha sido expuesto a una sustancia de prueba que está siendo examinada en el correspondiente animal delgado o con sobrepeso para determinar si la sustancia de prueba provoca la expresión del gen diferencial, según sea apropiado para el contexto de su uso.
- 35 El término "condiciones restrictivas" se refiere a (1) la hibridación en formamida al 50% (vol/vol) con albúmina de suero bovino al 0.1%, Ficoll al 0.1%, polivinilpirrolidona al 0.1%, regulador de fosfato de sodio 50 mM a pH 6.5 con NaCl 750 mM, citrato de sodio 75 mM a 42°C, (2) la hibridación en formamida al 50%, SSC 5x (NaCl 0.75 M, citrato de sodio 0.075 M), fosfato de sodio 50 mM (pH 6.8), pirofosfato de sodio al 0.1%, solución de Denhardt 5x, ADN de esperma de salmón sonicado (50 mg/ml), SDS al 0.1%, y sulfato de dextrano al 10% a 42°C; con lavados a 42°C en SSC 0.2x y SDS al 0.1% o lavados con NaCl 0.015 M, citrato de sodio 0.0015 M, Na₂SO₄ al 0.1% a 50°C o procedimientos similares que emplean baja resistencia iónica similar y agentes de lavado de alta temperatura y agentes desnaturizantes similares.
- 40 El término "sustancia" significa un elemento, compuesto, molécula, o una mezcla de los mismos o cualquier otro material que potencialmente podría ser útil para diagnosticar, pronosticar, o modular la cantidad de tejido adiposo en animales, incluyendo cualquier fármaco, entidad química o entidad biológica.
- 45 El término "siARN" se refiere a un polinucleótido que forma un ARN de doble cadena que reduce o inhibe la expresión de un gen cuando el siARN es expresado en la misma célula como el gen. El término abarca ARN de doble cadena formada por cadenas complementarias. Las porciones complementarias de siARN que se hibridan para formar la molécula de doble cadena típicamente tienen identidad sustancial o completa. Típicamente, siARN contiene al menos 15-50 nucleótidos y el siARN de doble cadena contiene 15-50 pares de bases, preferiblemente 50 20-30 nucleótidos y de pares de bases.
- 55 El término "enlaza específicamente" significa una interacción especial y precisa entre dos moléculas que es dependiente de su estructura, en particular sus grupos laterales moleculares. Por ejemplo, la intercalación de una proteína reguladora en el surco mayor de una molécula de ADN, los enlazantes de hidrógeno a lo largo de la estructura entre dos ácidos nucleicos de cadena sencilla, o el enlazamiento entre un epítipo de una proteína y un agonista, antagonista o anticuerpo.

El término "hibridar específicamente" significa a una asociación entre dos polinucleótidos de cadena sencilla de secuencia suficientemente complementaria para permitir tal hibridación bajo condiciones predeterminadas utilizadas generalmente en la técnica (a veces denominada "sustancialmente complementaria"). Por ejemplo, el término puede referirse a la hibridación de una sonda de polinucleótido con una secuencia sustancialmente complementaria contenida dentro de una molécula de ADN o ARN de cadena sencilla de acuerdo con un aspecto de la invención, a la exclusión sustancial de la hibridación de la sonda de polinucleótido con polinucleótidos de cadena sencilla de secuencia no complementaria.

El término "variante" significa (1) una secuencia de polinucleótido que contiene cualquier sustitución, variación, modificación, sustitución, eliminación o adición de uno o más nucleótidos desde o hacia una secuencia de polinucleótidos y que tiene la misma o sustancialmente las mismas propiedades y realiza la misma o sustancialmente la misma función que la secuencia original y (2) una secuencia de polipéptido que contiene cualquier sustitución, variación, modificación, sustitución, supresión o adición de uno o más aminoácidos de o para una secuencia de polipéptido y que tiene la misma o sustancialmente las mismas propiedades y realiza la misma o sustancialmente la misma función como la secuencia original. Por tanto, el término incluye polimorfismos de nucleótido sencillo (SNPs) y variantes alélicas e incluye sustituciones de aminoácidos conservativas y no conservativas en polipéptidos. El término también abarca la derivación química de un polinucleótido o polipéptido y la sustitución de nucleótidos o aminoácidos con nucleótidos o aminoácidos que no se producen naturalmente, según sea apropiado.

La invención no se limita a la metodología, protocolos y reactivos particulares descritos aquí, ya que pueden variar. Además, la terminología usada aquí es con el propósito de describir solamente realizaciones particulares y no se pretende limitar el alcance de la presente invención. Tal como se utiliza aquí y en las reivindicaciones anexas, las formas singulares "un", "una" y "el/la" incluyen la referencia en plural a menos que el contexto dicte claramente otra cosa, por ejemplo, la referencia a "una variante" incluye una pluralidad de variantes. Además, los términos definidos incluyen las variaciones de los términos utilizados en el contexto gramatical adecuado, por ejemplo, la expresión "se enlaza específicamente" incluye "enlazamiento específico" y otras formas del término. De la misma forma, las palabras "comprenden", "comprende" y "que comprende" se deben interpretar inclusivamente en vez de exclusivamente.

A menos que se defina otra cosa, todos los términos técnicos y científicos y cualesquiera acrónimos utilizados aquí, tienen los mismos significados según se entienden comúnmente por una persona de experiencia normal en la técnica en el campo de la invención. Aunque cualesquiera composiciones, métodos, artículos de manufactura, u otros medios o materiales similares o equivalentes a los aquí descritos pueden ser utilizados en la práctica de la presente invención, se describen aquí las composiciones preferidas, los métodos, artículos de manufactura, u otros medios o materiales.

Modulación de la expresión de la proteína del gen

En una realización, la descripción comprende uno o más genes o segmentos de genes ("genes" como se define aquí) que son expresados diferencialmente en el tejido adiposo y/o linfocitos de animales con sobrepeso en comparación con el tejido adiposo y/o linfocitos de animales delgados. La invención está basada en el descubrimiento de genes expresados diferencialmente que están representados por 445 polinucleótidos en el tejido adiposo de animales con sobrepeso en comparación con el tejido adiposo de los animales delgados y 1767 polinucleótidos en los linfocitos tomados de los animales con sobrepeso en comparación con los linfocitos de los animales delgados. La invención está basada adicionalmente en la identificación de 7 genes clave involucrados en el metabolismo de los ácidos grasos que son expresados diferencialmente entre animales con sobrepeso y animales delgados y se listan en la tabla 3. Estos genes clave representan miembros de la familia piruvato deshidrogenasa quinasa, la familia carnitina palmiloiltransferasas (transportadores de ácidos grasos) y la familia de portadores de solutos 27 (transportadores de ácidos grasos) y los genes asociados con la elongación de los ácidos grasos de cadena larga, con la familia del piruvato deshidrogenasa quinasa y la familia de la carnitina palmiloiltransferasa siendo el más importante y en algunas instancias las enzimas que limitan la rata. Los genes fueron identificados mediante la comparación de la expresión de genes en el tejido adiposo y los linfocitos tomados de animales diagnosticados como en sobrepeso con los genes en el tejido adiposo y los linfocitos procedentes de animales diagnosticados como delgados utilizando la tecnología de Affymetrix GeneChip®. Los polinucleótidos se muestran en las Tablas 1, 2 y 3. Las tablas contienen información del Número de Identificación de la sonda Affymetrix (en adelante "APIN"), el valor de p, el valor de q, doble expresión (obeso/delgado), la anotación superior BLAST de la sonda en cuestión, el Número de Acceso de más alto BLAST Hit, el símbolo del gen y, finalmente, en la última columna se da la descripción del gen. Una descripción del gen putativo o real puede ser en algunas instancias obtenida a partir de la base de datos BLAST usando métodos conocidos por las personas experimentadas. Generalmente, la función del gen putativo o real se determina por (1) la identificación del APIN para cada gen que tenía 1,3 veces o más la expresión del gen en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados, (2) determinar la secuencia de nucleótidos de cada uno de tales genes introduciendo el APIN en la base de datos de Affymetrix disponible para el público que correlaciona los números APIN con secuencias, y. (3) introducir la secuencia de nucleótidos en la base de datos BLAST provista por the National Institutes of Health y determinar que

la función del gen putativo o real de la secuencia resultante coincide con las secuencias homólogas en la base de datos.

5 Los polinucleótidos y los genes se identifican mediante la medición de las diferencias en la expresión del gen del tejido adiposo y los linfocitos de los caninos diagnosticados con sobrepeso con la expresión del gen en el tejido adiposo, y los linfocitos de los caninos diagnosticados como delgados. Los cambios en la expresión del gen se pueden determinar mediante cualquier método conocido por las personas experimentadas. Generalmente, los cambios en la expresión del gen se determinan mediante la medición de la transcripción (la determinación de la cantidad de ARNm producido por un gen) o medir la traducción (la determinación de la cantidad de proteína producida por un gen). La cantidad de ARN o proteína producida por un gen se puede determinar usando cualquier método conocido por las personas experimentadas para la cuantificación de polinucleótidos y proteínas. Generalmente, la expresión de ARN se determina usando métodos que incluyen pero no se limitan a la reacción en cadena de la polimerasa (PCR) (incluyendo, sin limitación, la PCR por transcripción reversa (RT-PCR) y PCR cuantitativa en tiempo real (qPCR)), protección de RNasa, transferencia Northern, y otros métodos de hibridación. El ARN medido es típicamente en la forma de ARN o ARNm de transcripción reversa o ADN complementario (ADNc). 10 La expresión de proteína o polipéptido se determina usando diversos, ensayos y métodos de fluorescencia y espectroscópicas colorimétricos, incluyendo pero no limitado a transferencia Western, ELISA, Monitoreo de Reacción Múltiple, Fase Reversa y Conjuntos de Anticuerpos. En un método preferido, los cambios en la expresión del gen se determinan utilizando Canino-1 y canino-2 de Affymetrix GeneChip® disponibles para la compra de Affymetrix, Inc. y las instrucciones para el uso de tales chips para determinar la expresión del gen. 15

20 Generalmente, la expresión diferencial del gen en animales con sobrepeso comparado con animales delgados se determina midiendo la expresión de al menos un gen. Preferiblemente, la expresión de dos o más genes expresados diferencialmente se mide para proveer un patrón de expresión del gen o un perfil de expresión del gen. Más preferiblemente, se mide la expresión de una pluralidad de genes expresados diferencialmente.

25 Los polinucleótidos, genes, proteínas codificadas por los polinucleótidos y genes, y los complementos, homólogos, variantes, o fragmentos basados en las secuencias son útiles en una variedad de ensayos de pronósticos y de diagnósticos relativos a la cantidad de tejido adiposo en un animal y son útiles para seleccionar sustancias de prueba para determinar si las sustancias son útiles para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal. Otros usos serán evidentes a partir de la descripción de la invención contenida aquí.

30 En otro aspecto, la descripción provee una combinación que comprende dos o más polinucleótidos que se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados o dos o más proteínas producidas por la expresión de dos o más polinucleótidos que se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. En un aspecto, la combinación comprende dos o más polinucleótidos o proteínas expresadas a partir de polinucleótidos seleccionados de las Tablas 1 y 2 y, preferiblemente, de la Tabla 3. Preferiblemente, la combinación comprende una pluralidad de polinucleótidos o proteínas expresadas a partir de polinucleótidos identificados en las Tablas 1 y 2 y, preferiblemente, de la Tabla 3, generalmente 10, 20, 50, 100, 200, o más polinucleótidos o proteínas, según sea apropiado para un grupo y uso particular. Cuando la combinación comprende uno o más fragmentos, los fragmentos pueden ser de cualquier tamaño que retiene las propiedades y la función del polinucleótido o proteína original, preferiblemente de 30%, 60%, o 90% de la original. Los polinucleótidos y la proteínas pueden ser de cualquier animal, preferiblemente caninos y felinos, más preferible de los caninos. 35 40

45 En otro aspecto, la descripción provee una composición que comprende dos o más sondas de oligonucleótidos o polinucleótidos adecuados para la detección de la expresión de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. En una realización, las sondas comprenden polinucleótidos seleccionados de las Tablas 1 y 2 y preferiblemente de la Tabla 3. En otra, las sondas comprenden variaciones útiles de tales polinucleótidos. Las sondas contienen un número suficiente de nucleótidos para hibridar específicamente sustancialmente exclusivamente con polinucleótidos complementarios apropiados. En ciertas realizaciones, las sondas comprenden al menos 10, 15, 20, 25, o 30 nucleótidos. En algunas realizaciones, las sondas contienen más nucleótidos y comprenden al menos 30, 50, 70, 90 o 100 nucleótidos, o más. Las sondas pueden comprender genes funcionales de longitud completa de la presente invención. Preferiblemente, la composición comprende una pluralidad de sondas de polinucleótidos adecuados para la detección de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, generalmente 10, 50, 200, 500, 1000, o 2000, o más sondas. Preferiblemente, la composición comprende una pluralidad de sondas de polinucleótidos adecuados para la detección de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, generalmente 10, 50, 200, 500, 1000, o 2000, o más sondas. Las sondas de polinucleótidos son hechas o son obtenidas utilizando métodos conocidos por las personas experimentadas, por ejemplo, la síntesis in vitro de los nucleótidos, el aislamiento y purificación a partir de fuentes naturales, o la escisión enzimática de los genes de la presente invención. 50 55

60 En otro aspecto, la descripción provee un dispositivo adecuado para detectar la expresión de una pluralidad de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. El dispositivo comprende un sustrato que tiene una pluralidad de sondas de oligonucleótidos o polinucleótidos de la

presente invención fijado al sustrato en posiciones conocidas. El dispositivo es esencialmente una versión inmovilizada de las sondas de oligonucleótidos o polinucleótidos descritos aquí. El dispositivo es útil para la detección rápida y específica de los genes y los polinucleótidos y sus patrones y perfiles de expresión. Típicamente, dichas sondas están enlazadas a un sustrato o un soporte sólido similar y una muestra que contiene uno o más polinucleótidos (por ejemplo, un gen, un producto de PCR, un producto de reacción en cadena de la ligasa (LCR), una secuencia de ADN que ha sido sintetizada utilizando técnicas de amplificación, o una mezcla de los mismos) está expuesta a las sondas de tal manera que los polinucleótidos de la muestra puede hibridar con las sondas. Cualquiera de las sondas, los polinucleótidos de la muestra, o ambas, están etiquetadas, típicamente con un fluoróforo u otra etiqueta tal como estreptavidina, y se detecta usando métodos conocidos por las personas experimentadas. Si los polinucleótidos de la muestra están etiquetados, la hibridación puede detectarse mediante la detección de la fluorescencia unida. Si las sondas son marcadas, la hibridación se detecta típicamente por la etiqueta de detección. Si tanto la sonda y los polinucleótidos de la muestra se etiquetan, la hibridación se detecta típicamente mediante el control de un cambio de color que resulta de la proximidad de las dos etiquetas enlazadas. Una variedad de estrategias y etiquetas de etiquetado son conocidas por las personas experimentadas, en particular para etiquetas fluorescentes. Preferiblemente, las sondas se inmovilizan sobre sustratos adecuados para la formación de un conjunto (conocido por varios nombres, incluyendo microconjunto de ADN, chips del gen, biochip, chip de ADN, y el conjunto de genes) comparables a los conocidos en la técnica.

En otro aspecto, la descripción provee una composición que comprende dos o más sondas de péptidos o polipéptidos adecuado para la detección de la expresión de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. En una realización, las sondas comprenden péptidos o polipéptidos que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos que comprenden secuencias seleccionadas de las Tablas 1 y 2. En otra, las sondas comprenden péptidos o polipéptidos que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos que comprenden secuencias seleccionadas de la Tabla 3. En otra, las sondas comprenden péptidos o polipéptidos que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más variaciones útiles de tales polipéptidos. Las sondas contienen un número suficiente de aminoácidos para enlazar específicamente a los polipéptidos apropiados. Preferiblemente, las sondas comprenden al menos 4, 10, 20, 40, u 80 aminoácidos. En algunas realizaciones, las sondas contienen más aminoácidos y comprenden al menos 100 o más aminoácidos. Las sondas pueden comprender proteínas funcionales de longitud completa derivadas de la expresión de los genes funcionales de longitud completa identificados por la presente invención. Preferiblemente, la invención provee una pluralidad de sondas de polipéptidos adecuadas para la detección de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, más preferiblemente una colección de 10, 50, 100, 500, o 1000 o más de tales sondas. En una realización, las sondas son anticuerpos, preferiblemente anticuerpos monoclonales.

Las sondas de polipéptidos se pueden hacer de acuerdo con métodos convencionales, por ejemplo, utilizando los datos de la secuencia de nucleótidos provistas para polinucleótidos de la presente invención y los métodos conocidos en la técnica. Tales métodos incluyen, pero no se limitan a, aislar polipéptidos directamente de las células, aislar o sintetizar ADN o ARN que codifica los polipéptidos y utilizando el ADN o ARN para producir productos recombinantes, sintetizar químicamente los polipéptidos a partir de aminoácidos individuales, y la producción de fragmentos de polipéptidos por escisión química de polipéptidos existentes.

En otro aspecto, la descripción provee un dispositivo adecuado para detectar la expresión de una pluralidad de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. El dispositivo comprende un sustrato que tiene una pluralidad de sondas de péptido o polipéptido de la presente invención fijadas al sustrato en posiciones conocidas. El dispositivo es esencialmente una versión inmovilizada de las sondas de péptido o polipéptido descrita aquí. El dispositivo es útil para la detección rápida y específica de las proteínas y sus patrones de expresión. Típicamente, tales sondas están enlazadas a un sustrato y una muestra que contiene una o más proteínas está expuesta a las sondas de tal manera que las proteínas de la muestra pueden hibridar a las sondas. En ciertas realizaciones, las sondas, las proteínas de la muestra, o ambas, son etiquetadas y detectadas, típicamente con un fluoróforo u otro agente conocido por las personas experimentadas. Generalmente, los mismos métodos y la instrumentación usada para la lectura de microconjuntos de polinucleótido es aplicable a los conjuntos de proteínas. Preferiblemente, las sondas se inmovilizan sobre un sustrato adecuado para formar un conjunto.

Los métodos para determinar la cantidad o concentración de proteína en una muestra son conocidos por las personas experimentadas. Tales métodos incluyen radioinmunoensayos, ensayos de enlazamiento competitivo, análisis de transferencia Western, y ensayos ELISA. Para los métodos que utilizan anticuerpos, son adecuados los anticuerpos policlonales y monoclonales. Tales anticuerpos pueden ser inmunológicamente específicos para una proteína, epitopo de proteína, o fragmento de proteína.

Algunos aspectos de la descripción utilizan anticuerpos para la detección y cuantificación de proteínas producidas por la expresión de los polinucleótidos de la presente invención. Aunque las proteínas pueden ser detectadas mediante inmunoprecipitación, separación por afinidad, análisis de transferencia Western, conjuntos de proteínas, y similares, un método preferido utiliza la tecnología de ELISA en donde el anticuerpo es inmovilizado sobre un

soporte sólido y una proteína objetivo o péptido está expuesto al anticuerpo inmovilizado. O bien la sonda, o el objetivo, o ambos, pueden ser marcados usando métodos conocidos.

5 En algunos aspectos los patrones de expresión o perfiles de una pluralidad de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados son observados utilizando un conjunto de sondas para detectar polinucleótidos o polipéptidos. En una realización, los conjuntos de sondas de oligonucleótidos o polinucleótidos pueden ser utilizadas, mientras que otra realización puede utilizar conjuntos de anticuerpos u otras proteínas que se enlazan específicamente a los productos de los genes expresados diferencialmente de la presente invención. Tales conjuntos pueden estar disponibles comercialmente o pueden ser hechas a la medida utilizando métodos conocidos por las personas experimentadas, por ejemplo, la síntesis in situ sobre un soporte sólido o fijación de sondas presintetizadas a un soporte sólido a través de técnicas de microimpresión. En diversas realizaciones, los conjuntos de sondas de polinucleótidos o polipéptidos son hechos a la medida para detectar específicamente transcritos o proteínas producidas por los genes expresados diferencialmente de la presente invención.

15 En un aspecto, conjuntos de sondas de polinucleótidos o polipéptidos sondas son hechas a la medida para detectar específicamente transcritos o proteínas producidas por dos o más polinucleótidos o genes identificados en la Tabla 2. Estas sondas están diseñadas para detectar genes asociados con rutas de metabolismo de lípidos y glucosa en animales. En otra realización, los conjuntos de sondas de polinucleótidos o polipéptidos son hechas a la medida para detectar específicamente transcritos o proteínas producidas por dos o más polinucleótidos o genes identificados en la Tabla 3. Estas sondas están diseñadas para detectar los genes que son particularmente relevantes para los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados.

25 En un aspecto adicional, la descripción provee un método para detectar la expresión diferencial de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en una muestra. El método comprende (a) hibridar una combinación que comprende una pluralidad de sondas de polinucleótidos que se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados con polinucleótidos en la muestra para formar uno o más complejos de hibridación; (b) opcionalmente, hibridar una combinación que comprende una pluralidad de sondas de polinucleótidos que se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados con polinucleótidos en un estándar para formar uno o más complejos de hibridación; (c) detectar los complejos de hibridación de la muestra y, opcionalmente, el estándar de la etapa (b); y (d) comparar los complejos de hibridación de la muestra con los complejos de hibridación a partir de un estándar, en donde una diferencia en la cantidad de complejos de hibridación entre el estándar y la muestra indica la expresión diferencial de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en la muestra. En diversas realizaciones, la pluralidad de sondas de polinucleótidos son seleccionadas de las Tablas 1 y 2 y, preferentemente, de la tabla 3. Estos polinucleótidos son usados para preparar sondas que hibridan con los polinucleótidos de la muestra para formar complejos de hibridación que son detectados y comparados con aquellos del estándar. En algunas realizaciones, los polinucleótidos de la muestra son amplificados antes de la hibridación. En algunas realizaciones, las sondas se enlazan a un sustrato, preferiblemente en un conjunto.

40 La etapa (b) y parte de la etapa (c) son opcionales y se utilizan si se va a llevar a cabo una comparación relativamente contemporánea de dos o más sistemas de prueba. Sin embargo, en una realización preferida, el estándar utilizado para la comparación se basa en datos obtenidos previamente utilizando el método.

45 Estas sondas son expuestas a una muestra para formar complejos de hibridación que se detectan y se comparan con aquellos de un estándar. Las diferencias entre los complejos de hibridación de la muestra y el estándar indican expresión diferencial de polinucleótidos y, por tanto, genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en la muestra. En una realización preferida, las sondas se hacen para detectar específicamente polinucleótidos o fragmentos de los mismos producidos por uno o más de los genes o fragmentos de genes identificados por la presente invención. Los métodos para detectar complejos de hibridación son conocidos por las personas experimentadas.

50 En un aspecto, el método de la descripción comprende además, exponer el animal o la muestra a una sustancia de prueba antes de la hibridación. Entonces, la comparación es indicativa de si la sustancia de prueba altera la expresión de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente los genes asociados a la grasa, en la muestra.

55 En otro aspecto, la descripción provee un método para detectar la expresión diferencial de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en una muestra. El método comprende (a) hacer reaccionar una combinación que comprende una pluralidad de sondas de polipéptidos con proteínas en la muestra bajo condiciones que permiten el enlazamiento específica entre las sondas y las proteínas que se produzcan, en donde las proteínas enlazadas por las sondas se expresan diferencialmente en un animal con sobrepeso en comparación con un animal delgado; (b) opcionalmente, hacer reaccionar una combinación que comprende una pluralidad de sondas de polipéptidos con proteínas en un estándar bajo condiciones que permiten enlace específico entre las sondas y las proteínas que se produzcan, en donde las proteínas enlazadas por

las sondas se expresan diferencialmente en un animal con sobrepeso en comparación con un animal delgado; (c) detectar en enlace específica en la muestra y, opcionalmente, el estándar de la etapa (b); y (d) comparar el enlace específico en la muestra con el de un estándar, en donde las diferencias entre el enlace específico en el estándar y la muestra indican expresión diferencial de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en la muestra.

En diversas realizaciones, la pluralidad de sondas de polipéptidos son sondas que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos seleccionados de las Tablas 1 y 2 y, preferiblemente de la Tabla 3 y las variaciones útiles de tales polinucleótidos. Estos polinucleótidos se usan para preparar sondas que se enlazan específicamente a las proteínas que se detectan y se comparan con aquellas de la norma. En algunas realizaciones, las sondas se enlazan a un sustrato, preferiblemente en un conjunto. En una realización, las sondas son anticuerpos.

La etapa (b) y parte de la etapa (c) son opcionales y se utilizan si se va a llevar a cabo una comparación relativamente contemporánea de dos o más sistemas de prueba. Sin embargo, en una realización preferida, el estándar utilizado para la comparación se basa en datos obtenidos previamente utilizando el método.

Estas sondas están expuestas a una muestra para formar enlace específico que se detecta y se compara con los de un estándar. Las diferencias entre el enlace específico de la muestra y el estándar indican expresión diferencial de las proteínas y, por tanto, los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa, en la muestra. En una realización preferida, las sondas se hacen para detectar específicamente proteínas o fragmentos de las mismas producidas por uno o más de los genes o fragmentos de genes identificados por la presente invención.

En un aspecto, la descripción comprende adicionalmente, exponer el animal o la muestra a una sustancia de prueba antes de reaccionar los polipéptidos con las proteínas. Entonces, la comparación es indicativo de si la sustancia de prueba altera la expresión de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa, en la muestra.

En otro aspecto, el método de la descripción para detectar la expresión de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en una muestra se utiliza para monitorear el progreso de un animal cuando se intenta modular la cantidad de tejido adiposo en el animal en respuesta a una programa de modulación del tejido adiposo. El método se realiza a intervalos, preferiblemente intervalos establecidos, durante el programa de modulación y el progreso del animal monitoreado mediante la comparación de los resultados del método en dos o más puntos durante el programa de modulación. Un cambio en la expresión de uno o más de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente los genes asociados a la grasa, o en el patrón de la expresión del gen, o la falta de cualquier cambio, que resulta de la comparación, indica la efectividad de los programa de modulación. Por ejemplo, un programa de modulación de tejido adiposo diseñado para reducir la cantidad de tejido adiposo en un animal pudo ser monitoreado y demostró ser efectivo si la cantidad de la expresión del gen para los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa, disminuye durante el tiempo en respuesta al estímulo en el programa. De la misma forma, un programa para incrementar el tejido adiposo en un animal delgado o demasiado delgado debe incrementar el perfil de expresión de tales genes. El programa de modulación puede ser cualquier plan para modular la cantidad de tejido adiposo en el animal, tal como una dieta, ejercicio, fármacos, u otro programa similar.

En un aspecto adicional, la descripción provee un método para medir el efecto de una sustancia de prueba en el perfil de expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados y un método para seleccionar una sustancia de prueba para determinar si es probable que sea útil para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal. Los métodos comprenden (a) determinar un primer perfil de expresión mediante la medición de los productos de transcripción o de traducción de dos o más polinucleótidos seleccionados de las Tablas 1 y 2 y, preferiblemente, de la Tabla 3 o variaciones útiles de los mismos en un sistema de prueba en la ausencia de la sustancia de prueba; (b) determinar un segundo perfil de expresión mediante la medición de los productos de transcripción o de traducción de dos o más polinucleótidos seleccionados de las Tablas 1 y 2 y, preferiblemente, de la Tabla 3 o variaciones útiles de los mismos en un sistema de prueba en la presencia de la sustancia de prueba; y (c) comparar el primer perfil de expresión con el segundo perfil de expresión.

Un cambio en el segundo perfil de expresión comparado con el primer perfil de expresión de 1,3 veces o más indica que la sustancia de prueba afecta la expresión de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados y que la sustancia de prueba es probable que sea útil para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal. En una realización preferida, los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados son genes clave asociados con el metabolismo de ácidos grasos y el cambio es un cambio de 1.3 veces o más en la expresión de al

menos dos genes entre el primer perfil de expresión con el segundo perfil de expresión. La invención también provee las sustancias identificadas usando el método.

En una realización, los polinucleótidos se seleccionan de la Tabla 3 o variaciones útiles de los mismos y el cambio es 1,3 veces o más.

- 5 En una realización, el sistema de prueba es un sistema de prueba *in vitro* tal como un cultivo de tejido, extracto celular o línea celular. En otro, el sistema de prueba es un sistema de prueba *in vivo*, esto es, un animal tal como un canino. En otras realizaciones, el sistema de prueba es un sistema de tejido *ex vivo* o un sistema *in silico*.

Las sustancias de prueba pueden ser cualquier sustancia que pueda tener un efecto sobre los polinucleótidos o los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa. Las sustancias de prueba incluyen, pero no se limitan a, aminoácidos; proteínas, péptidos, polipéptidos, ácidos nucleicos, oligonucleótidos, polinucleótidos, moléculas pequeñas, macromoléculas, vitaminas, minerales, azúcares simples; azúcares complejos; polisacáridos; carbohidratos; triglicéridos de cadena media (MCT); triacilglicéridos (TAG); ácidos grasos n-3, incluyendo DHA, EPA, ALA (omega-3); ácidos grasos n-6 (omega-6), incluyendo LA, ácido γ -linolénico (GLA) y ARA; SA, MA, ácido linoleico conjugado (CLA); fuentes de colina tales como lecitina; vitaminas solubles en grasa como la vitamina A y precursores de los mismos tales como carotenoides (por ejemplo, β -caroteno), fuentes de vitamina D tales como la vitamina D2 (ergocalciferol) y la vitamina D3 (colecalfiferol), fuentes de vitamina E tales como tocoferoles (por ejemplo, α -tocoferol) y tocotrienoles, y las fuentes de la vitamina K tales como la vitamina K1 (filoquinona) y vitamina K2 (menadiona); vitaminas solubles en agua incluyendo vitaminas B tal como riboflavina, niacina (incluyendo nicotinamida y ácido nicotínico), piridoxina, ácido pantoténico, ácido fólico, biotina y cobalamina; y la vitamina C (ácido ascórbico); antioxidantes, incluyendo algunas de las vitaminas listadas anteriormente, especialmente las vitaminas E y C; también bioflavonoides como catequina, quercetina y teaflavina; quinonas tales como ubiquinona; carotenoides como el licopeno y licoxantina; resveratrol; y ácido α -lipoico; L-carnitina; D-limoneno; glucosamina; S-adenosilmetionina; y quitosano. En una realización preferida, las sustancias de prueba son nutrientes que pueden añadirse a los alimentos o se consumen como un suplemento. Los ejemplos incluyen, pero no se limitan a, ácidos grasos tales como ácidos grasos omega-3 (por ejemplo, DHA y EPA) y ácidos grasos omega-6 (por ejemplo, ARA), carnitina, metionina, vitamina C, vitamina E, y vitamina D.

10
15
20
25

En una realización preferida, las sustancias útiles para afectar la expresión de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con animales delgados, particularmente genes asociados con la grasa, se pueden identificar usando métodos divulgados en la Solicitud de Patente Provisional copendiente de los Estados Unidos No. 60/657980, presentada el 2 de marzo de 2005, los Estados Unidos y cualquier posterior solicitud de patente en EEUU o extranjera que reivindica prioridad a la misma

30

En una realización adicional, la descripción abarca un método para formular una prognosis de que un animal es propenso a tener sobrepeso o el desarrollo de una diagnosis de que un animal es obeso. El método comprende determinar si uno o más polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 o variaciones útiles de los mismos o uno o más polipéptidos que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos seleccionada de las tablas 1, 2 o variaciones útiles de los mismos son expresados diferencialmente en el animal comparado con uno o más animales delgados. Se determina que es probable que el animal alcance sobrepeso o se determina que tiene sobrepeso si la comparación indica que los polinucleótidos son expresados diferencialmente en el animal en comparación con los animales delgados por unas 1.3 veces o más.

35
40

En diversas realizaciones, la prognosis o la diagnosis está basada en los polinucleótidos seleccionados de la Tabla 3, o variaciones útiles de tales polipéptidos.

El perfil de expresión para los animales delgados utilizados en la comparación se puede obtener a partir de uno o más animales delgados de forma contemporánea con el perfil de expresión para el animal que está siendo probado a partir de una base de datos de perfiles de expresión de animales delgados. Preferiblemente, una base de datos de perfiles de expresión de animales delgados acumulada con el tiempo está disponible para su uso como una referencia.

45

Determinar si los polinucleótidos o polipéptidos se expresan diferencialmente puede lograrse mediante la detección de los polinucleótidos o polipéptidos usando métodos conocidos por las personas experimentadas, algunos de los cuales se describen aquí.

50

En otro aspecto, la descripción provee un método para manipular el genoma o la expresión del genoma de un animal, particularmente un animal no humano. El método comprende la interrupción de la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en animales con sobrepeso en comparación con animales delgados, utilizando preferiblemente oligonucleótidos o polinucleótidos construidos usando polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 y preferentemente de la Tabla 3 o variaciones útiles de los mismos.

55

Métodos de manipular el genoma son conocidos por aquellos expertos en la técnica. Tales métodos incluyen la producción de transgénicos y animales con anulación y la interrupción de la transcripción o la traducción. En una realización, uno o más polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 o variaciones útiles de los mismos se usan para preparar un constructo útil para interrumpir o "anular" el gen endógeno correspondiente en un animal. Este método produce un animal que tiene una mutación nula para ese locus del gen. En otras realizaciones, los animales exhiben una reducción o eliminación completa de la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa. La invención también provee un animal producido utilizando el método. En diversas realizaciones, el genoma es manipulado utilizando los uno o más polinucleótidos seleccionados de la Tabla 3, o variaciones útiles de tales secuencias. Los animales transgénicos son preferiblemente mamíferos, por ejemplo, roedores tales como ratones y ratas, pero pueden ser otros mamíferos tales como felinos y caninos.

Métodos de manipulación de la expresión del genoma son conocidos por las personas experimentadas. Tales métodos incluyen el uso de moléculas antisentido o siARN y el uso de tales moléculas para interrumpir la traducción o la transcripción del genoma. En una realización, uno o más polinucleótidos seleccionados de las Tablas 1 y 2 y preferiblemente de la Tabla 3 o variaciones útiles de los mismos se utilizan para preparar moléculas enlazantes de ADN antisentido y similares que son útiles para interrumpir la transcripción o para preparar ARN interferentes cortos (pequeños) (siRNA) útiles para interrumpir funcionalmente la traducción. Brevemente, la expresión del gen es inhibida por moléculas antisentido a través del enlazamiento a ADN y prevenir la transcripción y un siRNA a través de la interferencia de ARN (ARNi) o silenciamiento génico postranscripcional (PTGS). Las moléculas siARN objetivo de homólogos de moléculas ARNm para la destrucción mediante la escisión de la molécula de ARNm dentro de la región abarcada por la molécula de siARN. De acuerdo con lo anterior, las siARN capaces de dirigir y escindir un mar transcrito a partir de un gen asociado a la grasa es usado para disminuir o eliminar la expresión de uno o más de tales genes. En otras realizaciones, las moléculas antisentido capaces de enlazarse a ADN y siARN capaces de dirigir y escindir mar transcrito a partir de uno o más polinucleótidos o genes seleccionados de las tablas 1 y 2 y, preferentemente, de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos.

En otro aspecto, la descripción provee una composición adecuada para manipular el genoma de un animal. La composición comprende una o más sustancias que interfieren con la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa. Preferiblemente, las sustancias comprenden oligonucleótidos o polinucleótidos que se enlazan a uno o más de los genes o sus productos de transcripción e interfiere con su replicación, transcripción o traducción, más preferiblemente oligonucleótidos o polinucleótidos construidos usando polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2, y preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos. En diversas realizaciones, las sustancias comprenden moléculas antisentido o siARN.

En otra realización, la descripción provee un método para modular la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con animales delgados, en particular genes asociados a la grasa, o que modulan la cantidad de tejido adiposo en un animal que comprende administrar al animal una cantidad de expresión génica o la modulación de tejido de una composición que comprende uno más de DHA, EPA, EPA y DHA, ALA, LA, ARA, SA y MA. En realizaciones preferidas, la composición comprende, en miligramos por kilogramo de peso corporal por día (mg/kg/día), DHA en cantidades de 1 a 30, preferiblemente de 3 a 15; EPA en cantidades de 1 a 30, preferiblemente de 3 a 15; Combinación EPA/DHA (relación 1.5:1) en cantidades de 4/2 a 30/45, preferiblemente de 9/6 a 18/12; ALA en cantidades de 10 a 100, preferiblemente de 30 a 60; LA en cantidades de 30 a 600, preferiblemente de 60 a 300; ARA en cantidades de 5 a 50, preferiblemente de 15 a 30; SA en cantidades de 3 a 60, preferiblemente de 6 a 30; MA en cantidades de 3 a 60, preferiblemente de 6 a 30; y CLA (como un control) en cantidades de 6 a 120, preferiblemente de 12 a 60. La composición se puede administrar al animal de cualquier manera o de forma adecuada para la composición. Preferiblemente, la composición se administra al animal por vía oral en forma de una composición alimentaria o un suplemento. La composición alimenticia puede ser de cualquier forma, por ejemplo, una composición nutricionalmente equilibrada de alimentos conocidos en la técnica, tales como alimentos secos, alimentos semihúmedos y alimentos húmedos para animales, particularmente animales de compañía tales como animales felinos y caninos. Los suplementos incluyen formas de dosificación tales como tabletas, cápsulas, y formas similares. En un aspecto adicional, la composición se administra en combinación con uno o más fármacos u otras sustancias que modulan la cantidad de tejido adiposo en un animal. Los fármacos o sustancias incluyen, pero no se limitan a, las sustancias que suprimen el apetito, incrementan el metabolismo, o interfieren con la absorción de nutrientes específicos, en particular de los alimentos. Los ejemplos incluyen, pero no se limitan a, orlistat (bloques de descomposición y absorción de las grasas), anorexígenos tales como dexedrina (suprime el apetito), anoréticos tales como anorexígenos fenfluramina y fentermina, sibutramina y, fenilpropanolamina,

En otro aspecto, la invención provee una composición adecuada para modular la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, en particular genes asociados a la grasa, o que modulan la cantidad de tejido adiposo en un animal. La composición puede comprender una expresión del gen o el tejido que modula la cantidad de uno o más de DHA, EPA, EPA y DHA, ALA, LA, ARA, SA, MA. En algunas realizaciones, la composición comprende, en mg/kg/día, DHA en cantidades suficientes para administrar a un animal de 1 a 30; EPA en cantidades suficientes para administrar a un

- 5 animal de 1 a 30; Combinación EPA/DHA (relación 1.5:1) en cantidades suficientes para administrar a un animal de 4/2 a 30/45; ALA en cantidades suficientes para administrar a un animal de 10 a 100; LA en cantidades suficientes para administrar a un animal 30 a 600; ARA en cantidades suficientes para administrar a un animal de 5 a 50; SA en cantidades suficientes para administrar a un animal de 3 a 60; MA en cantidades suficientes para administrar a un animal de 3 a 60 y CLA (como un control) en cantidades suficientes para administrar a un animal de 6 a 120. Tales sustancias son útiles para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal. Preferiblemente, las sustancias afectan a la expresión de una pluralidad de tales genes. En una realización, la composición comprende además uno o más fármacos u otras sustancias que modulan la cantidad de tejido adiposo en un animal.
- 10 En otra realización, la descripción provee métodos para seleccionar un animal para inclusión en uno o más grupos o subgrupos. El método comprende determinar el perfil de expresión del animal para (a) polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 y, preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos o (b) cada uno de los polipéptidos que se enlaza específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos seleccionado de las Tablas 1 y 2 y preferentemente de la Tabla 3 o variaciones útiles de los mismos y asignando el animal a un grupo basado en el perfil de expresión. Los grupos pueden ser cualesquiera grupos
- 15 útiles, preferiblemente aquellos involucrados en un experimento de investigación, ensayo, ensayo clínico, u otro de categoría similar. Por ejemplo, los grupos pueden ser grupos involucrados en un experimento de investigación o ensayo clínico que requiere a uno o más grupos de control y uno o más grupos de tratamiento. En una realización, el grupo de control comprende los animales delgados y el grupo de tratamiento comprende animales con sobrepeso, o viceversa en otros. El perfil de expresión para una pluralidad de animales puede ser determinado y los animales asignados al grupo de control o grupo de tratamiento basado en los resultados del perfil, esto es, los animales con una expresión diferencial de 1.3 veces o más en comparación con un estándar están asignados al grupo con sobrepeso y los animales con una expresión diferencial de 1.3 veces o menos comparados con un estándar son asignados al grupo de delgados. El método es particularmente útil para asignar animales a un ensayo clínico cuando se prueban fármacos potenciales u otras sustancias por su capacidad para reducir la cantidad de tejido adiposo en
- 20 el animal.
- 25 En otro aspecto, la descripción provee un sistema de ordenador adecuado para manipular los datos relativos a uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa. El sistema comprende una base de datos que contiene información que identifica el nivel de expresión de uno o más polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 y preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos y/o polipéptidos que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos seleccionados a partir de las tablas 1 y 2, y preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos en los animales delgados y/o animales con sobrepeso y una interfaz de usuario para interactuar con la base de datos, en particular a la entrada, manipular y revisar la información para diferentes animales o categorías o animales, por ejemplo, los animales delgados o con sobrepeso. En una realización, la base de datos contiene además información que identifica el nivel de actividad de uno o más polipéptidos codificados por uno o más polinucleótidos seleccionado de las tablas 1 y 2 y preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos. En otro, la base de datos comprende además, información de secuencia para uno o más de los polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 y, preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos. En otras realizaciones, la base de datos contiene información adicional que describe la descripción putativa de los genes en una o más especies de animales. El sistema de ordenador es cualquier dispositivo electrónico capaz de contener y manipular los datos y la interacción con un usuario, por ejemplo, un ordenador típico o un instrumento analítico diseñado para facilitar el uso de la presente invención y generar los resultados relativos al estatus de un animal.
- 30
- 35 En otro aspecto, la descripción provee un método para el uso de un sistema de ordenador de la presente invención para presentar información que identifica el perfil de expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa. El método comprende comparar el nivel de expresión de dos o más polinucleótidos o proteínas expresadas a partir de polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2, y preferiblemente de la tabla 3 forma una muestra en el perfil de expresión de los polinucleótidos o proteínas en el sistema de ordenador.
- 40
- 45 En un aspecto adicional, la presente descripción provee kits adecuados para determinar la expresión diferencial de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, particularmente genes asociados a la grasa, en un sistema de prueba. Los kits comprenden en contenedores separados en un paquete individual o en contenedores separados en un paquete virtual, según sea apropiado para el uso y el kit de componentes, dos o más sondas adecuadas para detectar la expresión de los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, las sondas que comprenden (a) polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 y preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos o (b) polipéptidos que se enlazan específicamente a las proteínas producidas por la expresión de uno o más polinucleótidos seleccionados de las tablas 1 y 2 y preferiblemente de la tabla 3 o variaciones útiles de los mismos y al menos uno de (1) instrucciones para cómo usar las sondas de la presente invención; (2) los reactivos y equipos necesarios para utilizar las sondas; (3) una composición adecuada para la modulación de la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados; (4) una composición adecuada para la interrupción de la expresión de uno
- 50
- 55
- 60

o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados; (5) una composición alimenticia adecuada para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal; y (6) uno o más fármacos u otras sustancias que modulan la cantidad de tejido adiposo en un animal. En una realización preferida, las sondas se enlazan a un sustrato, preferiblemente en un conjunto.

5 Composiciones de la invención

La invención abarca composiciones de alimentos para el consumo canino incluyendo 26% en peso a 35% en peso de proteína cruda sobre una base de material seco, 7.5% en peso a 8.5% en peso de grasa cruda sobre una base de material seco, 20 % en peso a 30% en peso de fibra dietética total sobre una base de material seco, y 10 % en peso a 20 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.

10 La invención también abarca composiciones de alimentos para el consumo felino incluyendo 30% en peso a 37 % en peso de proteína cruda sobre base de material seco, 7.5 % en peso a 9 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco, 30 % en peso a 35 % en peso de fibra de dieta sobre una base de material seco, y 20 % en peso a 25 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.

15 En ciertas realizaciones, las composiciones de la invención puede incluir un contenido de ácido graso omega-3 poliinsaturado de al menos 0.02% (o 0.05% a 10%, o 0.1% a 6%) en peso sobre una base de material seco. En algunas realizaciones, el ácido graso poliinsaturado omega-3 es DHA. En otras realizaciones, el ácido graso poliinsaturado omega-3 es EPA. En aún otras realizaciones, el ácido graso poliinsaturado omega-3 comprende una mezcla de DHA y EPA.

20 En otras realizaciones, la composición que incluye el ácido graso poliinsaturado omega-3 es un alimento. Aunque se proveen ambos alimentos líquidos y sólidos, los alimentos sólidos son típicamente ventajosos. Los alimentos incluyen tanto alimentos secos como alimentos húmedos. Algunos de los componentes de ácido graso no poliinsaturados de la comida, y las proporciones útiles, incluyen aquellos listados a continuación.

En una realización, las composiciones caninas de esta invención incluyen ingredientes en una cantidad efectiva para mejorar la calidad de vida del animal. Tales composiciones comprenden generalmente:

25 Composiciones de alimentos caninos

Componente	Proporción de la composición (% de peso seco de la composición o partes por millón)
Proteína	26 % en peso a 35 % en peso de proteína cruda sobre una base de material seco o 28 % en peso a 33 % en peso, o 30 % en peso a 31 % en peso; o 26 % en peso, 26.5 % en peso, 27 % en peso, 27.5 % en peso, 28 % en peso, 28.5 % en peso, 29 % en peso, 29.5 % en peso, 30 % en peso, 30.5 % en peso, 31 % en peso, 31.5 % en peso, 32 % en peso, 32.5 % en peso, 33 % en peso, 33.5 % en peso, 34 % en peso, 34.5 % en peso, 35 % en peso,
Grasa cruda	7.5 % en peso a 8.5 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco, o 7.6 % en peso, 7.7 % en peso, 7.8 % en peso, 7.9 % en peso, 8.0 % en peso, 8.1 % en peso, 8.2 % en peso, 8.3 % en peso, 8.4 % en peso
Total	20 % en peso a 30 % en peso de fibra total de dieta sobre una base de material seco.
Fibra de dieta	o 22 % en peso a 28 % en peso, o 24 % en peso a 26 %; o 20 % en peso, 20.5 % en peso, 21 % en peso, 21.5 % en peso, 22 % en peso, 22.5 % en peso, 23 % en peso, 23.5 % en peso, 24 % en peso, 24.5 % en peso, 25 % en peso, 25.5 % en peso, 26 % en peso, 26.5 % en peso, 27 % en peso, 27.5 % en peso, 28 % en peso, 28.5 % en peso, 29 % en peso, 29.5 % en peso
Fibra cruda	10 % en peso a 20 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco, o 12 % en peso a 18 % en peso, o 14 % en peso a 16 %; o 10 % en peso, 10.5 % en peso, 11 % en peso, 11.5 % en peso, 12 % en peso, 12.5 % en peso, 13 % en peso, 13.5 % en peso, 14 % en peso, 14.5 % en peso, 15 % en peso, 15.5 % en peso, 16 % en peso, 16.5 % en peso, 17 % en peso, 17.5 % en peso, 18 % en peso, 18.5 % en peso, 19 % en peso, 19.5 % en peso

Composiciones de alimentos felinos

Componente	Proporción de la composición (%de peso seco de la composición o partes por millón)
------------	--

ES 2 524 475 T3

Proteína	30 % en peso a 37 % en peso de proteína cruda sobre una base de material seco, o 31 % en peso a 36 % en peso, o 33% a 35%; o 30 % en peso, 30.5 % en peso, 31 % en peso, 31.5 % en peso, 32 % en peso, 32.5 % en peso, 33 % en peso, 33.5 % en peso, 34 % en peso, 34.5 % en peso, 35 % en peso, 35.5 % en peso, 36 % en peso, 36.5 % en peso, 36 % en peso
Grasa cruda	7.5 % en peso a 9 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco, o 7.6 % en peso, 7.7 % en peso, 7.8 % en peso, 7.9 % en peso, 8.0 % en peso, 8.1 % en peso, 8.2 % en peso, 8.3 % en peso, 8.4 % en peso, 8.5 % en peso, 8.6 % en peso, 8.7 % en peso, 8.8 % en peso, 8.9 % en peso, 9.0
Fibra total de dieta	30 % en peso a 35 % en peso de fibra de dieta sobre una base de material seco, o 31 % en peso a 34 % en peso, o 32 % en peso a 33 %; o 30 % en peso, 30.5 % en peso, 31 % en peso, 31.5 % en peso, 32 % en peso, 32.5 % en peso, 33 % en peso, 33.5 % en peso, 34 % en peso, 34.5 % en peso, 35 % en peso
Fibra cruda	20 % en peso a 25 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco, o 21 % en peso a 24 % en peso, or 22 % en peso a 23 %; or 20 % en peso, 20.5 % en peso, 21 % en peso, 21.5 % en peso, 22 % en peso, 22.5 % en peso, 23 % en peso, 23.5 % en peso, 24 % en peso, 24.5 % en peso, 25 % en peso

En una realización, las composiciones para caninos de esta invención incluyen ingredientes en una cantidad efectiva para potenciar la calidad de vida del animal. Tales composiciones comprenden en general:

- (a) 26 % en peso a 35 % en peso de proteína cruda sobre una base de material seco,
- 5 (b) 7.5 % en peso a 8.5 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco,
- (c) 20 % en peso a 30 % en peso de fibra total de dieta sobre una base de material seco, y
- (d) 10 % en peso a 20 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.

En otra realización, la invención abarca composiciones para felinos que comprenden en general:

- (a) 30 % en peso a 37 % en peso de proteína cruda sobre una base de material seco,
- 10 (b) 7.5 % en peso a 9 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco,
- (c) 30 % en peso a 35 % en peso de fibra total de dieta sobre una base de material seco, y
- (d) 20 % en peso a 25 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.

En otra realización, las composiciones comprenden en general:

- (a) al menos uno de los siguientes:
 - 15 (i) al menos DHA al 0.05% (o 0.05% a 0.30%, o 0.1% a 0.30%, o 0.1% a 0.2%), y
 - (ii) al menos EPA al 0.1% (o 0.1% a 0.5%, o 0.2% a 0.5%, o 0.2% a 0.3%),
 - (b) al menos proteína al 15% (o 15% a 55%, o 30% a 55%, o 33% a 36%),
 - (c) al menos grasa al 9% (o 9% a 35%, o 18% a 35%, o 18% a 24%), y
 - (d) al menos uno de los siguientes:
 - 20 (i) al menos 250 IU/kg de vitamina E (o 250 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1100 IU/kg),
 - (xii) al menos 50 ppm de vitamina C (o 50 ppm a 300 ppm, o 100 ppm a 300 ppm, o 100 ppm a 200 ppm),
 - (xiii) al menos 1100 ppm de taurina (o 1100 ppm a 3500 ppm, o 2300 ppm a 3500 ppm, o 2300 ppm a 2350 ppm),
- y

ES 2 524 475 T3

(xiv) al menos 200 ppm de carnitina (o 200 a 750 ppm, o 400 ppm a 750 ppm, o 400 a 525 ppm), y

(xv) al menos cistina al 0.05% (o 0.05% a 0.6%, o 0.1 % a 0.6%, o 0.1% a 0.4%).

En otra realización, las composiciones comprenden en general:

(a) 0.02% de (o 0.05 % a 10%, o 0.1% a 6%) al menos un ácido graso poliinsaturado omega 3, y

5 (b) al menos uno de los siguientes:

(xvi) 10% a 55% de proteína (o 18% a 30%, o 33% a 55% o 18% a 20% o 33% a 36%),

(xvii) 7% a 35% de grasa (o 18% a 35%, o 7% a 24%, o 14% a 24%, o 14% a 16% o 18% a 24%),

(xviii) al menos .05 ppm de antioxidante (o 0.05 ppm a 7500 ppm, o 250 a 3600, o 250 ppm a 1650 ppm, o 5 ppm a 225 ppm, o 0.05 ppm a 2.4 ppm), y

10 (xix) al menos 1000 ppm de colina (o 1000 ppm a 5000 ppm, 3300 ppm a 5000 ppm, o 2000 ppm a 3000 ppm, o 3000 ppm a 4000 ppm).

En otra realización, las composiciones comprenden en general:

(a) al menos uno de los siguientes:

(i) al menos 0.02% (o 0.02% a 0.3%, o 0.05% a 0.3%, o 0.05% a 0.2%) DHA, y (ii) al menos 0.1% (o 0.1%

15 a 0.5%, o 0.2% a 0.5%, o 0.2% a 0.3%) EPA,

(b) al menos 9% (o 9% a 30%, o 18% a 30%, o 18% a 20%) proteína,

(c) al menos 7% (o 7% a 24%, o 14% a 24%, o 14% a 16%) gasa,

(d) al menos uno de los siguientes:

(i) al menos 250 IU/kg de vitamina E (o 250 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1000 IU/kg),

20 (xx) al menos 50 ppm de vitamina C (o 50 ppm a 500 ppm, o 100 ppm a 500 ppm, o 100 ppm a 301 ppm),

(xxi) al menos 600 ppm de taurina (o 600 ppm a 2400 ppm, o 1260 ppm a 2400 ppm, o 1260 ppm a 1545 ppm), y

(xxii) al menos 50 ppm de ácido lipoico (o 50 ppm a 200 ppm, o 100 a 160, o 100 a 155), y

(xxiii) al menos 50 ppm de carnitina (o 50 ppm a 500 ppm, o 200 ppm a 500 ppm, o 200 ppm a 350 ppm),

(e) al menos 1000 ppm de colina (o 1000 ppm a 3200 ppm, o 2000 ppm a 3200 ppm, o 2000 ppm a 2500 ppm),

25 (f) al menos 50 ppm de manganeso (o 50 ppm a 150 ppm, o 100 ppm a 150 ppm, o 100 ppm a 110 ppm), y

(g) al menos lisina al 0.4% (o 0.4% a 2%, o 0.9% a 2%, o 0.9% a 1.2%), y

(h) al menos 0.4% a 1.5%. de metionina.

En otra realización, las composiciones comprenden en general:

(a) al menos uno de los siguientes:

30 (i) al menos DHA al 0.02% (o 0.02% a 0.3%, o 0.05% a 0.3%, o 0.05% a 0.2%), and

(ii) al menos EPA al 0.1% (o 0.1% a 0.5%, o 0.2% a 0.5%, o 0.2% a 0.3%),

(b) al menos proteína al 9% (o 9% a 30%, o 18% a 30%, o 18% a 20%),

(c) al menos grasa al 7% (o 7% a 24%, o 14% a 24%, o 14% a 16%),

(d) al menos uno de los siguientes:

35 (i) al menos 250 IU/kg de vitamina E (o 250 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1000 IU/kg),

- (xxiv) al menos 50 ppm de vitamina C (o 50 ppm a 500 ppm, o 100 ppm a 500 ppm, o 100 ppm a 301 ppm),
- (xxv) al menos 600 ppm de taurina (o 600 ppm a 2400 ppm, o 1260 ppm a 2400 ppm, o 1260 ppm a 1575 ppm), y
- (xxvi) al menos 50 ppm de ácido lipoico (o 50 ppm a 200 ppm, o 100 a 160, o 100 a 155), y
- (xxvii) al menos 50 ppm de carnitina (o 50 ppm a 500 ppm, o 200 ppm a 500 ppm, o 200 ppm a 350 ppm),
- 5 (e) al menos 1000 ppm de colina (o 1000 ppm a 3200 ppm, o 2000 ppm a 3200 ppm, o 2000 ppm a 2500 ppm),
- (f) al menos 50 ppm de manganeso (o 50 ppm a 150 ppm, o 100 ppm a 150 ppm, o 100 ppm a 110 ppm), y
- (g) al menos 0.4% de lisina (o 0.4% a 2%, o 0.9% a 2%, o 0.9% a 1.2%), y
- (h) al menos 0.4% a 1.5% de metionina.

En otra realización, las composiciones comprenden en general:

- 10 (a) al menos uno de los siguientes:
 - (i) al menos DHA al 0.05% (o 0.05% a 0.30%, o 0.1% a 0.30%, o 0.1% a 0.2%), y
 - (ii) al menos EPA al 0.1% (o 0.1% a 0.5%, o 0.2% a 0.5%, o 0.2% a 0.3%),
- (b) al menos proteína al 15% (o 15% a 55%, o 30% a 55%, o 33% a 36%),
- (c) al menos grasa al 9% (o 9% a 35%, o 1.8% a 35%, o 18% a 24%),
- 15 (d) al menos uno de los siguientes:
 - (i) al menos 250 IU/kg de vitamina E (o 250 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1500 IU/kg, o 500 IU/kg a 1100 IU/kg),
 - (xxviii) al menos 50 ppm de vitamina C(o 50 ppm a 300 ppm, o 100 ppm a 300 ppm, o 100 ppm a 200 ppm),
 - (xxix) al menos 1100 ppm de taurina (o 1100 ppm a 3500 ppm, o 2300 ppm a 3500 ppm, o 2300 ppm a 2350 ppm), y
 - (xxx) al menos 200 ppm de carnitina (o 200 a 750 ppm, o 400 ppm a 750 ppm, o 400 a 525 ppm), y
 - 20 (xxxi) al menos 0.05% de cistina (o 0.05% a 0.6%, o 0.1% a 0.6%, o 0.1% a 0.4%),
 - (e) al menos 1600 ppm de colina (o 1600 ppm a 5000 ppm, o 3300 ppm a 5000 ppm, o 3300 ppm a 3400 ppm),
 - (f) al menos 50 ppm de manganeso (o 50 ppm a 150 ppm, o 100 ppm a 150 ppm, o 100 ppm a 110 ppm), y
 - (g) al menos 0.7% de lisina (o 0.7% a 3%, o 1.4% a 3%, o 1.4% a 1.7%), y
 - (h) al menos 0.4% a 1.5% de metionina.

25 Métodos para tratar o prevenir enfermedades y trastornos

La invención abarca composiciones para uso en el tratamiento o la prevención de enfermedades y trastornos, en donde el uso incluye la administración de las composiciones de la invención que son efectivas en modular la expresión y/o actividad de las proteínas asociadas con la obesidad en los animales tanto *in vitro* como *in vivo*. Los inventores han encontrado sorprendentemente que las composiciones de la invención son efectivas en la modulación de las proteínas asociadas con la obesidad en los animales. Sin estar limitado por la teoría, se cree que la modulación de la expresión de la proteína y/o actividad asociada con la obesidad en los animales es útil en el tratamiento o prevención de un trastorno asociado con niveles anormales de glucosa en sangre, aumento de peso, o los niveles de depósito de grasa. La invención abarca además composiciones y formulaciones que son útiles en la modulación de la actividad de proteínas en animales con sobrepeso y/u obesos. La invención también abarca composiciones para uso en la modulación de la actividad de proteína o el gen, en donde el uso incluye administrar a un sujeto, preferiblemente a un mamífero de compañía en necesidad de dicho tratamiento o prevención una cantidad terapéuticamente o profilácticamente efectiva de una composición para modular la actividad de la proteína o gen asociado con la obesidad en el sujeto. En una realización ilustrativa, el agente para modular la actividad de la lin quinasa es un compuesto de la invención.

5 En una realización, una composición para uso de acuerdo con la invención es administrado a un mamífero, preferiblemente un animal de compañía, con una enfermedad cardiovascular, una dislipidemia, una dislipoproteinemia, un trastorno del metabolismo de la glucosa, síndrome metabólico (esto es, Síndrome X), un trastorno asociado con PPAR, septicemia, un trastorno trombótico, diabetes tipo II, obesidad, pancreatitis, hipertensión, una enfermedad renal, o inflamación.

10 En una realización, "tratamiento" o "tratar" se refiere a una mejora de una enfermedad o trastorno, o al menos un síntoma discernible de los mismos, preferiblemente asociado con la obesidad. En otra realización, "tratamiento" o "tratar" se refiere a una mejora de al menos un parámetro físico medible, no necesariamente discernible por el animal. En aún otra realización, "tratamiento" o "tratar" se refiere a la inhibición de la progresión de una enfermedad o trastorno, bien sea físicamente, por ejemplo, estabilización de un síntoma discernible, fisiológicamente, por ejemplo, estabilización de un parámetro físico, o ambos. En aún otra realización, "tratamiento" o "tratar" se refiere a retrasar el comienzo de una enfermedad o trastorno.

15 En ciertas realizaciones, las composiciones de la invención se administran a un paciente, preferiblemente un animal de compañía, como una medida preventiva contra tales enfermedades. Tal como se usa aquí, "prevención" o "prevenir" se refiere a una reducción del riesgo de adquirir una enfermedad o trastorno dado. En un modo preferido de la realización, las composiciones de la presente invención se administran como una medida preventiva a un paciente, preferiblemente un animal de compañía que tiene una predisposición genética a una enfermedad cardiovascular, una dislipidemia, un dislipoproteinemia, un trastorno del metabolismo de la glucosa, síndrome metabólico (esto es, Síndrome X), un trastorno asociado a PPAR, septicemia, un trastorno trombótico, diabetes tipo II, obesidad, pancreatitis, hipertensión, una enfermedad renal, o inflamación.

20

25 En otro modo ilustrativo de la realización, la composición para uso de acuerdo con la invención se administra como una medida preventiva a un animal de compañía que tiene una predisposición a una enfermedad cardiovascular, una dislipidemia, un dislipoproteinemia, un trastorno del metabolismo de la glucosa, síndrome metabólico (esto es, Síndrome X), un trastorno asociado con PPAR, septicemia, un trastorno trombótico, diabetes tipo II, obesidad, pancreatitis, hipertensión, una enfermedad renal, o inflamación. De acuerdo con lo anterior, las composiciones de la invención pueden usarse para la prevención de una enfermedad o trastorno y tratar simultáneamente otro (por ejemplo, la prevención de la obesidad, mientras se trata la diabetes, prevención de la inflamación, mientras se trata una enfermedad cardiovascular).

Enfermedades cardiovasculares para el tratamiento o prevención

30 La invención provee composiciones para uso en el tratamiento o prevención de una enfermedad cardiovascular, en donde el uso comprende administrar a un animal de compañía una cantidad terapéuticamente efectiva de una composición de la invención y un vehículo farmacéuticamente aceptable. En algunas realizaciones, la enfermedad cardiovascular está asociada con la expresión de la proteína anormal/alterada. Tal como se usa aquí, el término "enfermedades cardiovasculares" se refiere a enfermedades del corazón y del sistema circulatorio. Estas enfermedades están frecuentemente asociadas con dislipoproteinemias y/o dislipidemias. Las enfermedades cardiovasculares, que las composiciones de la invención son útiles para prevenir o tratar incluyen, pero no se limitan a, arteriosclerosis; aterosclerosis; apoplejía; isquemia; disfunciones endoteliales, en particular aquellas disfunciones que afectan a la elasticidad de los vasos sanguíneos; enfermedad vascular periférica; enfermedad cardíaca coronaria; infarto de miocardio; infarto cerebral y reestenosis.

35

40 Dislipidemias para el tratamiento o prevención

La invención provee composiciones para uso en el tratamiento o prevención de una dislipidemia, en donde el uso comprende administrar a un animal de compañía una cantidad terapéuticamente efectiva de una composición de la invención y un vehículo farmacéuticamente aceptable. En algunas realizaciones, la dislipidemia está asociada con la actividad y/o expresión de la lin quinasa anormal/alterada. Tal como se usa aquí, el término "dislipidemias" se refiere a trastornos que conducen a o que se manifiestan por niveles aberrantes de los lípidos circulantes. En la medida en que los niveles de lípidos en la sangre son demasiado altos, las composiciones de la invención son administradas a un animal de compañía para restaurar los niveles normales. Los niveles normales de lípidos se presentan en tratados médicos conocidos por aquellos expertos en la técnica. Por ejemplo, los niveles recomendados en sangre de LDL, HDL, triglicéridos libres y otros parámetros relacionados con el metabolismo de lípidos se pueden encontrar en the American Heart Association and that of the National Cholesterol Education Program of the National Heart, Lung and Blood Institute. En la actualidad, el nivel recomendado de colesterol HDL en la sangre está por encima de 35 mg/dL; el nivel recomendado de colesterol LDL en la sangre está por debajo de 130 mg/dL; la relación recomendada de colesterol LDL:HDL en la sangre está por debajo de 5:1, idealmente 3.5:1; y el nivel recomendado de triglicéridos libres en la sangre es menos de 200 mg/dL.

45

50

55 Dislipidemias que las composiciones de la invención son útiles para prevenir o tratar incluyen, pero no se limitan a hiperlipidemia y niveles bajos en sangre de colesterol de lipoproteína de alta densidad (HDL). En ciertas realizaciones, la hiperlipidemia para prevenir o tratar los compuestos de la presente invención es la hipercolesterolemia familiar; hiperlipidemia familiar combinada; niveles o actividad de lipasa lipoproteína reducida o

deficiente que incluyen reducciones o deficiencias que resultan de mutaciones de lipasa lipoproteína; hipertrigliceridemia; hipercolesterolemia; altos niveles en sangre de cuerpos de cetona (por ejemplo, ácido butírico β -OH); altos niveles en sangre de colesterol Lp(a); altos niveles en sangre de colesterol de lipoproteína de baja densidad (LDL); altos niveles en sangre de colesterol de lipoproteína de muy baja densidad (VLDL) y altos niveles en sangre de ácidos grasos no esterificados.

La presente invención provee además composiciones para uso en la alteración del metabolismo lipídico en un paciente, por ejemplo, la reducción de LDL en la sangre de un animal de compañía, reducir los triglicéridos libres en la sangre de un paciente, incrementando la relación de HDL a LDL en la sangre de un paciente, e inhibiendo la síntesis de ácidos grasos saponificados y/o no saponificados, comprendiendo dichos métodos administrar al paciente una composición que comprende un compuesto de la invención en una cantidad efectiva que altera el metabolismo en los lípidos

Dislipoproteinemias para el tratamiento o prevención

La invención provee composiciones para uso en el tratamiento o prevención de una dislipoproteinemia, en donde el uso comprende administrar a un animal de compañía una cantidad terapéuticamente efectiva de una composición de la invención y un vehículo farmacéuticamente aceptable. Tal como se utiliza aquí, el término "dislipoproteinemias" se refiere a trastornos que conducen a o se manifiestan mediante niveles aberrantes de las lipoproteínas circulantes. En la medida en que los niveles de lipoproteínas en la sangre son demasiado altos, las composiciones de la invención son administradas a un paciente para restaurar los niveles normales. Por el contrario, en la medida en que los niveles de lipoproteínas en la sangre son demasiado bajos, las composiciones de la invención son administradas a un paciente para restaurar los niveles normales. Los niveles normales de las lipoproteínas son reportadas en tratados médicos conocidos por aquellos expertos en la técnica.

Dislipoproteinemias, que las composiciones de la presente invención son útiles para prevenir o tratar incluyen, pero no se limitan a, altos niveles de LDL; altos niveles en sangre de apolipoproteína B (apo B); altos niveles de Lp (a); altos niveles en sangre de apo(a); altos niveles en sangre de VLDL; bajos niveles en sangre de HDL; niveles o actividad de lipasa lipoproteína reducida o deficiente, incluyendo reducciones o deficiencias que resultan de mutaciones de lipasa lipoproteína; hipoalfalipoproteinemia; anormalidades de lipoproteínas asociadas con la diabetes; anormalidades de lipoproteínas asociadas con la diabetes tipo II, la obesidad; anormalidades de lipoproteínas asociadas con la enfermedad de Alzheimer; y la hiperlipidemia familiar combinada.

Trastornos del metabolismo de la glucosa para tratamiento o prevención

La invención provee composiciones para uso en el tratamiento o prevención de un trastorno del metabolismo de la glucosa, en donde el uso comprende administrar a un animal de compañía un vehículo farmacéuticamente aceptable. Tal como se usa aquí, el término "trastornos del metabolismo de la glucosa" se refiere a trastornos que conducen a o se manifiestan mediante el almacenamiento y/o utilización de glucosa aberrante. En la medida en que indicios de metabolismo de la glucosa (esto es, insulina en sangre, glucosa en sangre) son demasiado altos, las composiciones de la invención son administradas a un paciente para restaurar los niveles normales. Por el contrario, en la medida en que indicios de metabolismo de la glucosa son demasiado bajos, las composiciones de la invención son administradas a un paciente para restaurar los niveles normales. Se presentan indicios normales del metabolismo de la glucosa en tratados médicos conocidos por aquellos expertos en la técnica. En algunas realizaciones, el trastorno del metabolismo de la glucosa está asociado con la actividad y/o expresión de la lin quinasa anormal/alterada.

Trastornos del metabolismo de la glucosa que las composiciones de la presente invención son útiles para prevenir o tratar incluyen, pero no se limitan a la tolerancia alterada a la glucosa; resistencia a la insulina; resistencia a la insulina relacionada con cáncer de seno, colon, o próstata; diabetes, incluyendo pero no limitado a la diabetes mellitus no dependiente de insulina (NIDDM), diabetes mellitus dependiente de insulina (IDDM), diabetes mellitus gestacional (GDM), y diabetes de aparición en la madurez de los jóvenes (MODY); pancreatitis; hipertensión; enfermedad del ovario poliquístico; y altos niveles de insulina y/o glucosa en la sangre.

La invención provee además composiciones su uso en la alteración de metabolismo de la glucosa en un paciente, por ejemplo para incrementar la sensibilidad a la insulina y/o consumo de oxígeno de un animal de compañía, dicho el uso comprende administrar al animal de compañía una composición que comprende un compuesto de la invención en una cantidad efectiva para alterar el metabolismo de la glucosa.

El tratamiento o prevención del síndrome metabólico

Tal como se usa aquí, "tratamiento o prevención del Síndrome X o Síndrome Metabólico" abarca el tratamiento o prevención de un síntoma asociado con el síndrome metabólico, incluyendo, pero no limitado a, la tolerancia alterada a la glucosa, la hipertensión y dislipidemia y/o dislipoproteinemia. En algunas realizaciones, el síndrome metabólico está asociado con la actividad y/o expresión de la lin quinasa anormal/alterada

- El síndrome metabólico está caracterizado por un grupo de factores de riesgo metabólicos en una persona. Los factores de riesgo que están asociados con el síndrome metabólico que pueden tratarse o prevenirse mediante la administración de una composición que comprende un compuesto de la invención incluyen, pero no se limitan a, la obesidad central (esto es, tejido excesivo de grasa en y alrededor del abdomen); dislipidemia aterogénica (trastornos de grasa en la sangre - principalmente triglicéridos altos y colesterol HDL bajo - que fomentan las acumulaciones de placa en las paredes de las arterias); la presión arterial elevada (130/85 mmHg o superior); resistencia a la insulina o intolerancia a la glucosa (el cuerpo no puede usar adecuadamente la insulina o azúcar en la sangre); estado protrombótico (por ejemplo, alta fibrinógeno o inhibidor del activador de plasminógeno [-1] en la sangre); y un estado proinflamatorio (por ejemplo, la proteína C reactiva de alta sensibilidad elevada en la sangre).
- 5 Las causas subyacentes de este síndrome son el sobrepeso/obesidad, la inactividad física y factores genéticos, animales de compañía con síndrome metabólicos están en un mayor riesgo de enfermedad cardíaca coronaria, otras enfermedades relacionadas con la acumulación de placa en las paredes de las arterias (por ejemplo, apoplejía y enfermedad vascular periférica) y la diabetes tipo 2.
- 10 El síndrome metabólico está estrechamente asociada con un trastorno metabólico generalizado llamado resistencia a la insulina, en el cual el cuerpo no puede utilizar la insulina de manera eficiente. Esta es la razón por la que el síndrome metabólico también es llamado el síndrome de resistencia a la insulina.
- 15 Algunos animales de compañía están genéticamente predispuestos a la resistencia a la insulina. Factores adquiridos, como el exceso de grasa corporal y la inactividad física, pueden provocar resistencia a la insulina y el síndrome metabólico en estos individuos. La mayoría de los animales de compañía con resistencia a la insulina tienen obesidad central. Los mecanismos biológicos a nivel molecular entre resistencia a la insulina y los factores de riesgo metabólicos no se entienden completamente y parecen ser complejos.
- 20 Las composiciones de la invención son por lo tanto útiles en el tratamiento o la prevención del síndrome metabólico y los trastornos y factores de riesgo asociados con el síndrome metabólico.
- Tratamiento o prevención de la diabetes Tipo II
- 25 Tal como se usa aquí, "tratamiento o prevención de la diabetes tipo II" abarca el tratamiento o la prevención de una complicación asociada con la diabetes de tipo II, incluyendo, pero no limitado a, la retinopatía (esto es, ceguera); neuropatía (esto es, daño del nervio) lo cual conduce a las úlceras del pie, gangrena y amputaciones; daño a los riñones, lo cual conduce a la diálisis; y la enfermedad cardiovascular. En algunas realizaciones, la diabetes tipo II está asociada con la actividad y/o expresión de la lin quinasa anormal/alterada.
- 30 La diabetes tipo II está asociada con la obesidad y con el envejecimiento. Es una enfermedad dependiente del estilo de vida, y tiene un fuerte componente genético (la concordancia en los gemelos es del 80-90%). El problema no parece tanto en la producción de insulina, pero que cuando la insulina alcanza sus células objetivo, no funciona correctamente. La mayoría de los pacientes con diabetes tipo II inicialmente tienen altos niveles de insulina, junto con altos niveles de azúcar en la sangre. Sin embargo, puesto que el azúcar le indica al páncreas para que libere insulina, eventualmente los diabéticos tipo II con el tiempo se vuelven resistentes a la señal y pronto el páncreas endocrino no producirá suficiente insulina. Estos animales de compañía terminan manejando la enfermedad con insulina y necesitan dosis mucho más altas debido a que son resistentes a ella.
- 35 Cuando un animal de compañía toma una alta carga de azúcar, el azúcar estimula el páncreas para liberar insulina. Los objetivos de la insulina son las células del músculo, la grasa y el hígado. Estas células tienen sitios receptores de insulina en el exterior de la membrana celular. Para la mayoría de los animales de compañía, cuando la insulina ha enlazado a los receptores, una cascada de eventos comienza, lo cual conduce a que se transporta el azúcar de la sangre en el interior de la célula. En los diabéticos tipo II, incluso cuando la insulina está presente en la membrana celular, el proceso no funciona. La glucosa nunca es recogida en la célula y permanece en la corriente sanguínea.
- 40 El hígado es responsable de la producción de glucosa y la insulina es el agente regulador de la producción. Un alto contenido de azúcar en la sangre hace que el páncreas libere insulina, y la insulina debe señalar al hígado que deje de hacer azúcares. Pero, en los diabéticos, hay resistencia a esa señal y el hígado mantiene la producción de glucosa. La hiperglicemia conduce a la toxicidad de glucosa.
- 45 El proceso de la enfermedad de la diabetes no es por el azúcar alto en la sangre, sino por las complicaciones del azúcar en la sangre. Un problema importante que enfrentan los médicos es que algunas personas con altos niveles de azúcar en la sangre se sienten bien; es difícil de tratar enfermedades que son asintomáticos puesto que la mayoría de las personas no quieren tomar una píldora para algo por lo que no se sienten mal. Las composiciones que comprenden un compuesto de la invención son por lo tanto útiles en el tratamiento o prevención de la diabetes tipo II o complicaciones derivadas de la diabetes tipo II y trastornos y factores de riesgo asociados con el síndrome metabólico. Las complicaciones de la diabetes incluyen, pero no se limitan a, neuropatía diabética, retinopatía diabética, disfunción eréctil, y la enfermedad renal y los compuestos de la invención son útiles en el tratamiento o la
- 50 prevención de estas complicaciones.
- 55

Tratamiento o prevención de la obesidad

5 Tal como se usa en aquí, "tratamiento o prevención de la obesidad" abarca el tratamiento o la prevención de una complicación asociada con la obesidad. Las complicaciones de la obesidad incluyen, pero no se limitan a, la hipercolesterolemia, la hipertensión, la dislipidemia (por ejemplo, alto colesterol total o altos niveles de triglicéridos), la diabetes tipo 2, enfermedad cardíaca coronaria, apoplejía, enfermedad de la vesícula biliar, osteoartritis, apnea del sueño y problemas respiratorios y algunos tipos de cáncer (endometrial, de seno y de colon). En algunas realizaciones, la obesidad está asociada con la actividad y/o expresión anormal de la lin quinasa anormal/alterada.

Otras enfermedades para el tratamiento o prevención

10 La presente descripción provee métodos para el tratamiento o la prevención de la septicemia, trastornos tromboticos, pancreatitis, hipertensión, inflamación, y la impotencia, que comprende administrar a un paciente una cantidad terapéuticamente efectiva de una composición que comprende un compuesto de la invención y un vehículo farmacéuticamente aceptable. En algunos aspectos, estos trastornos están asociados con la actividad y/o expresión de la lin quinasa anormal/alterada.

15 Tal como se utiliza aquí, "tratamiento o prevención de septicemia" abarca el tratamiento o la prevención del choque séptico.

Tal como se utiliza aquí, "tratamiento o prevención de trastornos tromboticos" abarca el tratamiento o la prevención de altos niveles de fibrinógeno y la promoción de la fibrinólisis.

Además de tratar o prevenir la obesidad, las composiciones de la invención pueden administrarse a un individuo para promover la reducción de peso del individuo.

20 Kits de la invención

25 Cuando el kit comprende un paquete virtual, el kit está limitado a instrucciones en un ambiente virtual en combinación con uno o más componentes físicos del kit. En un aspecto, el kit contiene sondas y/u otros componentes físicos y las instrucciones para el uso de las sondas y otros componentes están disponibles a través de Internet. El kit puede contener ítems adicionales, tales como un dispositivo para muestras de mezcla, sondas, y los reactivos y el dispositivo para usar el kit, por ejemplo, tubos de ensayo o utensilios e mezcla.

30 En otro aspecto, la presente descripción provee un medio para comunicar información o instrucciones para uno o más de (1) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para detectar la expresión de genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados en una muestra, (2) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para medir el efecto de una sustancia de prueba en la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados, (3) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para seleccionar una sustancia de prueba para determinar si es probable que sea útil para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal, (4) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para formular una prognósis de que un animal es propenso a tener sobrepeso o el desarrollo de un diagnóstico de que un animal es obeso, (5) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para manipular el genoma de un animal no humano o la expresión del genoma de un animal, (6) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para modular la expresión de uno o más genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con animales delgados, en particular genes asociados con la grasa, o modular la cantidad de tejido adiposo en un animal, (7) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para seleccionar un animal para inclusión en uno o más grupos, (8) el uso de los polinucleótidos de la presente descripción para el uso de sistema de ordenador para manipular los datos relativos a los genes expresados diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con animales delgados, en particular genes asociados a la grasa, (9) la administración de sustancias de la presente descripción a un animal, solas o en combinación con los otros elementos de la presente descripción (10) el uso de las sustancias de la presente descripción para modular la cantidad de tejido adiposo en un animal, (11) el uso del sistema de ordenador de la presente descripción (12) el uso de los kits de la presente descripción, y (13) las instrucciones para el uso de los métodos y composiciones como se define aquí con uno o más fármacos u otras sustancias que modulan la cantidad de tejido adiposo en un animal. El medio comprende un documento, medios digitales de almacenamiento, medios ópticos de almacenamiento, presentación de audio, o de visualización visual que contiene la información o las instrucciones. En ciertas realizaciones, los medios de comunicación es un sitio web que se muestra, representación visual, quiosco, folleto, etiqueta del producto, inserto en el empaque, anuncio, volante anuncio público, cintas de audio, cintas de vídeo, DVD, CD-ROM, chips legible por ordenador, tarjeta legible por ordenador, disco legible por ordenador, memoria del ordenador, o combinación de los mismos que contienen dicha información o instrucciones. La información útil incluye uno o más de (1) métodos para promover la salud y el bienestar de los animales y (2) la información de contacto a usar para los cuidadores de los animales si tienen una pregunta de la invención y su uso. Las instrucciones útiles incluyen técnicas para el uso de las sondas, instrucciones para realizar un ensayo de la expresión génica, y administración de las cantidades y frecuencia para las sustancias. Los medios

de comunicación son útiles para instruir sobre los beneficios del uso de los métodos y las composiciones definidas aquí.

EJEMPLOS

Materiales y métodos

5 Aislamiento de ácido ribonucleico (ARN) a partir de tejido

Las muestras de tejido que han sido recogidas, se congelaron en nitrógeno líquido y descongeladas son homogeneizadas y procesadas utilizando un método de extracción de ARN TRIzol® para producir ARN de buena calidad la cual es luego sometida a análisis genómico adicional.

10 **Materiales:** hielo, nitrógeno líquido, tejido canino o felino congelado, reactivo de lisis TRIzol®, mínimo 99% de cloroformo, alcohol isopropilo, 70% de etanol (preparado con etanol, absoluto y desionizado, agua libre de RNasa), Zap® RNasa, agua desionizada, Solution® de Almacenamiento de ARN, de Ambion.

15 **Equipo:** Homogeneizador de Potencia Ultra-Turrax T25, Centrífuga Beckman Coulter Allegra 25R, centrífuga Eppendorf, pinzas, bisturí, superficie dura de corte, esto es, la tabla de corte, tubos de microcentrífuga libres/estériles de RNasa y DNasa de 1.5 mL, 50 ml de DNasa y RNasa libre de tubos de polipropileno desechables libres/estériles de DNasa y RNasa, pipetas Rainin Pipetman de P1000, P200, P20, P10 y P2, puntas para filtro de pipetas para pipetas P1000, P200, P20, P10 y P2, libre/estéril de DNasa y RNasa, y paños libres de pelusa.

Preparación: Preparar tubos de polipropileno de 50 mL con 4 mL de TRIzol® (un tubo para cada tejido seleccionado para el aislamiento de ARN).

20 **Homogeneización de tejidos:** Llenar un contenedor capaz de contener nitrógeno líquido con 3-4 cucharadas de nitrógeno líquido. Coloque un pedazo de tejido congelado inmediatamente en el recipiente antes mencionado (el tejido debe ser el tamaño de un guisante) y coloque el tejido en el tubo de polipropileno de 50 mL apropiado marcado (que ya contiene 4 mL de TRIzol®). Inmediatamente comience la homogeneización utilizando el homogeneizador de Potencia Ultra-Turrax T25. Homogeneizar en el ajuste más alto (6) durante 10-15 segundos. Enfríe la muestra en hielo durante otros 10-15 segundos y repita. Continúe hasta que el tejido esté totalmente homogeneizado y la solución está turbia. Tras completar la homogeneización, tape el tubo de 50 mL y devuelva al hielo. Incube los tejidos homogeneizados a temperatura ambiente durante 5 minutos antes de proceder con el procedimiento de aislamiento.

30 **Aislamiento de ARN:** Los procedimientos dados en las instrucciones de Invitrogen provistas con el reactivo TRIzol® son generalmente seguidos. Separar la muestra homogeneizada en cuatro alícuotas de 1 mL en cuatro tubos de microcentrífuga de 1.5 L. Agregar 200 uL de cloroformo a cada alícuota de 1 mL. Tapar los tubos y someter a vórtex durante 15 segundos y luego sacudir hacia arriba y hacia abajo. El resultado debe ser un líquido lechoso de color rosa. Incubar los tubos a temperatura ambiente durante 2-3 minutos. Centrifugar los tubos durante 15 minutos a 14,000 rpm y 4°C. Transferir la fase acuosa (capa superior) a un tubo estéril de microcentrífuga de 1.5 mL. El volumen típico de la fase acuosa que debe ser transferido al nuevo tubo es 500 uL. Asegúrese de no transferir ninguno de la fase intermedia o inferior. Precipitar el RNA de la solución mediante la adición de 500 uL de alcohol isopropilo a cada tubo de microcentrífuga que contiene la capa acuosa. Agitar los tubos hacia arriba y hacia abajo durante al menos 20 segundos. Incubar las muestras a temperatura ambiente durante 10 minutos. Centrifugar las muestras durante 10 minutos, 14.000 rpm a 4°C. Eliminar el sobrenadante cuidadosamente aspirando el líquido asegurándose de no perder las pellas. Añadir 1 mL de etanol al 70% para lavar las pellas. Desalojar la pella con un movimiento rápido del tubo (o golpeando el tubo en la parte superior del mesón) y agitar para mezclar. Centrifugar durante 5 minutos, 8,200 rpm a 4°C. Eliminar el sobrenadante cuidadosamente aspirando el líquido asegurándose de no perder la pella. Usar un paño libre de pelusa con cuidado al absorber el exceso de etanol para asegurarse de que la pella está seca. Resuspender cada pella en 30 uL de Solución de Almacenamiento de ARN. Mezclar suavemente con la pipeta hasta que el ARN se remonte en la solución y luego almacenar a -80° C. Puede ser necesario someter a vórtex la muestra durante unos pocos segundos a baja velocidad para facilitar la resuspensión del ARN. Si esto es necesario, centrifugar las muestras, utilizando la microcentrífuga, antes de la congelación.

Limpieza de ARN: Se siguen los procedimientos dados en el Mini Manual RNeasy®.

Aislamiento de células cultivadas en cámaras OptiCell usando el RNeasy Mini Kit.

50 Las células cultivadas a partir de líneas celulares de mamíferos se utilizan para aislar RNA de buena calidad que luego se utiliza para el futuro análisis genómico corriente abajo. Todo el trabajo relacionado con el cultivo de las células se debe hacer bajo estrictas condiciones asépticas.

Reactivos: 10X PBS, H₂O desionizada, etanol absoluto, Solución de Almacenamiento de ARN, β-mercaptoetanol, RNasa Zap®, Regulador RLT, y Regulador RW1 y Regulador RPE (proporcionado en el RNeasy Mini Kit)

ES 2 524 475 T3

Equipos/Materiales: Mini Kit RNeasy, columnas giratorias QIAshredder, cuchillo OptiCell, jeringa estéril de 20 mL, consejos OptiCell, Raspador de células, pipeta Pipetman P1000, Rainin, pipeta Pipetman P200, Rainin, puntas de pipeta de filtro 100de -100 uL, puntas de pipeta de filtro de 1-200uL, pipetas de transferencia estériles, vasija de 55 mL para solución estéril de cuenca, tubos de microcentrífuga estéril de 1.5 ml, y microcentrífuga Eppendorf.

- 5 Soluciones: Regulador RLT (Reserva provista en el RNeasy Mini Kit); - Agregar 100 uL de β -mercaptoetanol por 10 ml de Regulador RLT antes de comenzar el protocolo. Etanol al 70%: Hacer 50 mL de etanol al 70% mediante la adición de 35 mL de etanol absoluto a 15 ml agua libre de RNasa desionizada. 1X PBS: agua libre de RNasa. Filtrar la solución usando un filtro de .22um.

- 10 Procedimiento: Extracción de células de la Cámara OptiCell (proceder un OptiCell a la vez). Compruebe las células bajo un microscopio para asegurarse de que las células están vivas antes de aislar el ARN. Retire y deseche el medio de cultivo celular. Utilizando el cuchillo OptiCell cortar la membrana superior exponiendo las células en la membrana inferior. Lavar la membrana a la que las células están unidas tres veces con 1X PBS. Transfiera con una pipeta 600 uL de la solución del regulador RLT (que contiene β -mercaptoetanol) en el centro de la membrana a la cual se unen las células. Utilizando el raspador de células, se extendió suavemente el regulador RLT sobre toda la superficie de la membrana, y luego recoger el líquido en una esquina. Transfiera con una pipeta la totalidad del volumen del regulador RLT y coloque en una columna de rotación QIAshredder.

- 15 Aislamiento de ARN: Centrifugar las columnas de rotación QIAshredder a 14,000 rpm durante 2 minutos. Desechar la columna de rotación, pero mantenga el tubo de recogida y su contenido. Agregar 600 uL de etanol al 70% para el tubo de recogida y mezclar bien con la pipeta (volumen total ahora = 1.2 mL). Transferir 600 uL del lisado celular a una minicolumna RNeasy y centrifugar durante 15 segundos a 14,000 rpm. Desechar el fluido, pero mantenga el tubo de recogida y la columna de rotación. Transferir el volumen restante de lisado celular (~ 600 uL) a la columna de rotación y repetir la centrifugación. Desechar el fluido, pero mantener el tubo de recogida y la columna de rotación. Agregar 700 uL de regulador RW1 a la columna de rotación. Centrifugar durante 15 segundos a 14,000 rpm para lavar la columna. Desechar el fluido y el tubo de recogida. Transferir la columna de rotación a un nuevo tubo de recogida de 2 mL y agregar 500 uL de regulador RPE a la columna. Centrifugar durante 15 segundos a 14,000 rpm. Desechar el fluido, mantener el tubo/columna de recogida. Añadir otros 500 uL de regulador RPE a la columna. Centrifugar durante 2 minutos a 14,000 rpm. Transferir la columna de rotación a un tubo de recogida de 1.5 L. Añadir 30 uL de Solución de Almacenamiento de ARN directamente a la membrana de sílica gel y se centrifugar durante 1 minuto a 14,000 rpm para eluir el ARN. Almacene el ARN final a -70°C.

- 30 Nano Ensayo de ARN 6000

Usando el Bioanalizador Agilent 2100 y el ensayo de ARN 6000 Nano, analizar ARN aislado de cultivos de células de mamíferos, linfocitos o tejidos para calidad.

- 35 Reactivos: matriz de gel de ARN 6000 Nano, concentrado de colorante de ARN 6000 Nano, Marcador de ARN 6000 Nano, (todos los reactivos anteriores se encuentran contenidos en el kit de ensayo de ARN 6000 Nano, Agilent), escalera de ARN 6000, RNasa Zap, y RNasa libre de agua, de Ambion.

Equipos/Otros Materiales: Estación de cebado de Agilent chip, Agilent, chip ARN 6000, Agilent, limpiadores de electrodos, pipetas estériles Rainin Pipetman P2, P10, P200 y P1000, puntas de pipeta con filtro libres de DNasa/RNasa, tubos de microcentrífuga de 1.5 mL estériles, vórtex, mezclador de vórtex IKA, microcentrífuga, y bloque de calentamiento.

- 40 Procedimiento: El procedimiento se da en the Reagent Kit Guide, RNA 6000 Nano Assay, Edition November 2003, por Agilent Technologies. Los procedimientos se siguen como se indica en la Guía, con las siguientes modificaciones: Preparación del Gel, pg. 17- en lugar de separar el gel filtrado en alícuotas de 65 uL cada una, mantener la reserva de gel filtrado en el tubo de microcentrífuga original y la alícuota 65 uL según sea necesario. Cargando el marcador de RNA 6000 Nano, pg. 22- añadir 1 uL de agua libre de RNasa (en lugar del marcador ARN 6000 Nano) a cada pozo de la muestra que no contiene muestra. Esto no sólo conservará la cantidad de marcador utilizado, pero también sirve como control negativo para ver que ninguno de los reactivos estén contaminados, incluyendo el agua libre de RNasa. Cargando la Escalera y muestras, pg. 23- el calor desnaturaliza las muestras de Escalera ARN y 6000 durante 30 segundos adicionales (total de 2.5 minutos) a 71°C. A partir de la ejecución de la viruta, pg. 26- elegir la opción "ARN Nano total eucariota " en el menú de ensayo.

- 50 Análisis de expresión del genchip de Affymetrix

- 55 La expresión génica se analiza utilizando el Affymetrix Canine 1 y Canine 2 GeneChip® utilizando las disposiciones Affymetrix Canine 1 y Canine 2 de GeneChip® están disponibles comercialmente de Affymetrix, Inc., Santa Clara, CA 95051. El ARN total se transcribió de forma reversa en el ADNc. El ADNc se utiliza para generar ARNc fragmentado el cual es fragmentado y utilizado como sondas para la hibridación del GeneChip. El chip de gen es lavado y la señal de hibridación es medida con un escáner láser de Affymetrix. Los datos de hibridación son entonces validados y normalizados para análisis adicional.

Materiales: Affymetrix provee la mayor parte de los reactivos y kits. Otros reactivos listados en el Manual de Affymetrix pero no suministrados en el kit se pueden obtener por separado (para más detalles refiérase al Manual Técnico de Análisis de Expresión GeneChip (701021 Rev.4)), RNasa Zap® y agua desionizada.

5 Equipo: microcentrífuga Eppendorf, tubos de microcentrífuga de 1.5 mL libre/estériles de DNasa y RNasa, tubos de polipropileno desechables libres/estériles de DNasa y RNasa de 50 mL, pipetas Rainin Pipetman P1000, P200, P20, P10 y P2, puntas de pipeta de filtro P1000, P200, P20, P10 y P2, termociclador Peltier PTC-200 libre/estéril de DNasa y RNasa.

10 Procedimiento: siga todos los procedimientos exactamente como se describe en el Manual Técnico de Análisis de Expresión de GeneChip (Affymetrix Copyright 1999-2003). Utilice 5 microgramos de ARN total para la síntesis de ADNc de la primera cadena. Utilice bien sea Termociclador Peltier PTC-200 o el bloque de calor para el control de la temperatura sobre las reacciones y desnaturalización de la sonda. El control de calidad se realiza utilizando chips de ARN NanoDrop con BioAnalyzer 2100. Use el formato 100 (Midi Ensayo) para el GeneChip canino.

Ejemplo 1

15 Determinación de la expresión diferencial de genes entre muestras de tejido adiposo de animales con sobrepeso y animales delgados

20 Se obtienen muestras de tejido adiposo a partir de 18 (3 delgados y 15 obesos) o linfocitos obtenidos a partir de 44 (12 delgados y 32 obesos) animales caninos diagnosticados como bien sea "obesos" o "delgados" usando métodos convencionales. La "gordura" o la "delgadez" de un animal está determinada con base en mediciones por DEXA utilizando métodos convencionales o sobre la base de un sistema de evaluación del estado físico de 5 puntos. Por ejemplo, un animal se considera delgado si tiene una evaluación de la condición corporal de 2 o 2.5 y/o un porcentaje de grasa corporal total DEXA DE 27% o menos. Un animal se considera con sobrepeso si tiene una evaluación de la condición corporal de 4 o superior y un porcentaje de grasa corporal total de 30% o superior. Todas las muestras de tejidos sólidos se congelaron rápidamente en nitrógeno líquido inmediatamente después de la retirada del animal. Los linfocitos se aislaron utilizando Tubo de Preparación Celular BD de Vacutainer® CPT™ de acuerdo con las instrucciones de los fabricantes y también se congelaron rápidamente hasta que se necesiten. Las muestras fueron analizadas utilizando Affymetrix Canine-2 GeneChips® de acuerdo con las recomendaciones del fabricante con el fin de determinar qué genes se expresan diferencialmente en los animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados.

30 Los datos fueron analizados utilizando el Partek® GS (Partek Inc., St. Charles, MO) para el software Gene Expression Data (Partek Incorporated, 12747 Olive Blvd., Suite 205, St. Louis, Missouri 63141, EE. UU. http://www.partek.com/partekgs_geneexpression). El algoritmo Robust Multichip Average (RMA) (Rafael. A. Irizarry, Benjamin M. Bolstad, Francois Collin, Leslie M. Cope, Bridget Hobbs and Terence P. Speed (2003), los resúmenes de datos de nivel de sonda de Affymetrix GeneChip Nucleic Acids Research 31(4):e15) se utilizaron para el ajuste de fondo, la normalización, y resumen del nivel de sonda de las muestras de GeneChip®. Se realizó el análisis de ANOVA para encontrar genes significativos expresados diferencialmente entre los dos grupos con un mínimo control de FDR a 0.1 (o valor p de 0.1 o 0.05 si la potencia no fue suficiente para aplicar FDR) y un factor de cambio de 1.3 en cada dirección. Nuestros estudios empíricos han revelado que el Canine-2 GeneChips® tienen un nivel de ruido de fondo asociado de 1.3 veces. Por lo tanto, todos los análisis presentados en este informe emplean un corte de +/- 1.3 veces. Por otra parte, el umbral de la tasa de descubrimiento falso de 0.1 (significa que el 10% de las observaciones se deben a la suerte) fue elegido como el nivel mínimo de significado estadístico aceptable para los estudios que contienen un mínimo de 12 animales por grupo. Los estudios con un número menor de animales no tienen la potencia suficiente para permitir la apropiada aplicación de la FDR. Los resultados se proveen en las tablas a continuación.

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Obesos vs delgados (Comparación de la expresión del gen en tejido adiposo) corte FC en toda la lista de genes: 1.3; valor P de corte: 0.1; valor Q de corte: 1							
# de muestras en el grupo (Grasa adiposa): 15 grupo 2 (MAGRO): 3							
Veces del cambio > 1 implica sondas que están sobre reguladas muestras de grasa adiposo							
Sonda	Valor P	Valor Q	Veces del cambio	Anotación superior BLAST	Conteo del hit superior	Símbolo del gen	Gene Desc.
Cfa. 19142.1. S1 s en	8.81E-02	1.00E+00	1.4	PREDICHO: Equus caballus septin 7 (SEPT7); ARNm	XM 001500153	07-sep	Septin 7
Cfa. 6037.1S1 en	9.81E-02	1.00E+00	0.59	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor Alfa-2-macroglobulina Alfa-2-M) (LOC477699) ARNm	XM 534893	A2M	Alfa-2-macroglobulina
Cfa. 6037.1. S1 s en	5.06E-02	1.00E+00	0.54	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor Alfa-2-macroglobulina Alfa-2-M) (LOC477699) ARNm	XM 534893	A2M	Alfa-2-macroglobulina
Cfa. 436.3.S1 a en	4.36E-02	1.00E+00	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína hidrolasa alfa/beta; variante transcripta 2 (LOC479037); ARNm	XM 536188	ABHD2	Dominio de abhidrolasa que contiene 2
Cfa Afx. 18000.1. S1 en	5.79E-02	1.00E+00	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína alfa/beta hidrolasa; variante transcripta 3 (LOC479037); ARNm	XM 844639	ABHD2	Dominio de abhidrolasa que contiene 2
Cfa Afx. 19895.1. S1 s en	3.87E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al Abl-interactor 2 (Interactor Ableson 2)	XM 545606	ABI2	Interactor abl 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 7032.1. S1 en	4.16E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de repetición de anquirina y BTB (POZ) que contiene 1 isoforma 2 (LOC609299); ARNm	XM 846538	ABTB1	Dominio de repetición de anquirina y BTB (POZ) que contiene 1
Cfa Afx. 17376.1. S1 s en	6.34E-02	1.00E+00	0.34	ADNc de Homo sapiens FU60371 cds completo; altamente similar a la Acetil-CoA carboxilasa 2 (EC 6.4.1.2)	AK302502	ACACB	Acetil-Coenzima A beta carboxilasa
Cfa Afx. 29929.1. S1 s en	6.27E-02	1.00E+00	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a la hidrolasa tioéster A coenzima de acilo citosólica (hidrolasa tioéster acil-Coa de cadena larga) (Hidrolasa acil-CoA de cerebro) (LOC479589); ARNm	XM 536727	ACOT7	Acetil-coA tioesterasa 7
Cfa. 14387.1.A 1 s en	7.17E-02	1.00E+00	0.52	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fosfatasa ácida 6; lisofosfatídica (LOC475822); ARNm	XM 533030	ACP6	fosfatasa ácida 6, lisofosfatídica
Cfa. 11382.1.A 1 s en	2.33E-02	1.00E+00	0.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a F46E10.1a (LOC480551); ARN	XM 537673	ACSF2	miembro 2 de la familia acil-CoA sintetasa
Cfa. 11382.1.A 1 en	6.66E-02	1.00E+00	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a F46E10.1a (LOC480551); ARN	XM 537673	ACSF2	miembro 2 de la familia sintetasa acil-CoA

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 18640.1.S 1 s en	4.29E-02	1.00E+0 0	1.33	PREDICHO: canis familiaris similar a la CoA ligasa 5 ácido graso de cadena larga (sintetasa acil-CoA de cadena larga 5) (LACS 5); variante transcripta 5 (LOC477820); ARNm	XM 859627	ACSL5	miembro de la familia de cadena larga sintetasa acil-CoA 5
Cfa. 17404.1.S 1 s en	3.27E-02	1.00E+0 0	1.33	PREDICHO: canis familiaris similar a la CoA ligasa 5 ácido graso de cadena larga (sintetasa acil-CoA de cadena larga 5) (LACS 5); variante transcripta 5 (LOC477820); ARNm	XM 859627	ACSL5	miembro de la familia de cadena larga sintetasa acil-CoA 5
Cfa Afx. 4436.1. S1 en	4.61E-02	1.00E+0 0	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 relacionada con la actina ARP1 homóloga B; beta contractina (LOC611680) ARNm	XM 849380	ACTR1B	proteína 1 relacionada con la actina ARP1 homóloga B; beta contractina (levadura)
Cfa. 17603.1.S 1 en	9.62E-02	1.00E+0 0	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al potenciador del terminal amino de la isoforma de división a (LOC485064); ARNm	XM 542182	AES	potenciador del terminal amino de la división
Cfa. 19737.1.S 1 en	5.56E-02	1.00E+0 0	1.33	Receptor de hidrocarburo arilo de Homo sapiens; ARNm (clon de ADNc MGC:87401 IMAGEN:30342582 , cds completo	BC 070080	AHR	Receptor de hidrocarburo arilo

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 6363.1.A1 s en	6.38E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Homólogo de oncógeno viral timoma de murina v-akt 3 Macaca mulatta	XM 001104624	AKT3	Homólogo de oncógeno viral timoma de murina v-akt 3
Cfa. 4557.1. S1 en	7.98E-03	1.00E+00	0.76	PREDICHO: proteína similar a proteína quinasa B gamma de Canis familiaris; variante transcripta 1 (AKT3); ARNm	XM 547496	AKT3	Homólogo de oncógeno viral timoma de murina v-akt 3 (proteína quinasa 3, gama
Cfa Afx. 24220.1. S1 en	1.43E-02	1.00E+00	0.66	PREDICHO: proteína similar a proteína quinasa B Canis familiaris; variante transcripta 1 (AKT3); ARNm	XM 858162	AKT3	Homólogo de oncógeno viral timoma de murina v-akt 3 (proteína quinasa 3, gama
Cfa Afx. 22870.1. S1 s en	4.57E-03	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Fosfatasa alcalina de Canis familiaris (ALP) ARNm	XM 535374	ALPL	fosfatasa alcalina, hígado/hueso/riñón
Cfa Afx. 10568.1. S1 s en	8.45E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a T12A2.1 (LOC475432); ARNm	XM 532656	AMDHD 1	dominio de amidohidrooleasa que contiene 1
Cfa. 14585.1.S 1 en	6.21E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína MASK-4E BP3; variante transcripta 1 (LOC612748), ARNm	XM 535210	ANKHD 1	repetición de anquirina y KH que contiene 1
Cfa Afx. 9676.1. S1 s en	3.61E-02	1.00E+00	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína MASK-4E BP3; variante transcripta 1 (LOC612748), ARNm	XM 535210	ANKHD 1	repetición de anquirina y KH que contiene 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1079.1. S1 en	4.84E-02	1.00E+00	1.66	PREDICHO: Dominio de repetición de anquirina de Equus caballus 26; variante transcripta 1 (ANKRD26); ARNm	XM001495349	ANKRD26	dominio de repetición de anquirina 26
Cfa. 19611.1. S1 a en	4.41E-02	1.00E+00	1.62	dominio de repetición de anquirina d Bos taurus 29; ARNm (clon ADNc MGC:152539 IMAGEN: 8185222) cds completo	BC149707	ANKRD29	dominio de repetición de anquirina 29
Cfa Affx. 27839.1.S1 s en	1.36E-02	1.00E+00	1.94	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de repetición de anquirina 29 (LOC606927); ARNm	XM843406	ANKRD29	dominio de repetición de anquirina 29
Cfa Affx. 28621.1. S1 en	7.16E-02	1.00E+00	0.52	PREDICHO: Canis familiaris similar hipotético LOC480209 (LOC480209); ARNm	XM537333	APCDD1	adenomatosis poliposis coli subregulada
Cfa. 1417.1. S1 en	9.62E-02	1.00E+00	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la Apolipoproteína D (Apo-D) (ApoD); variante transcripta 1 (LOC478604); ARNm	XM535780	APOD	apolipoproteína D
Cfa. 21549.1. S1 en	7.65E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Acuaporina 3 (LOC478604); ARNm	XM849503	AQP3	acuaporina 3 (grupo sanguíneo Gill)
Cfa. 21549.1. S1 s en	7.57E-02	1.00E+00	0.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Acuaporina 3 (LOC478604); ARNm	XM849503	AQP3	acuaporina 3 (grupo sanguíneo Gill)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11933.1.A 1 en	7.36E-02	1.00E+00	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína activadora de Rho-GTPasa 9 (LOC474413); ARNm	XM 531645	ARHGAP 9	Rho GTPasa que activa la proteína 9
Cfa Affx. 18645.1. S1 en	7.92E-02	1.00E+00	0.64	PREDICHO: 4C similar al factor ADP-ribosilación de Pan troglodytes; variante transcrita 2 (ARL4C) ARNm	XM 001151934	ARL4C	4C similar al factor ADP-ribosilación
Cfa Affx. 12981.1. S1s en	8.12E-02	1.00E+00	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína similar al translocador nuclear del receptor de hidrocarburo arilo 1 (similar al ARNT de cerebro y músculo 1) Miembro de la proteína PAS 3) (MOP3 huérfano de Básico-hélice-bucle-hélice-PAS) (JAP3 proteína bHLH-PAS); variante transcrita 3 (LOC476860); ARNm	XM 859290	ARNTL	similar al translocador nuclear del receptor de hidrocarburo arilo
Cfa Affx. 23219.1. S1s en	7.86E-02	1.00E+00	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de arrestina que contiene 2 isoforma 2; variante transcrita 3 (LOC609489); ARNm	XM 860432	ARRDC 2	dominio de arrestina que contiene 2
Cfa Affx. 3339.1. S1 en	9.06E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la ceramidasa alcalina 2 (LOC481553); ARNm	XM 538674	ASAH3L	similar a la N-acilespingosina amidohidrolasa 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 26949.1. S1 en	7.35E-02	1.00E+0 0	0.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a la repetición de anquirina y la proteína 2 que contiene la caja SOCS (predicha); variante transcripta 1 (LOC490836) ARNm	XM 547958	ASB2	repetición de anquirina y la proteína 2 la caja SOCS que contiene 2
Cfa. 10230.1.A1 en	7.69E-02	1.00E+0 0	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a la ATPasa; transportador de aminofosfolípidos (APLT), clase 1; tipo 8A; miembro 1; variante transcripta 2 (LOC607976; ARNm	XM 853476	ATP8A1	transportador de aminofosfolípidos (APLT), clase I, tipo 8A, miembro 1
Cfa. 16355.1. S1 s en	9.25E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Serina/treonina proteína quinasa 12 (proteína 1 asociada a la mitad del cuerpo similar a Aurora y lpl-1 (AIM-1) quinasa 2 relacionada con Aurora/IPL1) (quinasa 2 relacionada con Aurora) (STK1) (Aurora-B); variante transcripta 4 (LOC479492; ARNm	XM 854991	AURKB	aurora quinasa B

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 17802.1. S1 en	9.59E-02	1.00E+00	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a Beta-1; 4-galactosiltransferas a 5 (Beta4Gal-T5) (b4Gal-T5) UDP-galactosa: beta-N-acetilglucosamina beta-1; 4-galactociltransferas a 5) (Beta-1; 4-GalT II)... (LOC485920); ARNm	XM 543044	B4GALT 5	UDP-Gal: BetaGI cNac beta 1,4-galactociltransferasa, polipéptido 5
CfaAffx6868 .1. S1 en	5.74E-02	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a BMP y al precursor homólogo del inhibidor enlazante de la membrana de activina (proteína de la transmembrana putativa NMA) (proteína A de gen no metastásico); variante transcrita a (LOC487081); ARNm	XM 544209	BAMBI	homólogo inhibidor enlazante de la membrana de BMP y activina (Xenopus laevis)
CfaAffx1768 .1. S1 s en	5.53E-02	1.00E+00	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar al transcripto 2 asociado a HLA-B; variante transcrita 2 (LOC481713); ARNm	XM 844311	BAT2	transcripto 2 asociado HLA-B
Cfa. 110.1. S1 s en	3.91E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: ARNm bcl-2 de Canis lupus familiaris para Bcl-2; cds parcial	AB116145	BCL2	CLL/linfoma 2 de Célula B
Cfa. 10375.2.A 1 en	9.45E-02	1.00E+00	0.74	CLL/linfoma 2 de célula B de Homo sapiens (BCL2); gen nuclear que codifica proteína mitocondrial; variante transcrita alfa; ARNm	NM 000633	BCL2	CLL/linfoma 2 de Célula B

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 7221.1.A1 en	2.03E-02	1.00E+0 0	0.73	1 similar5 a BCL2 de Bos taurus; ARNm (clon de ADNc MGC:139852 IMAGEN:8284203); cds completo	BC13328 1	BCL2L1	1 similar a BCL2
CfaAffx2448 0.1. S1 en	5.83E-02	1.00E+0 0	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a CLL/linfoma de célula B 6; miembro B (proteína de dedo de zinc) (LOC489459); ARNm	XM 546577	BCL6B	CLL/linfoma 6 de Célula B; miembro B (proteína de dedo de anillo)
Cfa. 7153.1.A1 s en	4.00E-02	1.00E+0 0	0.41	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor 2 de proteína morfogénica de hueso (BMP-2) (BMP-2A); variante transcrita 1 (LOC477162); ARNm	XM 534351	BMP2	proteína morfogénica de hueso 2
Cfa Affx. 20448.1 S1 en	9.88E-02	1.00E+0 0	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar proteína basonuclina de dedos de zinc 1(LOC488756); ARNm	XM 545874	BNC1	basonuclina 1
Cfa Affx. 28168.1. S1 en	6.80E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar dominio de BTB/POZ que contiene proteína 6 (proteína de dominio BTB lens); variante transcrita 2 (LOC6113889); ARNm	XM 863593	BTBD6	dominio de BTB (POZ) que contiene 6

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 13161.1. S1s en	2.64E-02	1.00E+00	0.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína BTG3 (proteína Tob5) Abundante en proteína de área de neuroepitelio); variante transcripta 2 (LOC487695); ARNm	XM 544819	BTG3	familia de BTG, miembro 3
Cfa. 10545.2.S1s en	4.00E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio Brix que contiene proteína 1; variante transcripta 2 (LOC475029); ARNm	XM 849359	BXDC1	dominio brix que contiene 1
Cfa. 11274.1.A1en	8.77E-02	1.00E+00	0.71	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la superfamilia de inmunoglobulina; miembro 4A isoforma A; variante transcripta 3 (LOC695983); ARNm	XM 001089381	CADM1	molécula de adhesión celular 1
Cfa. 3402.2.A1en	8.07E-02	1.00E+00	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de calumenina; variante transcripta 4 (LOC475201); ARNm	XM 853521	CALU	calumenina
Cfa Affx. 28438.S1 en	8.34E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: familia del dominio de reclutamiento de caspasa de Equus caballus; miembro 6 (CARD6); ARNm	XM 001916765	CARD6	familia del dominio de reclutamiento de caspasa, miembro 6

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 30657.1. S1 en	8.73E-02	1.00E+0 0	0.48	similar a la quinurenina-- oxoglutarato transaminasa 1 (quinurenina aminotransferasa I) (Glutamina-- fenilpiruvato transaminasa) Glutamina transaminasa K) (GTK) (beta liasa conjugada de cisteína S) (LOC491310); ARNm	XM 548431	CCBL1	beta liasa conjugado de cisteína; citoplásmica
Cfa Afx. 30657.1. S1 s en	8.36E-02	1.00E+0 0	0.55	similar a la quinurenina-- oxoglutarato transaminasa 1 (quinurenina aminotransferasa I) (Glutamina-- fenilpiruvato transaminasa) Glutamina transaminasa K) (GTK) (beta-liasa conjugada de Cisteina-S) (LOC491310); ARNm	XM 548431	CCBL1	beta liasa conjugado de cisteína; citoplásmica
Cfa Afx. 1376.1. S1 s en	8.32E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG10874-PA; isoforma A (LOC476220); ARNm	XM 533425	CCDC2 8A	dominio de alambre enrollado que contiene 28A
Cfa. 9084.1.A1 en	6.79E-02	1.00E+0 0	1.58	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de alambre enrollado que contiene el precursor 3 de proteína (LOC607593); ARNm	XM 844332	CCDC3	dominio de alambre enrollado que contiene 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 13025.1.A1 en	6.76E-02	1.00E+0 0	1.33	Dominio de alambre enrollado de Bos taurus que contiene 88C; ARNm (clon de ADNc MGC:160122 IMAGEN; 8520598); cds completo	BC14985 6	CCDC8 8C	dominio de alambre enrollado que contiene 88C
Cfa Afx. 18573.1. S1 s en	9.67E-02	1.00E+0 0	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar la proteína 1 enlazante de ciclina tipo D ; variante transcrita 1 (LOC607896); ARNm	XM 844654	CCNDBP 1	proteína 1 enlazante de ciclina tipo D
Cfa Afx. 21302.1. S1 s en	6.08E-02	1.00E+0 0	1.56	ARNm del receptor de quimiocina CC de Canis familiaris 5 (CCR5) ; cds completo	AY90472 5	CCR5	receptor de quimiocina (motivo C-C) 5
Cfa. 3629.2.S1 s en	9.68E-02	1.00E+0 0	1.42	ARNm de proteína B7-2 de Canis familiaris (CD86); cds completo	AF10682 6	CD86	molécula CD86
Cfa Afx. 8676.1. S1 en	1.50E-02	1.00E+0 0	1.54	similar al precursor del receptor C1q componente del complemento (Componente del complemento 1; subcomponente q; receptor 1) (C1qRp) (C1qR(p)) (Receptor C1q/MBL/SPA) (antígeno CD93) (CDw93) (LOC606923); ARNm	XM 843403	CD93	molécula CD93
Cfa. 11357.1. S1 en	6.86E-02	1.00E+0 0	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 efectora Cdc42(LOC475726); ARNm	XM 532935	CDC42E P3	proteína 3 efectora de CDC42 (enlazante de Rho GTPasa)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8928.1.A1 en	6.09E-02	1.00E+0 0	1.31	ARNm de Pongo abelii; DKZp4591233 de ADNc (del clon DKZp4591233)	CR86129 1	CDC42S E2	efector 2 pequeño de CDC42
Cfa. 20814.1. S1 s en	8.31E-02	1.00E+0 0	1.74	caderina 13 de Bos taurus; H-caderina (corazón); ARNm (clon de ADNc) MGC:128634 IMAGEN:7986572); cds completo	BC10753 5	CDH13	caderina 13, H-caderina (corazón)
Cfa. 5459.1.A1 en	7.98E-02	1.00E+0 0	1.55	PREDICHO: caderina 13 de pan troglodytes; variante transcrita 2 (CDH13); ARNm	XM 00114950 2	CDH13	caderina 13, H-caderina (corazón)
Cfa. 16772.1.A1 en	1.66E-02	1.00E+0 0	0.44	Inhibidor 2B de quinasa dependiente de ciclina de Bos taurus (p15; inhibe CDK4); ARNm (clon de ADNc MGC:128299 IMAGEN:7947847); cds completo	BC10539 2	CDKN2B	Inhibidor 2B de quinasa dependiente de ciclina (p15, inhibe CDK4)
Cfa Afx. 1755.1. S1 en	1.38E-02	1.00E+0 0	1.35	ARNm de Homo sapiens; DKFZ686106246 de ADNc (del clon DKFZ686106246)	CR62732 4	CEP120	proteína centrosomal 120kDa
Cfa. 15651.1.A1 en	9.43E-02	1.00E+0 0	0.72	ARNm de cingulina de Canis familiaris; cds completo	DQ91079 9	CGN	cingulina
Cfa Afx. 14841.1. S1 en	9.37E-02	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG10365-PA; isoforma A (LOC487504); ARNm	XM 544628	CHAC1	ChaC, homólogo 1 regulador de transporte de catión (E. coli)
Cfa Afx. 14841.1. S1 s en	2.38E-02	1.00E+0 0	0.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG10365-PA; isoforma A (LOC487504); ARNm	XM 544628	CHAC1	ChaC, homólogo 1 regulador de transporte de catión (E. coli)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 24023.1. S1 en	2.80E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 6 asociado con CTD relacionado con SR (LOC610237); ARNm	XM 847680	CHERP	proteína del testículo endoplásmico de homeóstasis de calcio
Cfa. 6922.1.A1 S en	6.63E-02	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de membrana intrínseca de lente 2; 19kDa (LOC476399; ARNm	XM 533602	CLDND 2	dominio de claudina que contiene 2
Cfa. 10901.1.A1 en	2.54E-02	1.00E+00	1.34	ARNm de Pongo abelii; DKFZp469F1421 de ADNc del clon DKFZp469F1421)	CR857228	CNP	3-fosfodiesteras a 2,3-cíclico-nucleótido
Cfa Affx. 24152.1. S1 s en	3.54E-03	1.00E+00	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-fosfodiesterasa 2;3-cíclico-nucleótido (CNP) (CNPasa) (LOC607694); ARNm	XM 844467	CNP	3-fosfodiesteras a 2,3-cíclico-nucleótido
Cfa Affx. 4930.1. S1 s en	0.13E-02	1.00E+00	0.61	PREDICHO: Colágeno de Equus Caballus; tipo XII; alfa 1 (COL12A1); ARNm	XM 001914742	COL12A 1	colágeno; tipo XII; alfa 1
Cfa Affx. 4939.1. S1 s en	9.93E-02	1.00E+00	0.58	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de isoforma corta de colágeno tipo XII alfa 1 ; variante de transcripto 3 (LOC481881); ARNm	XM 862338	COL12A 1	colágeno; tipo XII; alfa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10374.1.A1 en	8.23E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de isoforma corta de colágeno tipo XII alfa 1 ; variante de transcritto 3 (LOC481881); ARNm	XM 862345	COL12A1	colágeno; tipo XII; alfa 1
Cfa. 14626.3.S1 en	9.62E-02	1.00E+00	1.94	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de cadena alfa 1 (III) de colágeno; variante transcrita 3 (LOC485707); ARNm	XM 857812	COL3A1	colágeno; tipo III; alfa 1
Cfa Affx. 13076.1. S1 en	4.64E-02	1.00E+00	2.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor A de carboxipeptidasa de mastocitos (MC-CPA) Carboxipeptidasa A3) (LOC485707), ARNm	XM 542828	CPA3	carboxipeptidasa A3 (mastocitos)
Cfa. 1286.1.A1 en	8.81E-02	1.00E+00	0.56	PREDICHO: Palmitoiltransferasa de carnitina de Macaca mulatta 1A (CPT1A); ARNm	XM 001101846	CPT1A	Palmitoiltransferasa de carnitina 1A
Cfa. 101.1. S1 s en	9.54E-02	1.00E+00	0.62	PREDICHO: Isoforma I palmitoiltransferasa de carnitina de Canis familiaris (CPT1); ARNm	XM 533208	CPT1A	Palmitoiltransferasa de carnitina 1A (hígado)
Cfa Affx. 5470.1. S1 s en	3.88E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a serina carboxipeptidasa similar a vitelogénico (LOC611483); ARNm	XM 849152	CPVL	carboxipeptidasa similar a vitelogénico

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12544.1.A1 en	8.74E-02	1.00E+00	1.6	ARNm de Suscrofa; clon:OVRM10164F12; expresado en ovario	AK236216	CR956367.2	proteína transmembrana de próstata
Cfa Afx. 9880.1. S1 en	6.72E-02	1.00E+00	0.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4774-PA; isoforma A; variante transcrita 2 (LOC607530); ARNm	XM844822	CRLS1	cardiolipina sintasa 1
Cfa Afx. 7365.1. S1 en	6.35E-02	1.00E+00	0.45	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor similar a cistatina 9 (LOC485559); ARNm	XM542677	CST9L	similar a la cistatina 9
Cfa Afx. 31268.1. S1 s en	8.98E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma de cistationasa 1 (LOC479991); ARNm	XM537115	CTH	cistationasa (cistationina gama-liasa)
Cfa. 3883.1. S1 en	4.51E-02	1.00E+00	0.65	ARNm de Citocromo P- 450 IIB de Canis familiaris (P450IIB); cds completo	M92447	CYPIIB11	citocromo P450 2B11
Cfa. 2772.2.S1 s en	8.13E-02	1.00E+00	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador de dendrita derivado de células madres neurales; variante transcrita 1 (LOC479756); ARNm	XM536885	DAGLB	diacilglicerol lipasa, beta
Cfa. 2772.1.A1 en	5.13E-02	1.00E+00	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador de dendrita derivado de células madres neurales; variante transcrita 2 (LOC479756); ARNm	XM856253	DAGLB	diacilglicerol lipasa, beta

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3648.1. S1 s en	2.11E-02	1.00E+00	0.5	ARNm de CAN2DD de Canis lupus familiaris para deshidrogenasa dihidrodiol dimérica; cds completo	AB021930	DHDH	deshidrogenasa a dihidrodiol (dimérica)
Cfa. 4679.1.A1 s en	6.30E-02	1.00E+00	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a dícer1; variante transcripta 4 (LOC481426); ARNm	XM863433	DICER1	dícer 1, ribonucleasa tipo II
Cfa Affx. 942.1. S1 en	8.04E-02	1.00E+00	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno de carcinoma de células escamosas reconocido por las células T 2 (LOC482944); ARNm	XM541064	DSEL	similar a la epimerasa de sulfato de dermatano
CfaAffx395.1. S1 en	1.64E-02	1.00E+00	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fosfatasa 18 de proteína de especificidad dual (fosfatasa 20 de especificidad dual de bajo peso molecular); ARNm	XM543483	DUSP18	fosfatasa 18 de especificidad dual
Cfa. 16990.1. S1 en	3.22E-04	1.00E+00	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Disferlina (proteína similar a fer-1 asociada a la distrofia) (Fer-1 similar a la proteína 1) (LOC483121); ARNm	XM540237	DYSF	distrofia muscular de anillo óseo de extremidad 2B (autosómica recesiva)
Cfa Affx. 14261.1. S1 s en	3.36E-02	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Disferlina (proteína similar a fer-1 asociada a la distrofia) (Fer-1 similar a la proteína 1) (LOC483121); ARNm	XM540237	DYSF	distrofia muscular de anillo óseo de extremidad 2B (autosómica recesiva)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 16878.1. S1 s en 16710.1. S1 en	1.09E-02	1.00E+00	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6311-PB; variante transcrita 2 (LOC487647); ARNm	XM 861987	EDC3	potenciador de homólogo 3 de decapsulado de ARNm (S. cerevisiae)
Cfa. 16710.1. S1 en	5.08E-03	1.00E+00	0.45	PREDICHO: factor 1 alfa 2 de elongación de traslación eucariota de Equus caballus	XM 001915406	EEF1A2	factor 1 alfa 2 de elongación de traslación eucariota
Cfa16710.1. S1. s en	5.01E-03	1.00E+00	0.71	ARNm del factor 1 A2 de elongación del Oryctolagus cuniculus	AF035178	EEF1A-2	factor 1 alfa 2 de elongación
Cfa. 1829.1. S1 en	7.29E-02	1.00E+00	1.32	Bos taurus EGF; iatrofilina y dominio de siete transmembranas que contienen 1; ARNm (clon de ADNc MGC:140518 IMAGEN:8201146); cds completo	BC123530	ELTD1	EGF; iatrofilina y dominio de siete transmembranas que contienen 1
Cfa. 21260.1. S1 s en	2.27E-02	1.00E+00	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína-1 de la membrana Epitelial (EMP-1) (proteína de membrana asociada a tumor) (LOC486676); ARNm	XM 543803	EMP1	proteína de membrana epitelial 1
Cfa Afx. 20391.1. S1 en	4.71E-02	1.00E+00	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína-1 de membrana Epitelial (EMP-1) (proteína de membrana asociada a tumor) (LOC486676); ARNm	XM 543803	EMP1	proteína de membrana epitelial 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 24909.1. S1 s en	8.24E-02	1.00E+0 0	1.37	ARNm de EMR3 de Canis familiaris; cds completo	DQ22727 7	EMR3	módulo similar a egf que contiene 3 similar al receptor de hormona, similar a la mucina,
Cfa Affx. 30665.1. S1 en	9.32E-02	1.00E+0 0	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Endonucleasa G; precursor mitocondrial (Endo G) (LOC608916); ARNm	XM 846067	ENDOG	endonucleasa G
Cfa Affx. 13375.1. S1 en	3.19E-02	1.00E+0 0	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a difosfohidrolasa trifosfato ectonucleósido 1 (NTDasa1) (difosfohidrolasa Ecto-ATP) (ATPDasa) (antígeno de activación de células linfoides) (Ecto-apirasa) (antígeno CD39) (LOC486810); ARNm	XM 543939	ENTPD1	difosfohidrolas a trifosfato ectonucleósido 1
Cfa Affx. 29840.1. S1 en	6.62E-02	1.00E+0 0	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 difosfohidrolasa trifosfato ectonucleósido 2; variante transcrita 1 (LOC491241); ARNm	XM 548362	ENTPD2	difosfohidrolas a trifosfato ectonucleósido 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 4798.1. S1 s en	5.19E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de dominio PAS Endotelial 1 (EPAS-1) (Miembro de la proteína PAS 2) (MOP2) (factor 2 alfa inducible por hipoxia) (HIF-2 alfa) (HIF2 alfa) (factor similar a alfa HIF-1) (HLF) (LOC474578); ARNm	XM 531807	EPAS1	proteína de dominio PAS Endotelial 1
Cfa. 17625.1. S1 en	2.51E-02	1.00E+0 0	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de dominio PAS Endotelial 1 (EPAS-1) (Miembro de la proteína PAS 2) (MOP2) (factor 2 alfa inducible por hipoxia) (HIF-2 alfa) (HIF2 alfa) (factor similar a alfa HIF-1) (HLF) (LOC474578); ARNm	XM 531807	EPAS1	proteína de dominio PAS Endotelial 1
Cfa Afx. 13881.1. S1 en	8.61E-02	1.00E+0 0	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor 29 de la proteína del retículo endoplásmico (LOC477482); ARNm	XM 848584	ERP29	proteína del retículo endoplásmico 29
Cfa Afx. 2850.1. S1 s en	7.59E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fructosa-1,6-bifosfatasa 1; variante transcripta 1 (LOC476299); ARNm	XM 533503	FBP1	fructosa-1,6-bifosfatasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 17541.1. S1 s en	5.85E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fructosa-1,6-bifosfatasa 1; variante transcripta 4 (LOC476299); ARNm	XM 850754	FBP1	fructosa-1,6-bifosfatasa 1
Cfa. 663.1.A en	2.82E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: proteína 32 solamente de la caja F de Pan troglodytes; variante transcripta 1 (FBXO32); ARNm	XM 00114925 2	FBXO32	proteína 32 de la caja F
Cfa. 12623.1.A1 en	6.00E-03	1.00E+0 0	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de proteína 32 solamente de la caja F; variante transcripta 3 (LOC475091); ARNm	XM 856632	FBXO32	proteína 32 de la caja F
Cfa Affx. 2404.1. S1 en	1.77E-02	1.00E+0 0	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de proteína 32 solamente de la caja F; variante transcripta 4 (LOC475091); ARNm	XM 856659	FBXO32	proteína 32 de la caja F
Cfa Affx. 2404.1. S1 s en	2.13E-03	1.00E+0 0	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de proteína 32 solamente de la caja F; variante transcripta 5 (LOC475091); ARNm	XM 856687	FBXO32	proteína 32 de la caja F
Cfa. 20844.1. S1 en	5.20E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Pan troglodytes similar a proteína 44 de la caja F (LOC457952); ARNm	XM 514390	FBXO44	proteína 44 de la caja F

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 25843.1. S1 en	8.34E-02	1.00E+0 0	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del factor 18 de crecimiento de fibroblasto; (FGF-18) (2FGF5) (LOC611641); ARNm	XM 849332	FGF18	factor 18 de crecimiento de fibroblasto
Cfa Afx. 2909.1. S1 en	5.22E-02	1.00E+0 0	0.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 5 de enlazamiento de FK-506 (peptidil-prolil cis-trans isomerasa) (PPlasa) (Rotamasa) (proteína de enlazamiento de FK506 51 kDa) (FKBP-51) (inmunofilina asociada al receptor de progesterona de 54 kDa) (FKBP54) (P54) (antígeno FF1) (inmunofilina de enlazamiento de HSP90) (...(LOC481759); ARNm	XM 538880	FKBP5	proteína 5 de enlazamiento de FK-506

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12375.1.A1 en	5.99E-02	1.00E+0 0	0.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de enlazamiento de FK-506 (peptidil-prolil cis-trans isomerasa) (PPlasa) (Rotamasa) (proteína de enlazamiento de FK506 51 kDa) (FKBP-51) (inmunofilina asociada al receptor de progesterona de 54 kDa) (FKBP54) (P54) (antígeno FF1) (inmunofilina de enlazamiento de HSP90) (...(LOC481759); ARNm	XM 538880	FKBP5	proteína 5 de enlazamiento de FK-506
Cfa Affx. 8655.1. S1 en	1.40E-02	1.00E+0 0	0.45	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio tipo III de fibronectina que contiene 4 (LOC483014); ARNm	XM 540129	FNDC4	dominio tipo III de fibronectina que contiene 4
Cfa Affx. 24709.1. S1 en	2.19E-02	1.00E+0 0	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína K1 de la caja de horquilla (factor nuclear de miocito (MNF) (LOC489885); ARNm	XM 547003	FOXK1	K1 de la caja de horquilla
Cfa. 19616.1. S1 en	5.75E-02	1.00E+0 0	0.72	O1 de la caja de horquilla de homo sapiens (FOXO1); ARNm	NM00201 5	FOXO1	O1 de la caja de horquilla
Cfa Affx. 8025.1. S1 s en	6.29E-02	1.00E+0 0	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio FERM que contiene 4A (LOC607414); ARNm	XM 844066	FRMD4A	dominio FERM que contiene 4A

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 204.1. S1 s en	7.98E-02	1.00E+00	0.58	ARNm de glucosa-6-fosfatasa de Canis familiaris; cds completo	U91844	G6PC	glucosa-6-fosfatasa, subunidad catalítica
Cfa10130.1. A1 en	6.99E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a la proteína asociada al receptor de ácido gama aminobutírico (GABA(A)); variante transcripta 1 (LOC612919); ARNm	XM848051	GABAR APL1	1 similar a la proteína asociada al receptor de (GABA(A))
Cfa Affx. 9797.1. S1 s en	8.91E-02	1.00E+00	0.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina; 2 similar a N-acetilgalactosaminil transferasa de polipéptido (LOC477056); ARNm	XM534252	GALNTL2	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina ; 2 similar a N-acetilgalactosa minil transferasa de polipéptido
Cfa Affx. 15423.1. S1 en	3.87E-03	1.00E+00	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de glucosa fructosa oxidoreductasa que contiene 1 (LOC488222); ARNm	XM545344	GFOD1	dominio de glucosa fructosa oxidoreductasa que contiene 1
Cfa Affx. 22871.1. S1 en	8.84E-02	1.00E+00	0.56	Receptor de glutamato de la Rattus norvegicus; ionotrópico; AMPA4 (Gria4); variante transcripta 3; ARNm	NM001113185	Gria4	Receptor de glutamato ; ionotrópico; AMPA4
Cfa Affx. 5303.1. S1 en	1.88E-02	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 de enlazamiento de la secuencia de ARN rica en G (LOC475170); ARNm	XM532402	GRSF1	factor 1 de enlazamiento de la secuencia de ARN rica en G

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 253.1. S1 en	4.75E-02	1.00E+00	1.39	guanilato ciclasa 1 de Homo sapiens; soluble; beta 3; ARNm (clon de ADNc MGC:51012 IMAGEN: 5264160) cds completo	BC047620	GUCY1B3	guanilato ciclasa 1; soluble; beta 3;
Cfa. 3045.1.A1 s en	7.26E-02	1.00E+00	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a liasa de 2-hidroxitanoil CoA (2-HPCL) (LOC477060); ARNm	XM534256	HACL1	liasa de 2-hidroxitanoil CoA
Cfa Affx. 6846.1. S1 en	5.12E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 1 de transcripción de caja de HMG; variante transcrita 8 (LOC475886); ARNm	XM852649	HBP1	factor 1 de transcripción de caja de HMG;
Cfa Affx. 7431.1. S1 en	5.23E-03	1.00E+00	0.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de alfa factor 3 inducible por hipoxia (LOC476429); ARNm	XM533636	HIF3A	isoforma a de alfa factor 3 inducible por hipoxia
Cfa Affx. 7434.1. S1 en	2.01E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de alfa factor 3 inducible por hipoxia (LOC476429); ARNm	XM533636	HIF3A	isoforma a de alfa factor 3 inducible por hipoxia
Cfa Affx. 7437.1. S1 s en	2.73E-02	1.00E+00	0.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de alfa factor 3 inducible por hipoxia (LOC476429); ARNm	XM533636	HIF3A	isoforma a de alfa factor 3 inducible por hipoxia

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 4558.1. S1 s en	6.43E-02	1.00E+00	0.64	ARNm de HMGA1A del grupo de alta movilidad de Canis familiaris híbrido B; cds completo	AY366391	HMGA1	Grupo de alta movilidad gancho AT
Cfa Affx. 10319.1. S1 s en	5.55E-02	1.00E+00	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a como L de ribonucleoproteína nuclear heterogénea (LOC475729); ARNm	XM532938	HNRPLL	como L de ribonucleoproteína nuclear heterogénea
Cfa. 8017.1.A1 en	9.93E-02	1.00E+00	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar al gancho homólogo 2 (h-hook2) (hHK2) (LOC484928); ARNm	XM542044	HOOK2	gancho homólogo 2 (Drosophila)
Cfa. 17416.1. S1 s en	6.90E-02	1.00E+00	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 como hipocalcina (LOC609787); ARNm	XM847124	HPCAL1	1 como hipocalcina
Cfa Affx. 12647.1. S1 s en	3.78E-02	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa hidroxiprostaglandina [NAD+] (PGDH) (deshidrogenasa prostaglandina 1) (LOC486073); ARNm	XM543199	HPGD	deshidrogenasa hidroxiprostaglandina 15-(NAD)
Cfa Affx. 11565.1. S1 s en	9.11E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a serina proteasa hepsina (proteasa transmembrana; serina 1) (LOC484583); ARNm	XM541697	HPN	hepsina (proteasa transmembrana, serina 1)
Cfa. 3599.1. S1 s en	4.58E-02	1.00E+00	0.77	ARNm (H-ras) p21 de Canis familiaris ras; cds parcial	U62092	HRAS	Homólogo de oncógeno viral de sarcoma de rata Harvey v-Ha-ras

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 13172.1. S1 en	4.81E-02	1.00E+00	0.66	ARNm de deshidrogenasa 3-beta-hidroxiesteroide de Canis familiaris; cds completo	AY739720	HSD3B1	deshidrogenasa a hidroxidelta-5-esteroide, 3 beta y esteroide delta isomerasa 1
Cfa Afx. 15407.1.s1 en	7.81E-02	1.00E+00	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 interactiva de Tat HIV-1; 30kDa (LOC476886); ARNm	XM534088	HTATIP2	proteína 2 interactiva de Tat HIV-1, 30kDa
Cfa Afx. 15407.1. S1 s en	8.99E-02	1.00E+00	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 interactiva de Tat HIV-1; 30kDa (LOC476886); ARNm	XM534088	HTATIP2	proteína 2 interactiva de Tat HIV-1, 30kDa
Cfa Afx. 5506.1. S1 en	3.28E-03	1.00E+00	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor 1E de 5-hidroxitriptamina (5-HT-1E) (Receptor de serotonina 1E) (S31) (LOC481907); ARNm	XM539028	HTR1E	receptor 1E de 5-hidroxitriptamina (serotonina)
Cfa. 6077.1. S1 en	4.41E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Proteína hipotética de Canis familiaris LOC608547; variante transcripta 3 (LOC608547); ARNm	XM856580	HVCN1	canal cerrado de voltaje de hidrógeno 1
Cfa Afx. 13473.1. S1 s en	7.75E-02	1.00E+00	0.71	PREDICHO: Proteína hipotética de Canis familiaris LOC608547; variante transcripta 3 (LOC608547); ARNm	XM856580	HVCN1	canal cerrado de voltaje de hidrógeno 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 8742.1. S1 s en	7.52E-02	1.00E+00	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo de isomerasa hidroxipiruvato (LOC482531); ARNm	XM 539648	HYI	homólogo de isomerasa hidroxipiruvato (E. coli)
Cfa Affx. 4263.1. S1 s en	1.36E-02	1.00E+00	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de autoantígeno 1 de células de islas; variante transcrita 6 (LOC475242); ARNm	XM 856689	ICA1	autoantígeno 1 de células de islas; 69kDa
Cfa. 16440.1. S1 en	9.85E-02	1.00E+00	1.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 35 kDa inducida por interferón (IFP 35) (LOC490954); ARNm	XM 548077	IFI35	proteína 35 kDa inducida por interferón
Cfa. 18820.1. S1 en	8.81E-02	1.00E+00	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 35 kDa inducida por interferón (IFP 35) (LOC490954); ARNm	XM 548077	IFI35	proteína 35 kDa inducida por interferón
Cfa Affx. 5908.1. S1 en	7.92E-02	1.00E+00	0.52	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador 1 de desarrollo relacionado con interferón; variante transcrita 1 (LOC482408); ARNm	XM 539525	IFRD1	regulador 1 de desarrollo relacionado con interferón
Cfa Affx. 20601.1. S1 en	9.46E-02	1.00E+00	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7832-PA (LOC488489); ARNm	XM 545610	INO80D	subunidad D complejo INO80

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

CfaAffx27879.1. S1 s en	3.81E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del receptor de insulina (IR) (antígeno CD220) (LOC484990); ARNm	XM542108	INSR	receptor de insulina
Cfa. 15284.1.A1 s en	9.31E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína similar al activador de GTPasa Ras IQGAP1 (p195) (LOC479050); ARNm	XM536199	IQGAP1	motivo de IQ que contiene GTPasa que activa la proteína 1
Cfa Affx. 19884.1. S1 s en	8.47E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína similar al activador de GTPasa Ras IQGAP1 (p195) (LOC479050); ARNm	XM536199	IQGAP1	motivo de IQ que contiene GTPasa que activa la proteína 1
Cfa Affx. 8531.1. S1 en	7.53E-02	1.00E+00	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 de respuesta inmune (LOC485496); ARNm	XM542615	IRG1	homólogo de respuesta inmune 1 (ratón)
Cfa Affx. 28187.1. S1 en	5.19E-02	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de alfa-2 integrina (glicoproteína de membrana de plaquetas Ia) (GPIa) (receptor de colágeno (cadena alfa VLA-2) (CD-49b) (LOC489208); ARNm	XM546326	ITGA2	integrina; alfa 2 (CD49B), subunidad de alfa 2 del receptor de VLA-2
Cfa Affx. 22104.1. S1 en	4.44E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la integrina; precursor de alfa D (LOC607096); ARNm	XM843683	ITGAD	integrina, alfa D

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 28297.1. S1 en	3,97E+00	1.00E+00	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro de la familia de morfología ABnormal variable (vab-19); variante transcripta 2 (LOC476723); ARNm	XM 849162	KANK3	dominios de motivo de KN y repetición de anquirina 3
Cfa15973.1. A1 en.	7.96E-03	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de KH que contiene; enlazamiento ARN; asociado a la transducción de señales 1; variante transcripta 1 (LOC487316); ARNm	XM 544442	KHDRB S1	Dominio de KH que contiene; enlazamiento ARN; asociado a la transducción de señales 1
Cfa. 15156.1.A1 en	1.55E-02	1.00E+00	1.32	KIAA0494 de Homo sapiens (KIAA0494); ARNm	NM014774	KIAA0494	KIAA0494
Cfa. 19444.1. S1 en	8.25E-02	1.00E+00	1.38	PREDICHO: ligando del KIT de macaca mulatta (KITLG); ARNm	XM 001101381	KITLG	ligando del KIT
Cfa Affx. 29994.1. S1 en	1.70E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al 21 similar al kelch (LOC489634); ARNm	XM 546754	KLHL21	similar al kelch (Drosophila)
Cfa Affx. 7408..S1 s en	4.18E-02	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a alfa 3 de Carioferina (importina) (predicha) (LOC476909); ARNm	XM 534112	KPNA3	alfa 3 de Carioferina (alfa 4 de importina)
Cfa Affx. 2542.1. S1 en	9.56E-02	1.00E+00	0.56	PREDICHO: laminina de Equus caballus; alfa 2 (merosina; distrofia muscular congénita) (LAMA2); ARNm	XM 001503221	LAMA2	laminina, alfa 2 (merosina, distrofia muscular congénita)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 13909.1.A1 s en	4.79E-02	1.00E+0 0	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de cadena de beta-1 de laminina (cadena B1 de laminina); variante transcripta 1 (LOC475882); ARNm	XM 5330 89	LAMB1	laminina, beta 1
Cfa. 18473.1. S1 s en	2.77E-02	1.00E+0 0	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de cadena de beta-1 de laminina (cadena B1 de laminina); variante transcripta 2 (LOC475882); ARNm	XM 8519 51	LAMB1	laminina, beta 1
Cfa. 21547.1. S1 s en	6.72E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de cadena de beta-1 de laminina (cadena B1 de laminina); variante transcripta 2 (LOC475882); ARNm	XM 8519 51	LAMB1	laminina, beta 1
Cfa. 18707.1. S1 s en	8.90E-02	1.00E+0 0	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de cadena beta-1 de laminina (cadena B1 de laminina); variante transcripta 2 (LOC475882); ARNm	XM 8519 51	LAMB1	laminina, beta 1
Cfa Affx. 8900.1. S1 en	8.78E-02	1.00E+0 0	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a injerto en extremidad y corazón (LOC611237); ARNm	XM 8488 75	LBH	homólogo de desarrollo de injerto en extremidad y corazón (ratón)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 31053.1. S1 en	3.41E-02	1.00E+00	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de proteína 6 de caja homeótica de LIM (LOC491354); ARNm	XM 548475	LHX6	caja homeótica de LIM 6
Cfa. 2706.1. S1 s en	1.64E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: ARNm del receptor del factor inhibidor de leucemia de Canis familiaris; cds completo	AY745241	LIFR	alfa receptor del factor inhibidor de leucemia
Cfa Affx. 16627.1. S1 en	4.93E-02	1.00E+00	0.64	leiomodina 1 de Equus caballus (músculo liso) (LMOD1); ARNm	XM 001495117	LMOD1	leiomodina 1 (músculo liso)
Cfa. 20295.1. S1 en	3.17E-02	1.00E+00	1.85	Monodelphis doméstica similar a proteasa de transmembrana; serina 11 c (LOC100012939); ARNm	XM 001367282	LOC100012939	similar a proteasa de transmembrana; serina 11 c
Cfa Affx. 12934.1. S1 s en	6.82E-02	1.00E+00	1.6	PREDICHO: Equus caballus similar al homólogo 2 Staufen de proteína enlazante de ARN de doble cadena (LOC100051157); ARNm	XM 001491834	LOC100051157	similar al homólogo 2 Staufen de proteína enlazante de ARN de doble cadena
Cfa Affx. 21779.1. S1 en	6.23E-02	1.00E+00	1.41	PREDICHO: Equus caballus similar a proteína regulada de fosforilación de tirosina enlazante de calcio (LOC100051654); ARNm	XM 001493606	LOC100051654	similar a proteína regulada de fosforilación de tirosina enlazante de calcio

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 10935.1. S1 en	3.53E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: Equus caballus similar a proteína 3 enlazadora que contiene el dominio de CAP-Gly (proteína enlazante citoplásmica 170 relacionada con la proteína 59 kDa) (CLIPR-59) (proteína 59 kDa relacionada con CLIP-170 (LOC100051864); ARNm	XM 0014 93639	LOC100 051864	similar a relacionada con CLIP-170
Cfa. 1936.1. S1 en	2.42E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Equus caballus similar a fosfodiesterasa 5 glicerofosfodiéster putativo (LOC100051946); ARNm	XM 0019 15486	LOC100 051946	LOC100051946 hipotético
Cfa. 4113.1. S1 en	8.29E-02	1.00E+00	0.67	PREDICHO: Equus caballus similar a factor inhibidor de migración de macrófagos (LOC100053618); ARNm	XM 0014 89611	LOC100 053618	similar a factor inhibidor de migración de macrófagos
Cfa. 19016.1. S1 en	1.50E-02	1.00E+00	2.61	PREDICHO: Equus caballus similar a proteína 1700123O20Rik (LOC100055817); ARNm	XM 0014 94306	LOC100 055817	similar a proteína 1700123O20Rik
Cfa11008.1. A1 en.	5.74E-02	1.00E+00	0.58	PREDICHO: Equus caballus similar a proteína de la caja homeótica 1 impar (LOC100058285); ARNm	XM 0014 91312	LOC100 058285	similar a proteína de la caja homeótica 1 impar
Cfa Affx. 28176.1. S1 en	6.47E-02	1.00E+00	1.37	PREDICHO: Equus caballus similar a Njmu-R1 de proteína (LOC100058439); ARNm	XM 0015 04001	LOC100 05 8439	similar a Njmu-R1 de proteína

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 14997.1. S1 s en	7.22E-02	1.00E+0 0	1.3	PREDICHO: Equus caballus similar al receptor de secuencia de señal; alfa (alfa de la proteína asociada a translocon) (LOC100061378); ARNm	XM 0014 93337	LOC100 061378	LOC100061378 de proteína hipotética
Cfa. 19492.1.A1 en	7.80E-02	1.00E+0 0	1.31	PREDICHO: Equus caballus similar a la proteína 5 similar a Kelch (LOC10064472); ARNm	XM 0019 17431	LOC100 064472	LOC10064472 hipotética
Cfa Afx. 17336.1. S1 s en	6.87E-02	1.00E+0 0	0.31	PREDICHO: Equus caballus similar a la carboxilasa 2 Acetil-CoA (ACC-beta) (LOC100066740); ARNm	XM 0014 96930	LOC100 066740	similar a la carboxilasa 2 Acetil-CoA
Cfa Afx. 4594.1. S1 s en	7.56E-02	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: Bos taurus similar a proteína 570 de anillo de zinc (LOC100138971); ARNm	XM 0017 89965	LOC100 138971	similar a proteína 570 de anillo de zinc
Cfa Afx. 3283.1. S1 en	4.91E-02	1.00E+0 0	0.67	PREDICHO: Sus scrofa similar al receptor disparador expresado en células mieloides 2 (LOC1000153525); ARNm	XM 0019 24346	LOC100 153525	similar al receptor disparador expresado en células mieloides 2
Cfa Afx. 14304.1. S1 en	8.46E-02	1.00E+0 0	0.62	PREDICHO: Sus scrofa similar al miembro 6 de la familia 24 de transportador de soluto	XM 0019 24244	LOC100 157056	similar al miembro 6 de la familia 24 de transportador de soluto
Cfa. 12840.1.A1 en	4.03E-02	1.00E+0 0	0.68	Clon de ADN de Homo sapiens IMAGEN:5171802	BC03477 0	LOC285 847	LOC285847 de proteína hipotética

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 732.1. S1 en	4.78E-02	1.00E+0 0	0.47	PREDICHO: Pan troglodytes similar a la proteína similar al dedo de zinc hipotético (LOC468909); ARNm	XR 02375 1	LOC468 909	similar a la proteína similar al dedo de zinc hipotético
Cfa Affx. 732.1. S1 x en	5.04E-02	1.00E+0 0	0.51	PREDICHO: Pan troglodytes similar a la proteína similar al dedo de zinc hipotético (LOC468909); ARNm	XR 02375 1	LOC468 909	similar a la proteína similar al dedo de zinc hipotético
Cfa. 1647.1.A1 en	5.97E-02	1.00E+0 0	1.53	PREDICHO: Pan troglodytes similar al dominio de caché que contiene 1 (LOC469343); ARNm	XR 02408 6	LOC469 343	similar al dominio de caché que contiene 1
CfaAffx, 2389.1. S1 s en	6.09E-02	1.00E+0 0	1.48	PREDICHO: LOC472115 hipotético de Pan troglodytes (LOC472115); ARNm	XM 5274 94	LOC472 115	LOC472115 hipotético
CfaAffx5916 .1. S1 s en	9.87E-02	1.00E+0 0	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar al colágeno; tipo XXVII; alfa 1 (LOC474811); ARNm	XM 5320 42	LOC474 811	similar al colágeno; tipo XXVII; alfa 1
Cfa. 5277.1.A1 s en	5.31E-02	1.00E+0 0	0.46	PREDICHO: LOC474886 hipotético de Canis familiaris; variante transcrita 2 (LOC474886); ARNm	XM 5321 20	LOC474 886	LOC474886 hipotético
Cfa. 12537.1.A1 en	3.61E-02	1.00E+0 0	0.62	PREDICHO: LOC475300 hipotético de Canis familiaris (LOC475300); ARNm	XM5325 31	LOC475 300	LOC475300 hipotético

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

CfaAffx1319 .1. S1 en.	4.85E-02	1.00E+0 0	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena B de deshidrogenasa L-lactato (LDH-B) (subunidad de corazón LDH) (LDH-H); variante transcrita 1 (LOC476213); ARNm	XM 5334 18	LOC476 213	similar a la cadena B de deshidrogenasa a L-lactato (LDH-B) (subunidad de corazón LDH) (LDH-H)
Cfa Affx. 8020.1. S1 en	2.43E-02	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: LOC476444 hipotético de Canis familiaris (LOC476444); ARNm	XM 5336 50	LOC476 444	LOC476444 hipotético
Cfa. 19960.2.A1 a en	8.88E-02	1.00E+0 0	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 asociada a CDK2 (quinasa 2 dependiente de ciclina) (LOC477452); ARNm	XM 5346 50	LOC477 452	similar a la proteína 1 asociada a CDK2 (quinasa 2 dependiente de ciclina)
Cfa Affx. 14325.1. S1en	1.32E-02	1.00E+0 0	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a F09B12.3 (LOC477493); ARNm	XM 5346 91	LOC477 493	similar a F09B12.3
Cfa Affx. 20586.1. S1 s en	9.00E-02	1.00E+0 0	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a N-quimerina (NC) (N-quimerina) (quimerina Alfa) (A-quimerina) (proteína 2 que activa la Rho-GTPasa); variante transcrita 3 (LOC478805); ARNm	XM 8562 76	LOC478 805	similar a N-quimerina (NC) (N-quimerina) (quimerina Alfa) (A-quimerina) (proteína 2 que activa la Rho-GTPasa)
Cfa Affx. 29155.1. S1 s en	3.96E-02	1.00E+0 0	0.64	PREDICHO: LOC479382 hipotético de Canis familiaris (LOC479382); ARNm	XM 5365 20	LOC479 382	LOC479382 hipotético

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20794.1. S1 en	1.12E-02	1.00E+0 0	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fusión (involucrada en t(12;16) en lio sarcoma maligno) (predicho); variante transcripta 1 (LOC479778); ARNm	XM 5369 05	LOC479 778	similar a la fusión (involucrada en t(12;16) en lio sarcoma maligno) (predicho)
Cfa. 20794.1. S1 s en	1.62E-02	1.00E+0 0	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fusión (involucrada en t(12;16) en lio sarcoma maligno) (predicho); variante transcripta 7 (LOC479778); ARNm	XM 8517 70	LOC479 778	similar a la fusión (involucrada en t(12;16) en lio sarcoma maligno) (predicho)
Cfa. 19285.1. S1 en	4.69E-02	1.00E+0 0	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo C9orf72 de proteína; variante transcripta 1 (LOC481569); ARNm	XM 5386 91	LOC481 569	similar al homólogo C9orf72 de proteína
Cfa Affx. 3482.1. S1 s en	7.50E-02	1.00E+0 0	0.6	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo C9orf72 de proteína; variante transcripta 4 (LOC481569); ARNm	XM 8601 40	LOC481 569	similar al homólogo C9orf72 de proteína
Cfa Affx. 3351.1. S1 s en	9.01E-03	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la 1 isoforma 1 rica en cisteína e histidina (LOC482097); ARNm	XM 5392 18	LOC482 097	similar a la 1 isoforma 1 rica en cisteína e histidina
Cfa Affx. 8785.1. S1 s en	2.96E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína KIAA0467 (LOC482532); ARNm	XM 5396 49	LOC482 532	similar a la proteína KIAA0467

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 13287.1.A1 s en	1.40E-02	1.00E+0 0	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG33154-PB; isoforma B (LOC482583); ARNm	XM 5397 00	LOC482 583	similar a CG33154-PB; isoforma B
Cfa Afx. 18336.1. S1 en	2.95E-02	1.00E+0 0	1.37	PREDICHO: LOC483182 hipotético de Canis familiaris (LOC483182); ARNm	XM5403 00	LOC483 182	LOC483182 hipotético
Cfa Afx. 11212.1. S1 s en	5.47E-02	1.00E+0 0	0.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma b de proteasa del músculo asociado a la regeneración (LOC483426); ARNm	XM 5405 44	LOC483 426	similar a la isoforma b de proteasa del músculo asociado a la regeneración
Cfa Afx. 6973.1. S1 s en	3.59E-02	1.00E+0 0	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína B de dominio de reclutamiento de caspasa (proteína NDPP1 apoptótica) (DACAR) (CARD-inhibidor del ligando activador de NF-kappaB) (CARDINAL) (antagonista que contiene CARD de tumor subregulado de CASP9) (TUCAN) (LOC484411); ARNm	XM 5415 26	LOC484 411	similar a la proteína B de dominio de reclutamiento de caspasa (proteína NDPP1 apoptótica) (DACAR) (CARD-inhibidor del ligando activador de NF-kappaB) (CARDINAL) (antagonista que contiene CARD de tumor subregulado de CASP9) (TUCAN)
Cfa Afx. 8507.1. S1 en	3.52E-02	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al citocromo P450; familia 2; subfamilia 5; polipéptido 1 (LOC484491); ARNm	XM 5416 05	LOC484 491	similar al citocromo P450; familia 2; subfamilia 5; polipéptido 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20718.1. S1 s en	7.10E-02	1.00E+0 0	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína K1AA1434 (loc485778); ARNm	XM 5429 01	LOC485 778	similar a la proteína K1AA1434
Cfa Afx. 24113.1. S1 s en	2.28E-02	1.00E+0 0	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína relacionada con CXYorf1 (LOC486746); ARNm	XM 5438 73	LOC486 746	similar a la proteína relacionada con CXYorf1
Cfa. 9684.1.A1 en	7.59E-03	1.00E+0 0	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de dedo de zinc 423 (LOC487291); ARNm	XM 5444 17	LOC487 291	similar a la proteína de dedo de zinc 423
Cfa Afx. 27578.1. S1 en	7.51E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: LOC490946 hipotético de Canis familiaris (LOC490946); ARNm	XM5476 18	LOC490 496	LOC490946 hipotético
Cfa Afx. 27590.1. S1 s en	3.42E-02	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: LOC490946 hipotético de Canis familiaris (LOC490946); ARNm	XM 5476 18	LOC490 496	LOC490946 hipotético
Cfa Afx. 26453.1. S1 s en	3.56E-02	1.00E+0 0	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a marco 145 de lectura abierto del cromosoma 14 (LOC490814); ARNm	XM 5479 36	LOC490 814	similar a marco 145 de lectura abierto del cromosoma 14
Cfa Afx. 27114.1. S1 s en	2.10E-02	1.00E+0 0	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína CPG2 (LOC490843); ARNm	XM 5479 65	LOC490 843	similar a la proteína CPG2

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 22739.1. S1 en	6.71E-02	1.00E+00	1.98	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio 26 de repetición de anquirina (LOC491592); ARNm	XM 5487 13	LOC491 592	similar al dominio 26 de repetición de anquirina
Cfa Affx. 17428.1. S1 en	5.44E-02	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia con similitud de secuencia 20; miembro C (LOC491596); ARNm	XM 5487 17	LOC491 596	similar a la familia con similitud de secuencia 20; miembro C
Cfa Affx. 19097.1. S1 en	7.65E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de SH2 similar a la tensina que contiene 1 (LOC491620); ARNm	XM8434 49	LOC491 620	similar al dominio de SH2 similar a la tensina que contiene 1
Cfa. 3959.1.A1 en	8.27E-02	1.00E+00	0.73	LOC506309 hipotético de Bos taurus; ARNm (clon de ADNc MGC: 166209 IMAGEN: 8570991); cds completo	BC15010 6	LOC506 309	LOC506309 hipotético
Cfa Affx. 12843.1. S1 en	9.69E-03	1.00E+00	1.33	PREDICHO: Bos taurus similar al receptor olfativo; familia 5; subfamilia M; miembro 10 (LOC513474); ARNm	XM 5911 59	LOC513 474	similar al receptor olfativo; familia 5; subfamilia M; miembro 10
Cfa Affx. 19610.1. S1 en	2.64E-02	1.00E+00	1.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de GTPasa relacionada con la inmunidad; cinem 1 (LOC606875); ARNm	XM 8433 52	LOC606 875	similar a la familia de GTPasa relacionada con la inmunidad, cinem 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 14433.1. S1 en	9.15E-02	1.00E+00	0.68	PREDICHO: Canis familiares similar a la fosfatasa 22 de especificidad dual (LOC606970); ARNm	XM 8434 66	LOC606 970	similar a la fosfatasa 22 de especificidad dual
Cfa. 19016.1. S1 s en	1.73E-02	1.00E+00	2.07	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína C14orf119 (LOC607014); ARNm	XM 8432 79	LOC607 014	similar a la proteína C14orf119
Cfa. 18258.1. S1 en	6.36E-02	1.00E+00	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a subregulado en carcinoma de células renales (LOC607380); ARNm	XM 8440 19	LOC607 380	similar a subregulado en carcinoma de células renales
Cfa. 18258.2.S1 s en	1.68E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a subregulado en carcinoma de células renales (LOC607380); ARNm	XM 8440 19	LOC607 380	similar a subregulado en carcinoma de células renales
Cfa. 12385.1.A1 en	9.95E-02	1.00E+00	1.73	LOC607395 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC607395); ARNm	XM 8528 78	LOC607 395	LOC607395 de proteína hipotética
Cfa Affx. 8051.1. S1 en	9.28E-02	1.00E+00	0.49	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de hidrolasa de fitanoil-CoA (LOC607509); ARNm	XM 8442 06	LOC607 509	similar al precursor de hidrolasa de fitanoil-CoA
CfaAffx1475 1.1. S1 en	6.32E-02	1.00E+00	0.67	LOC608512 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC608512); ARNm	XM 8455 63	LOC608 112	LOC608512 de proteína hipotética

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 2096.1. S1 en	4.92E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG11755-PA (LOC608872); ARNm	XM 846008	LOC608872	similar a CG11755-PA
CfaAffx16276.1. S1 en	2.03E-02	1.00E+00	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína KIAA0152; variante transcrita 1 (LOC609274); ARNm	XM 846298	LOC609274	similar al precursor de proteína KIAA0152
Cfa Affx. 15112.1. S1 en	5.12E-02	1.00E+00	1.32	LOC609688 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC609688); ARNm	XM 847001	LOC609688	LOC609688 de proteína hipotética
Cfa. 19768.1. S1 en	5.05E-02	1.00E+00	2.07	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio 26 de repetición de anquirina (LOC609691); ARNm	XM 847004	LOC609691	similar al dominio 26 de repetición de anquirina
Cfa. 15094.2.S1 a en	5.09E-02	1.00E+00	1.86	PREDICHO: Canis familiaris similar a expresado en células 1 no metastásicas; proteína (NM23a) (nucleósido difosfato quinasa) (LOC609873); ARNm	XM 847625	LOC609873	similar a expresado en células 1 no metastásicas; proteína (NM23a) (nucleósido difosfato quinasa)
Cfa. 1530.1.A1 en	2.89E-02	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a unidad de transcripción de cadena opuesta a Stag3; variante transcrita 1 (LOC609909); ARNm	XM 847394	LOC609909	similar a unidad de transcripción de cadena opuesta a Stag3

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 19396.1. S1 s en	3.35E-02	1.00E+00	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a unidad de transcripción de cadena opuesta a Stag3; variante transcrita 1 (LOC609909); ARNm	XM 860682	LOC609909	similar a unidad de transcripción de cadena opuesta a Stag3
Cfa. 20088.1. S1 en	7.21E-02	1.00E+00	1.49	LOC610260 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC610260) ARNm parcial	XM 847712	LOC610260	LOC610260 de proteína hipotética
Cfa Affx. 22992.1. S1 en	4.05E-02	1.00E+00	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar al Citocromo P450 27; precursor mitocondrial (Citocromo P-450C27/25) 26-hidroxisilasa de esterol) (27-hidroxisilasa de esterol) (25-hidroxisilasa de Vitamina D(3))5-beta-colestano-3-alfa; 7-alfa; 27-hidrolasa de 12-alfa-triol) (LOC610489); ARNm	XM 848001	LOC610489	similar al Citocromo P450 27; precursor mitocondrial (Citocromo P-450C27/25) 26-hidroxisilasa de esterol) (27-hidroxisilasa de esterol) (25-hidroxisilasa de Vitamina D(3))5-beta-colestano-3-alfa; 7-alfa; 27-hidrolasa de 12-alfa-triol)
Cfa Affx. 13327.1. S1 s en	5.98E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido Va de oxidasa de citocromo C; precursor mitocondrial (LOC610768) ARNm	XM 848859	LOC610768	polipéptido Va de oxidasa de citocromo C; precursor mitocondrial
Cfa Affx. 5042.1. S1 s en	7.52E-03	1.00E+00	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9166-PA (LOC611116); ARNm	XM 848757	LOC611116	similar a CG9166-PA

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 31158.1. S1 en	1.33E-03	1.00E+0 0	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG11125-PA (LOC611150) ARNm	XM 8487 94	LOC611 150	similar a CG11125-PA
Cfa. 14385.1. S1 s en	5.07E-02	1.00E+0 0	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética (LOC611301); ARNm	XM 8489 51	LOC611 301	similar a la CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética
Cfa. 14385.1. S1 s en	4.38E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética (LOC611301) ARNm	XM 8489 51	LOC611 301	similar a CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética
Cfa Afx. 31224.1. S1 s en	3.39E-02	1.00E+0 0	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética (LOC611301) ARNm	XM 8489 51	LOC611 301	similar a CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética
Cfa. 14385.2.S1 x en	1.13E-02	1.00E+0 0	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética (LOC611301) ARNm	XM 8489 51	LOC611 301	similar a CGI-128 de proteína UPF0195 hipotética
Cfa Afx. 15695.1. S1 en	5.13E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína similar a MOB específica de ovario (LOC611494); ARNm	XM 8491 65	LOC611 494	similar a la proteína similar a MOB específica de ovario
Cfa Afx. 15732.1. S1 en	4.04E-02	1.00E+0 0	0.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína inducible por interferón (LOC611537); ARNm	XM 8492 17	LOC611 537	similar a la proteína inducible por interferón

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 25700.1. S1 s en	6.72E-04	1.00E+00	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a L26 de proteína ribosomal 60S (LOC611570); ARNm	XM 8492 54	LOC611 570	similar a 1 similar a L26 de proteína ribosomal 60S
Cfa. 4706.1.A1 en	8.56E-02	1.00E+00	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a L26 de proteína ribosomal 60S (LOC611570); ARNm	XM 8492 54	LOC611 570	similar a 1 similar a L26 de proteína ribosomal 60S
Cfa Affx. 10678.1. S1 en	2.87E-02	1.00E+00	0.76	LOC611604 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC611604); ARNm	XM 8492 85	LOC611 604	LOC611604 de proteína hipotética
Cfa Affx. 12328.1. S1 en	7.18E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo 8 de atonal (LOC612024); ARNm	XM 8497 51	LOC611 024	similar al homólogo 8 de atonal
Cfa. 12014.1.A1 a en	2.68E-02	1.00E+00	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a cadena ligera de dineína citoplasmática (homólogo de la proteína 1 específica de testículo del complejo T) (Proteína CW-1) (LOC612201); ARNm	XM 8499 38	LOC612 201	similar a cadena ligera de dineína citoplasmática (homólogo de la proteína 1 específica de testículo del complejo T) (Proteína CW-1)
Cfa Affx. 1907.1. S1 s en	2.59E-02	1.00E+00	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a cadena ligera de dineína citoplasmática (homólogo de la proteína 1 específica de testículo del complejo T) (Proteína CW-1) (LOC612201); ARNm	XM 8499 38	LOC612 201	similar a cadena ligera de dineína citoplasmática (homólogo de la proteína 1 específica de testículo del complejo T) (Proteína CW-1)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 5178.1. S1 en	5.21E-02	1.00E+00	1.81	PREDICHO: LOC612422 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC612422); ARNm	XM 8636 47	LOC612 422	LOC612422 de proteína hipotética
Cfa Afx. 131 .1. S1 en	9.71E-02	1.00E+00	1.36	PREDICHO: LOC612530 de proteína hipotética de Canis familiaris (LOC612530); ARNm	XM 85 02 60	LOC612 530	LOC612530 de proteína hipotética
Cfa Afx. 26144.1. S1 en	5.62E-02	1.00E+00	0.58	PREDICHO: Macaca mulatta similar a proteína de KIBRA (LOC698875); ARNm	XM 0010 91174	LOC698 875	similar a proteína de KIBRA
Cfa Afx. 29319.1. S1 en	8.25E-03	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Macaca mulatta similar a 6 similar a calmodulina (LOC703514); ARNm	XM 0010 96624	LOC703 514	similar a 6 similar a calmodulina
Cfa. 7478.1.A1 s en	7.56E-02	1.00E+00	0.41	PREDICHO: Macaca mulatta similar a beta carboxilasa de acetil-coenzima A (LOC706909); ARNm	XR 01302 2	LOC706 909	similar a beta carboxilasa de acetil-coenzima A
Cfa Afx. 7975.1. S1 en	1.35E-02	1.00E+00	1.68	PREDICHO: Macaca mulatta similar a proteína 227 de dedo de zinc (LOC713327); ARNm	XM 0011 02642	LOC713 327	similar a proteína 227 de dedo de zinc
Cfa. 13913.1.A1 en	8.82E-02	1.00E+00	1.32	PREDICHO: Macaca mulatta similar a proteína 5 asociada con Nck (LOC713453); ARNm	XM 0011 02812	LOC713 453	similar a proteína 5 asociada con Nck

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 16284.1. S1 en	7.62E-02	1.00E+0 0	0.71	PREDICHO: Macaca mulatta similar a proteína 1 de dedo de anillo específico de músculo (LOC713802); ARNm	XM 0011 08306	LOC713 802	similar a proteína 1 de dedo de anillo específico de músculo
Cfa. 6429.1.A1 en	2.56E-02	1.00E+0 0	0.64	PREDICHO: Macaca mulatta similar a proteína K1AA1434 (LOC719117); ARNm	XR01409 3	LOC719 117	similar a proteína K1AA1434
Cfa Affx. 17461.1. S1 s en	6.82E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Macaca mulatta similar al precursor de la proteína 10 relacionada con el receptor de lipoproteína de baja densidad (LOC608002); ARNm	XM 5373 64	LRP10	similar al precursor de la proteína 10 relacionada con el receptor de lipoproteína de baja densidad
Cfa. 16962.1. S1 s en	5.09E-02	1.00E+0 0	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 enlazante de beta del factor de crecimiento transformante latente; variante transcripta 1 (LOC490784); ARNm	XM 5479 06	LTBP2	proteína 2 enlazante de beta del factor de crecimiento transformante latente;
Cfa Affx. 25922.1. S1 s en	7.43E-02	1.00E+0 0	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 enlazante de beta del factor de crecimiento transformante latente; variante transcripta 3 (LOC490784); ARNm	XM 8629 24	LTBP2	proteína 2 enlazante de beta del factor de crecimiento transformante latente

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 225362.1. S1 en	3.93E-02	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína MAD28 de control de ensamble de huso mitótico (2 similar a MAD) (LOC487443); ARNm	XM 5445 68	MAD2L2	2 similar a deficiente detención mitótica de MAD2 (levadura)
Cfa. 2264.1. S1 en	9.59E-02	1.00E+00	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia D del antígeno de melanoma: isoforma b; variante transcripta 1 (LOC480923); ARNm	XM 5380 44	MAGED 1	familia D del antígeno de melanoma, 1
Cfa. 3975.2.A1 en	6.28E-02	1.00E+00	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a Antígeno D2 asociado a melanoma (antígeno MAGE-D2) (proteína del gen 1 asociado con cáncer de seno) (BCG-1) (1186) (proteína JCL-1 asociada al carcinoma hepatocelular); variante transcripta 11 (LOC480934); ARNm	XM 8597 82	MAGED 2	familia D de antígeno de melanoma; 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 21536.1. S1 en	3.42E-02	1.00E+0 0	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a Antígeno D2 asociado a melanoma (antígeno MAGE-D2) (proteína del gen 1 asociado con cáncer de seno) (BCG-1) (1186) (proteína JCL-1 asociada al carcinoma hepatocelular); variante transcripta 11 (LOC480934); ARNm	XM 8597 82	MAGED 2	familia D de antígeno de melanoma; 2
Cfa. 2709.1.A1 en	6.75E-02	1.00E+0 0	1.75	PREDICHO: proteína 1B asociada a microtúbulos de Pan troglodytes (MAP18); ARNm	XM5177 16	MAP1B	proteína 1B asociada a microtúbulos
Cfa Afx. 14768.1. S1 en	5.60E-02	1.00E+0 0	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 que interactúa con C-jun-amino-terminal quinasa (proteína 1 que interactúa con JNK) (JIP 1) (proteína 1 supercóntigos de quinasa JNK MAP) (isla-cerebro-1) (IB-1) (proteína 1 que interactúa con la proteína quinasa 8 activada por mitógeno) (LOC483640); ARNm	XM 5407 60	MAPK8I P1	proteína 1 que interactúa con la proteína quinasa 8 activada por mitógeno

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10212.1.A1 en	3.17E-02	1.00E+0 0	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína asociada con microtúbulos; familia RB/EB; miembro 3; variante transcripta 3 (LOC475694); ARNm	XM 8547 88	MAPRE 3	proteína asociada con microtúbulos; familia RB/EB; miembro 3
Cfa Afx. 21136.1. S1 s en	9.18E-02	1.00E+0 0	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína tau asociada con microtúbulos (proteína de ovillos neurofibrilares) (tau de filamento helicoidal emparejado) (PHF-tau); variante transcripta 3 (LOC480488); ARNm	XM 8552 09	MAPT	proteína tau asociada con microtúbulos
Cfa. 10118.1.A1 en	9.32E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de proteína 8 de mantenimiento de minicromosoma; variante transcripta 1 (LOC477162); ARNm	XM 5343 52	MCM8	componente 8 del complejo de mantenimiento del minicromosoma
Cfa Afx. 11578.1. S1 en	8.16E-02	1.00E+0 0	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de tirosina quinasa del receptor de MER (LOC483060); ARNm	XM 5401 75	MERTK	mer tirosina quinasa oncógeno de proto
Cfa Afx. 16056.1. S1 s en	1.46E-03	1.00E+0 0	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de metiltransferasa 5 que contiene 1 (LOC476897); ARNm	XM 5341 00	METT5 D1	dominio de metiltransferasa 5 que contiene 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 16052.1. S1 en	7.57E-03	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de metiltransferasa 5 que contiene 1 (LOC476897); ARNm	XM 534100	METT5D1	dominio de metiltransferasa 5 que contiene 1
Cfa Afx. 17981.1. S1 s en	7.51E-02	1.00E+00	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína pP47 (LOC488730); ARNm	XM 545848	MFGE8	proteína de factor 8 de EGF dl glóbulo de grasa de leche
Cfa Afx. 17995.1. S1 en	3.12E-02	1.00E+00	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma alfa de línea media 1; variante transcripta 5 (LOC491737); ARNm	XM 851199	MID1	línea media 1 (síndrome Opitz/BBB)
Cfa Afx. 30572.1. S1 en	9.46E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a decarboxilasa de malonil-CoA; precursor mitocondrial (MCD) (LOC489688); ARNm	XM 847059	MLYCD	decarboxilasa de malonil-CoA
Cfa. 8997.1.A1 en	3.67E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a ZK546.17 (LOC482514); ARNm	XM 539631	MMACHC	aciduria metilmalónica (deficiencia de cobalamina) tipo cbIC, con homocistinuria
Cfa Afx. 23178.1. S1 en	3.36E-02	1.00E+00	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a la metaloproteínasa de matriz 27 (LOC489430); ARNm	XM 546548	MMP27	metaloproteína sa de matriz 27

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 3467.1. S1 en	5.63E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a MOB1; 2B similar al activador de quinasa aglutinante de un MPS (LOC474735); ARNm	XM 5319 66	MOBKL 2B	MOB1; 2B similar al activador de quinasa aglutinante de un MPS (levadura)
Cfa Affx. 12433.1. S1 s en	2.76E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S36 de ribosomal mitocondrial (LOC478085); ARNm	XM 5352 62	MRPS3 6	proteína S36 de ribosomal mitocondrial
Cfa Affx. 25424.1. S1 en	7.82E-02	1.00E+00	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a Moesin (proteína de espiga de extensión de organización de membrana); variante transcripta 2 (LOC491924); ARNm	XM 8432 43	MSN	moesin
Cfa. 542.1.A1 en	5.64E-02	1.00E+00	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de sialidasa 1 (sialidasa lisosomal) (alfa-neuraminidasa de N-acetilo 1) (hidrolasa de acetilneuraminilo) (sialidasa G9) (LOC481717); ARNm	XM 53 88 38	NEU1	sialidasa 1 (sialidasa lisosomal)
Cfa Affx. 17532.1. S1 s en	2.87E-03	1.00E+00	0.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a neurologina 4 enlazado a X; variante transcripta 1 (LOC607406); ARNm	XM 8432 64	NLGN4 X	euroligina 4 enlazado a X

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 26479.1. S1 x en	5.30E-02	1.00E+00	1.86	ARNm nm23-C1 de Canis lupus familiaris para NM23-C1; cds completo	AB207044	NME1	células 1 no metastásicas; proteína (NM23A) expresada en
Cfa. 15094.1. S1 a en	2.87E-02	1.00E+00	2.2	PREDICHO: Canis familiaris similar a expresado en células 1 no metastásicas; proteína (NM23A) (nucleósido difosfato quinasa) (LOC476767); ARNm	XM 533973	NME1-NME2	NME1- NME2
Cfa. 18171.1. S1 en	2.59E-02	1.00E+00	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 mucelolar (LOC611249); ARNm	XM 848890	NOL3	proteína nucleolar 3 (represor de apoptosis con dominio de CARD)
Cfa. 11099.1.A1 en	3.12E-02	1.00E+00	0.72	factor 2 enlazante del receptor nuclear de Bos taurus; ARNm (clon ADNc MGC:143396) IMAGEN:8142759); cds completo	BC123769	NRBF2	factor 2 enlazante del receptor nuclear
Cfa. 2717.1.A1 a en	3.48E-02	1.00E+00	0.69	trkC (empalmado alternativamente) (humano; cerebro; ARNm; nt 2225)	S76476	NTRK3	tirosina quinasa neurotrópica; receptor, tipo 3
Cfa2717.2.A1 en	5.44E-02	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Macaca mulatta similar a tirosina quinasa neurotrópica; receptor; precursor de isoforma c tipo 3; variante transcripta 6 (NTRK); ARNm	XM 001087841	NTRK3	tirosina quinasa neurotrópica; receptor; tipo 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 13803.1. S1 en	6.40E-02	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de nucleobindina 2 (proteína NEFA enlazante de ADN) (antígeno Zg4 de cáncer gástrico); variante transcripta 7 (LOC476876); ARNm	XM 859996	NUCB2	nucleobindina 2
Cfa Afx. 21366.1. S1 s en	2.20E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de proteína 6 similar a la proteína enlazante de oxisterol; variante transcripta 1 (LOC478816); ARNm	XM 535978	OSBPL6	proteína 6 similar a la proteína enlazante de oxisterol
Cfa. 5284.1.A1 en	9.31E-02	1.00E+00	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fosfoproteína asociada con microdominios de glicofingolípidos 1 (LOC610895); ARNm	XM 848462	PAG1	fosfoproteína asociada con microdominios de glicofingolípidos 1
Cfa Afx. 18467.1. S1 s en	8.37E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de isoforma 1 de carboxiquinasa 2 de fosfoenolpiruvato mitocondrial; variante transcripta 7 (LOC480255); ARNm	XM 854642	PCK2	carboxiquinas a 2 de fosfoenolpiruvato (mitocondrial)
Cfa. 8974.1.A1 s en	6.02E-02	1.00E+00	2.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a preproteína tipo 1 de proproteína convertasa subtilisina/kexin; variante transcripta 4 (LOC479149); ARNm	XM 843544	PCSK1	tipo 1 de proproteína convertasa subtilisina/kexina

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 643.1.A1 en	4.87E-02	1.00E+00	0.67	PREDICHO: Fosfodiesterasa 3A de Pan troglodytes; inhibido por cGMP (PDE3A); ARNm	XM 520783	PDE3A	Fosfodiesterasa 3A, inhibido por cGMP
Cfa. 7017.1.A1 s en	8.45E-02	1.00E+00	0.63	PEDICHO: Canis familiaris similar a factor de crecimiento derivado de plaquetas; polipéptido D (LOC479460); ARNm	XM 536595	PDGFD	factor de crecimiento derivado de plaquetas
Cfa. 17829.1. S1 s en	7.11E-02	1.00E+00	0.7	PEDICHO: Canis familiaris similar a piruvato deshidrogenasa quinasa; isoenzima 2 (LOC491075); ARNm	XM 548195	PDK2	piruvato deshidrogenasa quinasa; isoenzima 2
Cfa Affx. 25948 .1. S1 en	7.97E -02	1.00E+00	0.75	PEDICHO: Canis familiaris similar a piruvato deshidrogenasa quinasa; isoenzima 2 (LOC491075); ARNm	XM 548195	PDK2	piruvato deshidrogenasa quinasa; isoenzima 2
Cfa Affx. 4097.1. S1 s en	3.06E-02	1.00E+00	0.36	PEDICHO: Canis familiaris similar a isoenzima 4 de (piruvato deshidrogenasa [lipoamida]) quinasa; precursor mitocondrial (Isoforma 4 de piruvato deshidrogenasa quinasa) (LOC482310); ARNm	XM 539427	PDK4	piruvato deshidrogenasa quinasa; isoenzima 4
Cfa Affx. 25273.1. S1 en	8.10E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína MEGF10 (LOC490403); ARNm	XM 547524	PEAR1	receptor 1 de agregación endotelial de plaquetas

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 25273.1. S1.s en	4.68E-02	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína MEGF10 (LOC490403); ARNm	XM 54 75 24	PEAR1	receptor 1 de agregación endotelial de plaquetas
Cfa Affx. 23485.1. S1 en	6.36E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a 6-fosfogluconolactosa (LOC610090); ARNm	XM 8474 89	PGLS	6-fosfogluconolactosa
Cfa. 14949.1.A1 s en	1.93E-02	1.00E+00	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 15 de dedo de PHD; variante transcripta 7 (LOC481508); ARNm	XM 8570 72	PHF15	proteína 15 de dedo de PHD
Cfa. 5653.1.A1 en	3.05E-02	1.00E+00	1.44	PEDICHO: Canis familiaris similar a cadena reculadora de fosforilasa b quinasa alfa isoforma de hígado(subunidad L de fosforilasa quinasa alfa); variante transcripta 1 (LOC480857); ARNm	XM 5379 74	PHKA2	fosforilasa quinasa, alfa 2 (hígado)
Cfa Affx. 20064.1. S1 s en	6.65E-02	1.00E+00	1.32	PEDICHO: Canis familiaris similar a cadena reculadora de fosforilasa b quinasa alfa isoforma de hígado (subunidad L de fosforilasa quinasa alfa); variante transcripta 4 (LOC480857); ARNm	XM 8533 25	PHKA2	fosforilasa quinasa, alfa 2 (hígado)
Cfa. 15689.1.A1 en	6.48E-02	1.00E+00	0.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de hidroxilasa de pitanoil-CoA (LOC478001); ARNm	XM 8442 20	PHYH	hidroxilasa de pitanoil-CoA

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1864.1.A1 en	6.61E-02	1.00E+0 0	0.7	PREDICHO: Fosfatidilinositol-4- fosfato 5-quinasa de Equus caballus; tipo I; beta (PIP5K1B); ARNm	XM 0014 89746	PIP5K1 B	Fosfatidilinosit ol-4-fosfato 5- quinasa, tipo I, beta
Cfa Afx. 5584.1. S1 en	3.01E-02	1.00E+0 0	0.55	PREDICHO: LOC481916 hipotético de Canis familiaris (LOC481916); ARNm	XM 5390 37	PM20D2	dominio M20 de peptidasa que contiene 2
Cfa Afx. 18740.1. S1 s en	9.16E-02	1.00E+0 0	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína inducida por andrógenos de próstata transmembrana (proteína 1 asociada con tumor sólido) (LOC485945); ARNm	XM 5430 70	PMEPA 1	proteína de próstata transmembran a, inducida por andrógenos 1
Cfa Afx. 25777.1. S1 en	5.07E-02	1.00E+0 0	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno Ma1 paraneoplástico (proteína 1 específica de Neurona y testículo) (proteína neuronal 37 kDa) (LOC490774); ARNm	XM 5478 96	PNMA1	antígeno Ma1 paraneoplástico
Cfa Afx. 15010.1. S1 en	8.46E-02	1.00E+0 0	0.6	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de fosfolipasa similar a la patatina que contiene 2 (LOC611403); ARNm	XM 8490 71	PNPLA2	dominio de fosfolipasa similar a la patatina que contiene 2
Cfa Afx. 21675.1. S1 en	4.99E-02	1.00E+0 0	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a la pirofosfatasa inorgánica (LOC479238); ARNm	XM 5363 80	PPA1	pirofosfatasa (inorgánica) 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9464.1. S1 en	7.89E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la pirofosfatasa inorgánica (LOC479238); ARNm	XM 536380	PPA1	pirofosfatasa (inorgánica) 1
Cfa Afx. 21675.1. S1s en	5.41E-02	1.00E+00	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a la pirofosfatasa inorgánica (LOC479238); ARNm	XM 536380	PPA1	pirofosfatasa (inorgánica) 1
Cfa11731.1. A1 en	7.14E-02	1.00E+00	0.74	dominio tipo 2 de fosfatasa de ácido fosfatídico de Bos taurus que contiene 3; ARNm (clon de ADNc MGC:143389) IMAGEN:8141929); cds completo	BC123770	PPAPDC3	dominio tipo 2 de fosfatasa de ácido fosfatídico que contiene 3
Cfa. 11839.1.A1s en	1.33E-02	1.00E+00	0.56	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de piruvato deshidrogenasa fosfatasa (LOC477941); ARNm	XM 535229	PPM2C	proteína fosfatasa 2C, dependiente de magnesio, subunidad catalítica
Cfa. 11839.1.A1 en	5.91E-03	1.00E+00	0.51	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de piruvato deshidrogenasa fosfatasa (LOC477941); ARNm	XM 535129	PPM2C	proteína fosfatasa 2C, dependiente de magnesio, subunidad catalítica
Cfa Afx. 14411.1. S1 en	4.69E-03	1.00E+00	0.53	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de piruvato deshidrogenasa fosfatasa (LOC477941); ARNm	XM 535129	PPM2C	proteína fosfatasa 2C, dependiente de magnesio, subunidad catalítica

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 18658.1. S1 en	2.97E-03	1.00E+00	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma alfa subunidad 8 reguladora de la proteína fosfatasa 1; variante transcripta 1 (LOC487340); ARNm	XM 5444 66	PPP1R8	proteína fosfatasa 1, subunidad 8 reguladora (inhibidora)
CfaAfx1542 7.1. S1 en.	6.93E-02	1.00E+00	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3 similar a metiltransferasa de HMT1 hnRNP; variante transcripta 1 (LOC476887); ARNm	XM 5340 89	PRMT3	proteína arginina metil transferasa 3
Cfa. 6010.1.A1en	3.99E-02	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ribosa-fosfato pirofosfoquinasa II (fosforibosil pirofosfato sintetasa II) (PRS-II); variante transcripta 5 (LOC476855); ARNm	XM 8515 77	PRPS2	fosforibosil pirofosfato sintetasa 2
Cfa Afx. 19134.1. S1 en	1.66E-02	1.00E+00	0.71	Proteasa de Pan troglodytes; serina; 12 (neurotripsina; motopsina) (PRSS12); ARNm	NM0010 71807	PRSS12	proteasa, serina, 12 (neurotripsina, motopsina)
Cfa Afx. 10730.1. S1 en	5.23E-02	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfatidilserina sintasa 2 (LOC483401); ARNm	XM 5405 20	PTDSS2	fosfatidilserina sintasa 2
Cfa. 3452.1. S1 s en	5.39E-02	1.00E+00	1.54	ARNm del subtipo EP4 del receptor de prostaglandina E2; cds completo	AF17793 4	PTGER 4	receptor 4 de prostaglandina E (subtipo EP4)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 6541.1. S1 s en	4.44E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a (hidrolizante de glutamina) sintasa de glutaminil-t ARN (LOC475014); ARNm	XM 5322 50	QRSL1	1 similar a (hidrolizante de glutamina) sintasa de glutaminil-t ARN
Cfa. 20264.1. S1 s en	6.60E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 9 enlazante de RAN (LOC478728); ARNm	XM 5358 93	RANBP 9	proteína 9 enlazante de RAN
Cfa. 21620.1. S1 s en	2.52E-02	1.00E+00	1.49	Factor 5 (GEF) de intercambio nucleótido de guanina Rap; ARNm (clon de ADNc MGC:26203 IMAGEN:4811483); cds completo	BC03920 3	RAPGE F5	Factor 5 (GEF) de intercambio nucleótido de guanina Rap
Cfa Afx. 4051.1. S1 s en	5.58E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de ciclase de ARN (LOC484183); ARNm	XM 5412 99	RCL1	1 similar a ciclase fosfato del terminal ARN
Cfa. 20008.1. S1 s en	8.25E-02	1.00E+00	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa 11 de retinol (Reductasa retinal 1) (RalR1) (deshidrogenasa/reductasa 1 de cadena corta de próstata) (deshidrogenasa/reductasa 1 de cadena corta regulada por andrógenos) (proteína de enlazamiento del núcleo HCV) (HCBP12) (LOC480366); ARNm	XM 8492 61	RDH11	deshidrogenasa 11 de retinol (todos-trans/9 cis/11- cis)

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9467.1.A1 en	3.69E-02	1.00E+00	1.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma b de reelina; variante transcripta 1 (LOC483273); ARNm	XM 5403 92	RELN	reelina
Cfa. 3701.1. S1 en	7.10E-02	1.00E+00	0.63	ARNm de Pongo abelii; DKFZp46l191 de ADNc (del clon DKFZp46l191)	CR92648 4	REN	renina
Cfa. 470.1.A1 en	1.32E-02	1.00E+00	0.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a proteína REV1 de reparación de ADN (desoxicitidil transferasa del terminal similar a Rev1) (proteína 80 enlazante de la integrina Alfa) (AIBP80) (LOC481337); ARNm	XM 5384 58	REV1	homólogo de REV 1 (S. cerevisiae)
Cfa. 17646.1. S1 s en	6.57E-02	1.00E+00	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína enlazante de raft (LOC485653); ARNm	XM 5427 73	RFTN1	raftlina; lípido enlazante de raft
Cfa Affx. 9766.1. S1 en	3.10E-2	1.00E+00	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína enlazante de raft (LOC485653); ARNm	XM 5427 73	RFTN1	raftlina; lípido enlazante de raft
Cfa. 995.1. S1 s en	3.91E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG3295-PA; variante transcripta 2; (LOC475760); ARNm	XM 8470 36	RMND5 A	requerido para homólogo A de división 5 nuclear meiótica

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 5868.1. S1 en	2.57E-03	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Bos taurus similar a proteína mKIAA0161 (RNF144A); ARNm	XM 870498	RNF144A	proteína 144A de dedo anular
Cfa Afx. 6394.1. S1 en	6.97E-02	1.00E+00	0.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 150 de dedo anular (LOC607611); ARNm	XM 844361	RNF150	proteína 150 de dedo anular
Cfa. 155.1. S1 s en	8.18E-02	1.00E+00	0.63	Inf. de TPA: ARNm de (RTN1) RTN1-C; cds completo	BK001793	RTN1	reticulón 1
Cfa Afx. 30603.1. S1 en	6.19E-02	1.00E+00	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a diferenciación endotelial; receptor acoplado a proteína G de esfingolípido; 1 (EDG1); ARNm	XM 547259	S1PR1	receptor de fosfato 1 esfingosina
Cfa Afx. 25247.1. S1 en	6.89E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Bos taurus similar al dominio de motivo alfa estéril que contiene 1 (SAMD1); ARNm	XM 001250641	SAMD1	dominio de motivo alfa estéril que contiene 1
Cfa Afx. 11400.1. S1 en	6.66E-02	1.00E+00	0.24	ARNm de (UNQ698) DNA66675 HJAR69 clon de Homo sapiens; cds completo	AY358701	SBSN	suprabasina
Cfa. 11487.1.A1 en	6.39E-02	1.00E+00	0.76	PREDICHO: antígeno 8 de cáncer de colon definido serológicamente de Pan troglodytes; variante transcripta 4 (SDCCAG8); ARNm	XM 525116	SDCCAG8	antígeno 8 de cáncer de colon definido serológicamente

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19483.1. S1 s en	9.82E-02	1.00E+0 0	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3b de empalme; subunidad 3; variante transcripta 1 (LOC479659); ARNm	XM 5367 91	SF3B3	factor 3b de empalme; subunidad 3; 130kDa
Cfa. 12118.1.A1 en	1.60E-02	1.00E+0 0	0.65	Esfingosina-1-fosfatasa liasa de Bos taurus; ARNm (Clon de ADNc NGC: 140362 IMAGEN: 8188064); cds completo	BC14046 8	SGPL1	Esfingosina-1-fosfatasa liasa 1
Cfa Affx. 18664.1. S1 en	9.17E-02	1.00E+0 0	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de SH3 enlazante de proteína 4 (LOC486172); ARNm	XM 5432 98	SH3BP4	dominio de SH3 enlazante de la proteína 4
Cfa Affx. 9996.1. S1 en	2.80E-02	1.00E+0 0	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 5 enlazante del dominio SH3 (proteína enlazante del dominio SH3 que preferencialmente se asocia con BTK) (LOC485657); ARNm	XM 5427 77	SH3BP5	dominio de SH3 enlazante de la proteína 5
Cfa Affx. 13680.1. S1 s en	9.34E-03	1.00E+0 0	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a shroom (LOC478438); ARNm	XM 8449 10	SHROOM3	miembro 3 de la familia de <i>shroom</i>
Cfa. 21475.1. S1 en	2.78E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de la transmembrana SID1; miembro 2 (LOC489391); ARNm	XM 5465 09	SIDT2	familia de la transmembrana SID1; miembro 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 16900.1. S1 s en	9.11E-03	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia 12 del transportador de soluto; miembro 7 (cotransportador 4 de cloruro de potasio electroneural) (cotnasportador4 de K-Cl) (LOC488069); ARNm	XM 5451 93	SLC12A 7	familia 12 del transportador de soluto; (transportadores de potasio/cloruro) miembro 7
Cfa. 19806.1. S1 s en	9.93E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al transportador 1 de monocarboxilato (MCT 1); variante transcripta 3 (LOC475856); ARNm	XM 8575 92	SLC16A 1	familia 16 del transportador de soluto (transportador 1 de ácido monocarboxílico)
Cfa. 16871.1. S1 en	5.07E-02	1.00E+0 0	0.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia 27 del transportador de soluto (transportador de ácido graso); miembro 6 (LOC474666); ARNm	XM 531894	SLC27A 6	familia 12 del transportador de soluto; (transportador de ácido graso) miembro 6
Cfa Afx. 2004.1. S1 s en	1.11E-02	1.00E+0 0	0.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia 27 del transportador de soluto (transportador de ácido graso) miembro 6 (LOC474666); ARNm	XM 5318 94	SLC27A 6	familia 27 del transportador de soluto (transportador de ácido graso) miembro 6
Cfa Afx. 16375.1. S1 s en	8.39E-03	1.00E+0 0	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia 37 del transportador de soluto miembro 1 (LOC487780); ARNm	XM 5449 05	SLC37A 1	familia 37 del transportador de soluto (transportador de glicerol-3-fosfato) miembro 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 23808.1. S1 en	1.75E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia 3 del transportador de soluto (activadores de aminoácido dibásico y neutral); miembro 2 de isoforma a (LOC483777); ARNm	XM 540898	SLC3A2	familia 3 del transportador de soluto (activadores de aminoácido dibásico y neutral), miembro 2
Cfa Afx. 17822.1. S1 en	1.36E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 2 pequeña transportadora de aminoácidos neutros grandes (transportador 2 de aminoácido tipo L) (hLAT2); variante transcripta 7 (LOC490608); ARNm	XM 853554	SLC7A8	familia 7 de transportador de soluto (transportador de aminoácido catiónico; sistema y+) miembro 8
Cfa. 16330.1. S1 s en	3.80E-02	1.00E+00	0.69	ARNm de transportador de prostaglandina de Canis familiaris; cds completo	AY879310	SLCO2A1	familia del transportador de anión orgánico de transportador de soluto, miembro 21A
Cfa. 1931.1.A1.e n	5.58E-02	1.00E+00	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador dependiente de actina asociada con la matriz relacionada con SWI/SNF de cromatina a1 isoforma a; variante transcripta 19 (LOC481046); ARNm	XM 860493	SMARCA1	asociada con la matriz relacionada con SWI/SNF, regulador dependiente de actina de cromatina, subfamilia a, miembro 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 21915.1. S1 en	6.28E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la quinasa 2 similar a SNF1 (LOC489410); ARNm	XM 5465 28	SNF1LK 2	quinasa 2 similar a SNF1
Cfa Affx. 21458.1. S1 en	5.37E-02	1.00E+0 0	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a Esterol O-aciltransferasa 1 (Colesterol aciltransferasa 1) (Acil coenzima A: Colesterol aciltransferasa 1) (ACAT-1) (LOC490325); ARNm	XM 5474 45	SOAT1	Esterol O-aciltransferasa 1
Cfa Affx. 14389.1. S1 en	6.96E-02	1.00E+0 0	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma A de proteína enlazante de ADN SON; variante transcrita 4 (LOC478406); ARNm	XM 8516 35	SON	proteína enlazante de ADN SON
Cfa Affx. 1703.1. S1 x en	9.64E-02	1.00E+0 0	1.99	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma A de proteína enlazante de ADN SON; variante transcrita 14 (LOC478406); ARNm	XM 8520 93	SON	proteína enlazante de ADN SON
Cfa. 17029.1. S1 en	4.04E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 4 de dominio de SH3 (LOC477383); ARNm	XM 5345 77	SORBS 3	dominio de sorbina y SH3 que contiene 3
Cfa Affx. 18082.1. S1 s en	1.01E-02	1.00E+0 0	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a caja 5 (región Y determinante del sexo) de SRY; variante transcrita 10 (LOC486635); ARNm	XM 8608 88	SOX5	SRY (región Y que determina el sexo)- caja 5

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 27328.1. S1 s en	1.00E-02	1.00E+00	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor SPARC (proteína secretada ácida y rica en cisteína) (Osteonectina) (ON) (proteína 40 de la membrana de base) (BM-40) (LOC612159); ARNm	XM 8498 89	SPARC	proteína secretada ácida y rica en cisteína) (Osteonectina)
Cfa. 20143.1. S1 en	9.41E-02	1.00E+00	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a atlasina; variante transcripta 1 (LOC480318); ARNm	XM 5374 40	SPG3A	paraplegia espástica 3A (dominante autosomal)
Cfa. 4966.1.A1 s en	9.23E-02	1.00E+00	0.68	sparc/osteonectina de Homo sapiens; proteoglicano de dominios similares a cwcv y kazal (testican) 2 (SPOCK2); variante transcripta 2; ARNm	NM 0147 67	SPOCK 2	proteoglicano de dominios similares a cwcv y kazal (testican) 2
Cfa Affx. 25530.1. S1 en	2.75E-03	1.00E+00	0.69	Espondina 2 de Bos taurus; proteína de matriz extracelular; ARNm (clon de ADN MGC: 138085) IMAGEN:8086057) cds completo	BC11329 1	SPON2	Espondina 2, proteína de matriz extracelular
Cfa. 16366.1.A1 en	8.37E-02	1.00E+00	1.47	Alfa 2 de Alfa-N-acetil-neuramida ST8 de homo sapiens; 8-sialiltransferasa 4 (ST8SIA4); variante transcripta 1; ARNm	NM 0056 68	ST8SIA 4	Alfa 2 de Alfa-N-acetil-neuramida ST8, 8-sialiltransferasa 4

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20754.1. S1 en	8.30E-02	1.00E+0 0	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar al transductor y activador de señales de la transcripción 1-alfa/beta (Componentes ISGF-3 del factor de transcripción P91/P84) variante transcripta 4 (LOC488449); ARNm	XM 8508 63	STAT1	transductor y activador de señales de la transcripción 1, 91kDa
Cfa. 11720.1.A1 en	4.02E-02	1.00E+0 0	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a la serina/treonina quinasa 35 (LOC609432); ARNm	XM 8466 89	STK35	serina/treonina quinasa 35
Cfa. 17400.1. S1 s en	9.89E-02	1.00E+0 0	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína fosfatasa 24 de especificidad dual (Mapa de la proteína MK-STYX similar a la fosfatasa quinasa) variante transcripta 3 (LOC489817); ARNm	XM 8531 19	STYXL1	serina/treonina /tirosina que interactúa como 1
Cfa Afx. 12846.1. S1 s en	6.03E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la ligasa de Succinato-CoA, que forma GDP; subunidad alfa (LOC475775); ARNm	XM 5329 85	SUCLG 1	ligasa de Succinato-CoA, subunidad alfa
Cfa. 11749.1.A1 en	7.63E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la oxidasa de sulfito: precursor mitocondrial (LOC481103); ARNm	XM 5382 24	SUOX	oxidasa de sulfito

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 1103.1. S1 en	5.10E-02	1.00E+00	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la oxidasa de sulfito: precursor mitocondrial (LOC481103); ARNm	XM 538224	SUOX	oxidasa de sulfito
Cfa Affx. 6930.1. S1 s en	2.24E-02	1.00E+00	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 de supervilina; variante transcripta 2 (LOC477965); ARNm	XM 844807	SVIL	supervilina
Cfa. 19132.1. S1 s en	4.56E-02	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 de supervilina; variante transcripta 4 (LOC477965); ARNm	XM 855044	SVIL	supervilina
Cfa. 9691.1.A1 en	8.37E-02	1.00E+00	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la repetición de espectrina que contiene; envoltura nuclear 2 isoforma e; variante transcripta 1 (LOC490729); ARNm	XM 547851	SYNE2	Repetición de espectrina que contiene; envoltura nuclear 2
Cfa. 4844.1.A1 en	1.29E-02	1.00E+00	0.51	ARNm porcino para el factor beta 3 de crecimiento transformante (TGF-beta 3)	X14150	TGFB3	factor de crecimiento transformante, beta 3
Cfa Affx. 26179.1. S1 s en	1.37E-02	1.00E+00	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor el factor beta 3 de crecimiento (TGF-beta 3); variante transcripta 5 (LOC490796); ARNm	XM 863112	TGFB3	factor de crecimiento transformante, beta 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 8681.1. S1 s en	2.38E-02	1.00E+00	0.75	ARNm TM de Canis lupus familiaris para la trombomodulina; cds completo	AB193481	THBD	trombomodulina
Cfa Afx. 13216.1. S1 s en	5.50E-02	1.00E+00	1.87	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro 1 de la familia 6 de la membrana 4 L (Antígeno L6 asociado con tumores) (Componente de membrana; marcador de superficie 1) (M3S1) (LOC477107); ARNm	XM 534302	TM4SF18	miembro 18 de la familia seis de la membrana 4 L
Cfa. 17747.1. S1 s en	4.64E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína homóloga RECS1 (LOC610419); ARNm	XM 847923	TMBIM1	motivo del inhibidor BAX de membrana que contiene 1
Cfa. 13654.1.A1 s en	3.82E-02	1.00E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína homóloga RECS1 (LOC610419); ARNm	XM 847923	TMBIM1	motivo del inhibidor BAX de membrana que contiene 1
Cfa Afx. 22563.1. S1 s en	2.34E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína homóloga RECS1 (LOC610419); ARNm	XM 847923	TMBIM1	motivo del inhibidor BAX de membrana que contiene 1
Cfa. 7109.1.A1 s en	1.49E-02	1.00E+00	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de transporte de la proteína de membrana emp24 que contiene 9; variante transcripta 1 (LOC481444); ARNm	XM 538565	TMED9	dominio de transporte de la proteína de membrana emp24 que contiene 9

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 1310.1. S1 en	4.56E-03	1.00E+00	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de transporte de la proteína de transmembrana emp24 que contiene 9; variante transcripta 1 (LOC481444); ARNm	XM 538565	TMED9	dominio de transporte de la proteína de transmembrana emp24 que contiene 9
Cfa Afx. 4729.1. S1 en	3.53E-02	1.00E+00	2.29	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de transmembrana con dominios 1 similares a EGF y similares a dos folistatina; variante transcripta 2 (LOC612942); ARNm	XM 862118	TMEFF1	proteína de transmembrana con dominios 1 similares a EGF y similares a dos folistatina
Cfa. 1794.1. S1 en	6.31E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a BE10.2 (LOC475247); ARNm	XM 532481	TMEM1	proteína 195 de transmembrana
Cfa Afx. 10111.1. S1 en	8.52E-02	1.00E+00	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4050-PA; isoforma A (LOC475421); ARNm	XM 532644	TMTC3	repetición de transmembrana y tetratricopéptido que contiene 3
Cfa Afx. 3284.1. S1 en	1.01E-02	1.00E+00	0.5	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor desencadenador expresado en células mieloides 2 precursoras (Receptor desencadenador expresado en monocitos 2) (TREM-2) (LOC608965); ARNm	XM 846138	TREM2	receptor desencadenador expresado en células mieloides 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 3283.1. S1 s en	2.89E-02	1.00E+0 0	0.51	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor disparador expresado en el precursor de células mieloides 2 (receptor disparador expresado en monocitos 2) (TREM-2) (LOC608965); ARNm	XM 8461 38	TREM2	receptor disparador expresado en el precursor de células mieloides 2
Cfa. 5715.1. S1 en	7.39E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor disparador expresado en 1 similar a células mieloides (LOC474898); ARNm	XM 5321 33	TREML1	receptor disparador expresado en 1 similar a células mieloides
Cfa Afx. 22480.1. S1 en	9.75E-02	1.00E+0 0	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfotransferasa 1 de empalme 2 de tARN (LOC483765); ARNm	XM 5408 86	TRPT1	fosfotransferas a 1 de tARN
Cfa Afx. 22480.1. S1 s en	7.29E-02	1.00E+0 0	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfotransferasa 1 de empalme 2 de tARN (LOC483765); ARNm	XM 5408 86	TRPT1	fosfotransferas a 1 de tARN
Cfa Afx. 24324.1. S1 s en	1.90E-03	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la tetraspanina 14 (LOC610573); ARNm	XM 8481 06	TSPAN1 4	tetraspanina 14
Cfa. 13544.1.A1 en	3.65E-02	1.00E+0 0	1.41	ARNM desconocido pp1057 de clon de Homo sapiens	AF21796 7	TSPAN9	tetraspanina 9

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14054.1.A1 s en	5.62E-02	1.00E+0 0	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a Y54G22A.7; variante transcrita 2 (LOC474465); ARNm	XM 8514 58	TTC38	dominio 38 de repetición de tetratricopéptido
Cfa Afx. 24911.1. S1 s en	4.83E-02	1.00E+0 0	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a cadena Alfa-8 de tubulina (Alfa-tubulina 8) (LOC486762); ARNm	XM 5438 89	TUBA8	tubulina, alfa 8
Cfa. 11276.1. S1 en	4.30E-02	1.00E+0 0	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a tubulina; beta 2 (LOC478701); ARNm	XM 5358 68	TUBB2A	tubulina, beta 2
Cfa Afx. 9291.1. S1 s en	1.63E-02	1.00E+0 0	0.42	ARNm de ucp2 de Canis lupus familiaris para proteína 2 de desacoplamiento; cds completo	AB02088 7	UCP2	proteína 2 de desacoplamiento (mitocondrial, portador de protón)
Cfa Afx. 28986.1. S1 s en	3.28E-02	1.00E+0 0	0.76	similar a hidrolasa 24 de terminal carboxilo de ubiquitina (tiolesterasa 24 de ubiquitina) (proteasa 24 de procesamiento específico de ubiquitina) (enzima 24 de desubiquitinación) (LOC479558); ARNm	XM 5366 97	USP24	peptidasa 24 específica de ubiquitina

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 16692.1. S1 s en	4.39E-02	1.00E+00	0.71	similar a hidrolasa 24 de terminal carboxilo de ubiquitina (tiolesterasa 24 de ubiquitina) (proteasa 24 de procesamiento específico de ubiquitina) (enzima 24 de desubiquitinación) (LOC479558); ARNm	XM 5366 97	USP24	peptidasa 24 específica de ubiquitina
Cfa Afx. 19310.1. S1 s en	2.74E-02	1.00E+00	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasa 53 específica de ubiquitina (LOC487923); ARNm	XM 5450 46	USP53	peptidasa 53 específica de ubiquitina
Cfa Afx. 8845.1. S1 s en	3.20E-02	1.00E+00	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor 2 de péptido intestinal vasoactivo; (LOC611663); ARNm	XM 8493 61	VIPR2	receptor 2 de péptido intestinal vasoactivo
Cfa. 3482.1. S1 en	9.43E-02	1.00E+00	1.55	ARNm de TIFF66 de Canis familiaris; cds completo	U39663	VNN1	vanina 1
Cfa Afx. 1247.1. S1 s en	4.47E-02	1.00E+00	1.8	ARNm de TIFF66 de Canis familiaris; cds completo	U39663	VNN1	vanina 1
Cfa Afx. 22068.1. S1 s en	7.57E-02	1.00E+00	1.77	ARNm de TIFF66 de Canis familiaris; cds completo	U39663	VNN1	vanina 1
Cfa Afx. 24331.1. S1 en	1.69E-02	1.00E+00	0.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína asociada a la resistencia de TGF-beta (LOC487562); ARNm	XM 5446 87	WDR72	dominio 72 de repetición de WD

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 24332.1. S1 s en	6.86E-02	1.00E+0 0	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína asociada a la resistencia de TGF-beta (LOC487562); ARNm	XM 5446 87	WDR72	dominio 72 de repetición de WD
Cfa Affx. 15356.1. S1 en	1.55E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a del factor 2 asociado a YY1 (LOC609790); ARNm	XM 8471 27	YAF2	factor 2 asociado a YY1
Cfa Affx. 10465.1. S1 s en	2.02E-02	1.00E+0 0	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar la proteína 5 asociada a la célula de músculo liso (LOC478048); ARNm	XM 5352 26	YIPF5	familia de dominio Yip1, miembro 5
Cfa Affx. 12550.1. S1 en	5.61E-02	1.00E+0 0	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a 4 similar a yippee (LOC610168); ARNm	XM 8475 89	YPEL4	4 similar a yippee (Drosophila)
Cfa Affx. 20922.1. S1 en	7.15E-02	1.00E+0 0	0.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de dedo de zinc de leucemia promielocítica; variante transcripta 2 (LOC489398); ARNm	XM 8452 50	ZBTB16	anillo de zinc y dominio de BTB que contiene 16

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 6587.1. S1 en	6.66E-02	1.00E+00	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio FYVE de anillo de zinc que contiene proteína 9 (Madres contra proteína interactuante homóloga de decapentaplégica) (proteína que interactúa con Madh) (Ancla Smad para activación del receptor) (Ancla de activación del receptor) (hSARA) Nueva proteasa serina) (NSP...; variante transcrita 1 (LOC475352); ARNm	XM 532576	ZFYVE9	dedo de zinc, dominio FYVE que contiene 9
Cfa Affx. 7931.1. S1 s en	8.47E-02	1.00E+00	0.75	Proteína 180 de dedo de zinc de Bos taurus; ARNm (Clon de ADNc MGC:151525 IMAGEN: 8097646); cds completo	BC149088	ZNF180	Proteína 180 de dedo de zinc
Cfa Affx. 7083.1. S1 s en	7.11E-03	1.00E+00	1.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 227 de dedo de zinc (LOC484460); ARNm	XM 850112	ZNF227	proteína 227 de dedo de zinc
Cfa Affx. 26487.1. S1 s en	4.20E-02	1.00E+00	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 617 de dedo de zinc (LOC611075); ARNm	XM 848708	ZNF564	proteína 564 de dedo de zinc
Cfa. 12414.1.A1 s en	5.90E-02	1.00E+00	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 622 de dedo de zinc; variante transcrita 2 (LOC479383); ARNm	XM 863227	ZNF622	proteína 622 de dedo de zinc

ES 2 524 475 T3

Tabla 1: Genes Expresados Diferencialmente en Tejido Adiposo en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 29168.1. S1 s en	4.34E-02	1.00E+0 0	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 622 de dedo de zinc; variante transcripta 2 (LOC479383); ARNm	XM 8632 37	ZNF622	proteína 622 de dedo de zinc
Cfa. 11779.1.A1 en	8.46E-02	1.00E+0 0	0.73	LOC479517 hipotética de Canis familiaris; variante transcripta 1; (LOC479517); ARNm	XM 5366 55	ZSWIM7	dedo de zinc, tipo SWIM que contiene 7
Cfa. 11779.1.A1 s en	1.03E-02	1.00E+0 0	0.72	LOC479517 hipotética de Canis familiaris; variante transcripta 1; (LOC479517); ARNm	XM 5366 55	ZSWIM7	dedo de zinc, tipo SWIM que contiene 7

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Obesos vs delgados (Comparación de la expresión del gen en sangre entera) corte FC en toda la lista de genes: 1.3; valor P de corte:								
# de muestras en el grupo -1 (OBESO): 32 grupo- 2 (DELGADO): 12								
Veces del cambio > 1 implica sondas que están sobrerreguladas en muestras de DELGADOS								
Sonda	Valor P	Valor Q	Veces del cambio	Anotación superior BLAST	Conteo del hit superior	Símbolo del gen	Desc. Gen	
Cfa Affx. 14897.1. S1 en	5.05E-03	1.77E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a axotrofina; variante transcripta 1 (LOC478763) ARNm	XM 535 9 29	07-mar	dedo anular asociado a la membrana (C3HC4) 7	
Cfa. 10982.1.A1 en	5.26E-03	1.79E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a Septin-2 (homóloga de proteína NEDD5) (LOC487886); ARNm	XM 846 8 16	02-sep	septin 2	
Cfa Affx. 20073.1. S1 s en	5.48E-04	1.02E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Septin-2 (homóloga de proteína NEDD5) (LOC487886); ARNm	XM 846 8 16	02-sep	septin 2	
CfaAffx30993.1. S1 s en	9.84E-04	1.16E-02	0.73	selenoproteína 15 kDa de Canis lupus familiaris (SEP15); ARNm	NM 001 1 147 60	15-sep	selenoproteína 15 kDa	
Cfa Affx. 30994.1. S1 s en	8.25E-03	2.12E-02	0.73	selenoproteína 15 kDa de Homo sapiens (SEP15); variante transcripta 2; ARNm	NM 203 3 41	15-sep	selenoproteína 15 kDa	
Cfa. 2510.1. S1 en	2.82E-03	1.48E-02	0.74	PREDICHO: Aminoadipato-semialdehído deshidrogenasa-fosfopanteteinilo transferasa (AASDHPPT); ARNm	XM 508 7 34	AASDHPPT	Aminoadipato-semialdehído deshidrogenasa-fosfopanteteinilo transferasa	

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19800.1. S1 s en	2.28E-05	7.55E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro 1 de la subfamilia E del casete de enlazamiento de ATP (inhibidor L de Rnasa) (inhibidor de la ribonucelasa 4) (RNS4I); variante transcripta 1 (LOC475454); ARNm	XM 532 6 79	ABCE 1	casete de enlazamiento de ATP, subfamilia E (OABP), miembro 1
Cfa Affx. 1556.1. S1.en	1.90E-02	3.07E-02	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar al casete de enlazamiento de ATP; subfamilia F; miembro 1 (casete 50 de enlazamiento de ATP) (proteína ABC simulada de TNF-alfa) (LOC474826); ARNm	XM 532 0 56	ABCF 1	casete de enlazamiento de ATP, subfamilia F (GCN20), miembro 1
Cfa Affx. 27934.1. S1 s en	2.81E-03	1.48E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de hidrolasa de alfa/beta que contiene la proteína 3 (LOC480177); ARNm	XM 537 3 01	ABH D3	dominio de ab hidrolasa que contiene 3
Cfa Affx. 14 958.1. S1 s en	2.63E-03	1.45E-02	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia del gen ABI; proteína enlazante miembro 3 (NESH) isoforma 2 (LOC478544); ARNm	XM 535 7 21	AB13 BP	familia del gen ABI; proteína enlazante miembro 3 (NESH)
Cfa. 63.51.1. S1 a en	2.54E-02	3.53E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a tiolasa de cetoacil-CoA; precursor de peroxisomal (Beta-cetotiolasa) (Acetil transferasa de Acetil-CoA) (3-oxoacil-CoA tiolasa peroxisomal); variante transcripta 1 (LOC477023); ARNm	XM 534 2 22	ACAA 1	Acetil transferasa de Acetil coenzima A 1
Cfa. 1502.1. S1 en	3.49E-02	4.18E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a acetiltransferasa del Acetil-CoA; precursor mitocondrial (Acetil-CoA tiolasa) (T2) (LOC489421); ARNm	XM 546 5 39	ACAT 1	Acetil transferasa de Acetil coenzima A 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 22504.1. S1 s en	Affx. 9.45E-04	1.16E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a acetiltransferasa del Acetil-CoA; citosólica (Acetoacetil CoA tiolasa citosólica) (proteína similar a Acetil CoA transferasa) (LOC484063); ARNm	XM 546 5 39	ACAT 1	Acetil transferasa de Acetil coenzima A 1
Cfa 2011.1. S1 s en	Affx. 6.63E-04	1.06E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a acetiltransferasa del Acetil-CoA; precursor mitocondrial (Acetil-CoA tiolasa) (T2) (LOC489421); ARNm	XM 541 1 80	ACAT 2	Acetil transferasa de Acetil coenzima A 2
Cfa 5146.1.A1 s en	Affx. 4.39E-03	1.69E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio enlazante de la Coenzima A de Acilo que contiene 6 (LOC480029); ARNm	XM 537 1 52	ACB D6	dominio enlazante de la Coenzima A de Acilo que contiene 6
Cfa. 16841.1. S1 en	Affx. 3.87E-03	1.63E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 de ATP citrato liasa; variante transcripta 17 (LOC607852); ARNm	XM 856 2 58	ACLY	ATP citrato liasa
Cfa. 11699.1.A1 en	Affx. 5.17E-02	5.20E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la hidrolasa de acil coenzima A tioéster citosólica (hidrolasa de acil-CoA tioéster de cadena larga (CTE-II) (hidrolasa acil-CoA de cerebro) (LOC479589); ARNm	XM 536 7 27	ACO T7	acil-CoA tioesterasa 7
Cfa 29929.1. S1 en	Affx. 3.35E-02	4.08E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la hidrolasa de acil coenzima A tioéster citosólica (hidrolasa de acil-CoA tioéster de cadena larga (CTE-II) (hidrolasa acil-CoA de cerebro) (LOC479589); ARNm	XM 536 7 27	ACO T7	acil-CoA tioesterasa 7

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 29929.1. S1 s en	3.80E-02	4.38E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la hidrolasa de acil coenzima A tioéster citosólica (hidrolasa de acil-CoA tioéster de cadena larga (CTE-II) (hidrolasa acil-CoA de cerebro) (LOC479589); ARNm	XM 536 7 27	ACO T7	acil-CoA tioesterasa 7
Cfa. 14052.1.A1 s en	5.13E-03	1.78E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la miembro 3 de la familia de cadena larga de Acil-CoA sintetasa ; variante transcripta 1 (LOC478927); ARNm	XM 536 0 86	ACSL 3	miembro 3 de la familia de cadena larga de Acil-CoA sintetasa
Cfa Affx. 24825.1. S1 s en	2.62E-03	1.44E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de cadena larga de Acil-CoA sintetasa miembro 3; variante transcripta 2 (LOC478927); ARNm	XM 846 5 24	ACSL 3	miembro 3 de la familia de cadena larga de Acil-CoA sintetasa
Cfa Affx. 27683.1. S1 s en	2.60E-02	3.57E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la miembro 4 de la familia de cadena larga de Acil-CoA sintetasa isoforma 2; variante transcripta 1 (LOC481018); ARNm	XM 538 1 40	ACSL 4	miembro 4 de la familia de cadena larga de Acil-CoA sintetasa
CfaAffx23489.1. S1 en	2.85E-03	1.48E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 10 relacionada con la actina (hARP11); variante transcripta 2 (LOC480377); ARNm	XM 846 8 50	ACTR 10	homólogo de la proteína 10 relacionada con la actina (S cerevisiae)
Cfa. 3302.2.S1 en	1.67E-02	2.89E-02	0.74	homóloga de la proteína 2 relacionada con la actina ARP2 de Bos taurus (levadura); ARNm (Clon de ADNc MGC:166374 IMAGEN: 8470421); cds completo	BC1 513 56	ACTR 2	homólogo de la proteína 2 relacionada con la actina ARP1 (levadura)
Cfa. 20888.1. S1 s en	1.10E-04	8.90E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de la proteína 2 relacionada con la actina; variante transcripta 1 (LOC481396); ARNm	XM 538 5 16	ACTR 2	homólogo de la proteína 2 relacionada con la actina ARP1 (levadura)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 5751.1. S1 en	Affx. 3.32E-04	9.28E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de la proteína 2 relacionada con la actina; variante transcripta 1 (LOC481396); ARNm	XM 847 6 14	ACTR 2	homólogo de la proteína 2 relacionada con la actina ARP1 (levadura)
Cfa 14947.1. S1 en	Affx. 5.33E-02	5.29E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenosina desaminasa; adenosina aminohidrolasa; ADA; variante transcripta 1 (similar a ADA); ARNm	XM 534 4 28	ADA	adenosina desaminasa
Cfa 14951.1. S1 s en	Affx. 3.16E-03	1.53E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenosina desaminasa; adenosina aminohidrolasa; ADA; variante transcripta 1 (similar a ADA); ARNm	XM 534 4 28	ADA	adenosina desaminasa
Cfa. 19869.1. S1 s en	Affx. 5.81E-04	1.03E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenilato ciclasa 2; variante transcripta 2 (LOC478624); ARNm	XM 851 1 03	ADC Y2	adenilato ciclasa 2 (cerebro)
Cfa. 21375.1. S1 s en	Affx. 1.16E-03	1.21E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al gen fusionado de ALL1 de 5Q31; variante transcripta 5 (LOC474678); ARNm	XM 856 1 80	AFF4	familia AF4/FMR2, miembro 4
Cfa. 19807.1. S1 en	Affx. 2.20E-03	1.37E-02	0.76	Clon de ADNc de longitud total CS0DK011YN13 de células HeLa Cot 25-normalizadas de homo sapiens	CR 592 694	AGA	aspartilglucosa amidasa
Cfa. 5288.1.A1 s en	Affx. 1.13E-03	1.20E-02	0.73	1-acilglicerol-3-fosfato O-aciltransferasa 3 de Bos taurus (AGPAT3): ARNm; cds de sonda 5 incompleta	BT0 254 36	AGP AT3	1-acilglicerol-3-fosfato O-aciltransferasa 3
Cfa. 13638.1.A1 en	Affx. 2.99E-03	1.51E-02	0.74	PREDICHO: alquildihidroxiacetona fosfato sintasa de Pan troglodytes; variante transcripta 3 (AGPS); ARNm	XM 00 542 11	AGP S	alquilglicerona fosfato sintasa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19737.1. S1 en	1.78E-02	2.97E-02	0.75	receptor de hidrocarburo arilo de Homo sapiens; ARNm (Clon de ADNc MGC: 87401 IMAGEN: 30342582); cds completo	BC070080	AHR	receptor de hidrocarburo arilo
Cfa. 14366.1. S1 s en	5.83E-02	5.55E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 3 del factor 1 inflamador de aloinjerto; variante transcripta 1 (LOC474841); ARNm	XM532072	AIF1	factor 1 inflamador de aloinjerto
Cfa. 1525.1.A1 s en	3.82E-03	1.63E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 3 de muerte celular 8 programada; variante transcripta 2 (LOC481048); ARNm	XM860655	AIFM1	factor que induce a la apoptosis, asociada a las mitocondrias, 1
Cfa. 63.59.1.A1 en	6.29E-04	1.05E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoenzima 2 de adenilato quinasa; mitocondrial (ATP-AMP transfosforilasa); variante transcripta 2 (LOC478145); ARNm	XM858927	AK2	adenilato quinasa 2
Cfa. Afx. 27724.1. S1 en	3.66E-03	1.61E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína 10 de anclaje de A-quinasa (LOC609073); ARNm	XM846274	AKAP10	proteína 10 de anclaje de A-quinasa (PRKA)
Cfa. 2653.1. S1 en	2.46E-03	1.41E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 de pirrolin-5-carboxilato sintetasa (LOC477781); ARNm	XM534976	ALDH18A1	familia de la deshidrogenasa aldehído 18, miembro A1
Cfa. 403.1.A1 en	6.09E-03	1.88E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la antiquina (LOC481486); ARNm	XM538607	ALDH7A1	familia de la deshidrogenasa aldehído 7, miembro A1
Cfa. 403.1.A1 s en	6.52E-04	1.06E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la antiquina (LOC481486); ARNm	XM538607	ALDH7A1	familia de la deshidrogenasa aldehído 7, miembro A1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11280.1.A1 s en	6.62E-03	1.94E-02	0.72	PREDICHO: Homólogo de glicosilación 11 enlazado a asparginina de <i>Equus caballus</i> (<i>S. cerevisiae</i> ; alfa 1,2-manosiltransferasa) (ALG11); ARNm	XM001487974	ALG11	Homólogo de glicosilación 11 enlazado a asparginina (<i>S. cerevisiae</i> , alfa-1,2-manosiltransferasa)
Cfa. 16818.1.S1 s en	5.15E-04	1.01E-02	0.7	PREDICHO: <i>Canis familiaris</i> similar a dolcil-fosfato beta-glucosiltransferasa (Dolp-glucosiltransferasa) variante transcripta 5 (LOC477301); ARNm	XM851876	ALG5	Homólogo de glicosilación 5 enlazado a asparginina (<i>S. cerevisiae</i> , dolcil-fosfato beta-glucosiltransferasa)
Cfa Afx. 28557.1.S1 s en	3.74E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: <i>Canis familiaris</i> similar al dominio 12 de repetición de anquirina; variante transcripta 2 (LOC480205); ARNm	XM854453	ANKRD12	dominio 12 de repetición de anquirina
Cfa Afx. 12205.1.S1 s en	2.27E-02	3.33E-02	0.75	PREDICHO: <i>Canis familiaris</i> similar al dominio 37 de repetición de anquirina (LOC475627); ARNm	XM532841	ANKRD37	dominio 37 de repetición de anquirina
Cfa Afx. 4452.1.S1 en	1.02E-04	8.90E-03	0.64	PREDICHO: <i>Canis familiaris</i> similar al dominio 39 de repetición de anquirina (LOC474568); ARNm	XM531796	ANKRD39	dominio 39 de repetición de anquirina
Cfa Afx. 7148.1.S1 en	1.44E-03	1.25E-02	0.77	PREDICHO: <i>Canis familiaris</i> similar al factor que induce la globina fetal (LOC485125); ARNm	XM542243	ANKRD49	dominio 49 de repetición de anquirina
Cfa. 31.1.S1 s en	1.94E-02	3.11E-02	0.73	Inhibidor-1 de <i>Canis familiaris</i> e la proteína fosfatasa tipo 2A ARNm; cds completo	AY162293	ANP32A	familia de la fosfoproteína 32 nuclear acídica (rica en leucina), miembro A

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 13980.1. S1 en	Affx. 1.95E-02	3.11E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Anexina A3 (Anexina III) (Lipocortina III) (Proteína III anticoagulante placentaria) (PAP-III) (35-alfa calcimedina) (Inositol fosfato 1,2-ciclico fosfohidrolasa) (LOC478447) ARNm	XM 535 6 24	ANXA 3	anexina A3
Cfa. 12149.1. S1 en	7.03E-02	6.17E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Anexina A5 (Anexina V) (Lipocortina V) (Endonexina II) (Calfobindina I) (CBP-I) (Proteína I anticoagulante placentaria) (PAP-I) (PP4) (Inhibidor de tromboplastina) (Anticoagulante alfa vascular) (VAC-alfa) (Ancorin CII) (LOC476094); ARNm	XM 533 3 03	ANXA 5	Anexina A5
Cfa229.1.1S1 en.	1.39E-02	2.66E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a del dominio 2 de oxidasa amina (conteniendo flavina) (LOC478193); ARNm	XM 861 5 17	AOF2	dominio 2 de oxidasa amina (conteniendo flavina)
Cfa. 10636.1. S1 s en	4.95E-03	1.76E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo 1 de la proteína relacionada con el adaptador; isoforma a de la subunidad gamma 1; variante transcripta 3 (LOC479666); ARNm	XM 857 3 37	AP1G 1	complejo 1 de la proteína relacionada con el adaptador, subunidad gamma 1
Cfa. 15765.1.A1 en	1.14E-03	1.20E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad mu 1 del complejo 3 de la proteína relacionada con el adaptador (Mu-adaptina 3A) (subunidad mu3 del complejo del adaptador AP-3) (LOC489052); ARNm	XM 546 1 70	AP3M 1	complejo 3 de la proteína relacionada con el adaptador, subunidad mu 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 23575.1. S1 en	Affx. 1.94E-04	9.06E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad mu 1 del complejo 3 de la proteína relacionada con el adaptador (Muadaptina 3A) (subunidad mu3 del complejo del adaptador AP-3) (LOC489052); ARNm	XM 546 1 70	AP3M 1	complejo 3 de la proteína relacionada con el adaptador, subunidad mu 1
Cfa. 1256.1.A1 s en	1.80E-03	1.3'E-02	0.75	ARNm de la proteína APG-2 (Apg-2) de choque de calor de Canis familiaris; cds completo	AY9 115 12	APG-2	proteína APG-2 de choque de calor
Cfa. 6362.1.A1 en	2.92E-02	3.80E-02	1.44	ARNm de la proteína APG-2 (Apg-2) de choque de calor de Canis familiaris; cds completo	AY9 115 12	APG-2	proteína APG-2 de choque de calor
Cfa 15873.1. S1 s en	Affx. 1.50E-02	2.75E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 similar al precursor (A4) beta amiloide; variante transcripta 23 (LOC479393); ARNm	XM 851 6 42	APLP 2	proteína 2 similar al precursor (A4) beta amiloide
Cfa. 3891.1. S1 en	2.58E-03	1.44E-02	1.4	ARNm de apolipoproteína C-III de Perro; cds completo	M17 178	APO C3	apolipoproteína C-III
Cfa. 3891.1. S1 x en	1.03E-02	2.33E-02	1.31	ARNm de apolipoproteína C-III de Perro; cds completo	M17 178	APO C3	apolipoproteína C-III
Cfa. 2457.1. S1 en	3.04E-02	3.88E-02	0.76	PREDICHO: Proteína 2 enlazante de la proteína precursora beta amiloide de Pan troglodytes (APPBP2); ARNm	XM 001 1 368 33	APPB P2	Proteína 2 enlazante de la proteína precursora beta amiloide
Cfa. 21549.1. S1 s en	7.17E-02	6.24E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la acuaporina 3 (LOC611792); ARNm	XM 849 5 03	AQP3	acuaporina 3 (Grupo sanguíneo Gill)
Cfa 25331.1. S1 en	Affx. 2.36E-02	3.39E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la acuaporina 9 (LOC611792); ARNm	XM 544 7 01	AQP9	acuaporina 9

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 4964.1. S1 s en	Affx. 3.38E-03	1.56E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor-1 de ribosilación de ADP (LOC474591); ARNm	XM 531 8 20	ARF1	factor 1 de ribosilación de ADP
Cfa. 2289.1. S1 en	5.39E-02	5.31E-02	0.76	factor 6 de ribosilación de ADP de Homo sapiens (ARF6); ARNm	NM 001 6 63	ARF6	factor 6 de ribosilación de ADP
Cfa. 10772.1.A1 en	1.00E-03	1.17E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 que activa la GTPasa del factor de ribosilación de ADP; variante transcripta 5 (LOC474477); ARNm	XM 852 3 21	ARF GA P3	proteína 3 que activa la GTPasa del factor de ribosilación de ADP
Cfa. 17093.1. S1 en	1.10E-03	1.20E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 que activa la GTPasa del factor de ribosilación de ADP; variante transcripta 5 (LOC474477); ARNm	XM 852 3 21	ARF GA P3	proteína 3 que activa la GTPasa del factor de ribosilación de ADP
Cfa 2327.1. S1 s en	Affx. 4.26E-05	7.55E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 que activa la GTPasa del factor de ribosilación de ADP; variante transcripta 5 (LOC474477); ARNm	XM 852 3 21	ARF GA P3	proteína 3 que activa la GTPasa del factor de ribosilación de ADP
Cfa 17840.1. S1 s en	Affx. 2.38E-02	3.41E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del dominio 4b interactivo rico en AT; variante transcripta 3 (LOC488959); ARNm	XM 843 6 23	ARID 4B	dominio 4b interactivo rico en AT (similar a RBP1)
Cfa 17879.1. S1 s en	Affx. 2.82E-02	3.72E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del dominio 4B interactivo rico en AT; variante transcripta 3 (LOC488959); ARNm	XM 843 6 23	ARID 4B	dominio 4B interactivo rico en AT (similar a RBP-1)
Cfa 11375.1. S1 s en	Affx. 1.30E-03	1.23E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar al factor de ribosilación de ADP; variante transcripta 1; (LOC612931); ARNm	XM 847 8 97	ARL1	1 similar al factor de ribosilación de ADP

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20059.1.A1 en	1.36E-03	1.23E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 5 que interactúa con 6 similar al factor de ribosilación de ADP (LOC476559); ARNm	XM 533 7 64	ARL6 IP 5	proteína 5 que interactúa con el factor 6 similar a ribosilación de ADP
Cfa1737.1.A1 en	4.56E-03	1.72E-02	0.72	1 que contiene la repetición de ; ARNm (clon de ADNc MGC:127965) IMAGEN:7954315) cds completo	BC1 034 07	ARM C1	1 que contiene la repetición de armadillo
Cfa Affx. 27095.1. S1 s en	1.77E-04	9.00E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína ALEX 3 (loc492022); ARNm	XM 549 1 42	ARM CX 3	que contiene la repetición de armadillo; 3 enlazado a X
Cfa. 20824.1. S1 en	2.50E-03	1.43E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína ARMET (proteína rica en arginina) (LOC608421); ARNm	XM 845 4 47	ARM ET	rico en arginina, mutado en tumores en etapa inicial
Cfa Affx. 23231.1. S1 en	3.26E-03	1.55E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 1A del complejo 2/3 de proteína relacionada con actina (LOC479745); ARNm	XM 536 8 73	ARP C1 A	complejo 2/3 de proteína relacionada con actina , subunidad 1A, 41kDa
Cfa. 17137.1. S1 en	6.68E-04	1.07E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo 2/3 de proteína relacionada con actina; similar a subunidad 5; variante transcripta 1 (LOC612856); ARNm	XM 846 2 53	ARP C5L	complejo 2/3 de proteína relacionada con actina; similar a subunidad 5
Cfa Affx. 30958.1. S1 s en	1.66E-03	1.28E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo 2/3 de proteína relacionada con actina; similar a subunidad 5; variante transcripta 2 (LOC612856); ARNm	XM 858 4 38	ARP C5L	complejo 2/3 de proteína relacionada con actina; similar a subunidad 5

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa1326.1. S1 en.	9.63E-02	7.42E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de preproteína 1 de amidohidrolasa de N-acilesfingosina (ceramidasa ácida) (LOC482897); ARNm	XM 540 0 12	ASAH 1	amidohidrolasa de N-acilesfingosina (ceramidasa ácida) 1
Cfa Afx. 5053.1. S1 en	4.63E-02	4.88E-02	1.37	ARNm (AT3G13510) de proteína desconocida de arabidopsis thaliana; cds completo	NM 112 197	AT3G 13 510	proteína hipotética
Cfa Afx. 2390.1. S1 en	1.55E-03	1.26E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a dos dominios AAA que contienen proteína; variante transcrita 2 (LOC475090); ARNm	XM 845 4 27	ATAD 2	familia ATPasa, dominio AAA que contiene 2
Cfa. 16352.1. S1 en	1.45E-02	2.70E-02	0.75	ARNm de Homo sapiens para proteína KIAA1240; cds parcial	AB0 330 66	ATAD 2B	familia ATPasa, dominio AAA que contiene 2B
Cfa. 3397.1.A1 s en	6.36E-03	1.91E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína autofagia similar a 5 (similar a APG5) (proteína específica de apoptosis); variante transcrita 1 (LOC610868); ARNm	XM 849 2 01	ATG5	homólogo 5 relacionado con autofagia de ATG5 (S. cerevisiae)
Cfa. 3397-1-A1 en	4.32E-03	1.68E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína autofagia similar a 5 (similar a APG5) (proteína específica de apoptosis); variante transcrita 3 (LOC610868); ARNm	XM 863 3 68	ATG5	homólogo 5 relacionado con autofagia de ATG5 (S. cerevisiae)
Cfa Afx. 18231.1. S1 en	3.94E-4	9.61E-03	0.7	ADNc de Homo sapiens FLJ6374 cds completo; altamente similar a ATPasa IF que transporta fosfolípido probable (EC 3.6.3.1)	AK3 048 55	ATP1 1B	ATPasa, clase VI, tipo 11B

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19636.1. S1 s en	9.14E-6	6.68E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a ATPasa IF que transporta fosfolípidos potencial (ATPasa clase I tipo 11B) (ATPasa IR); ARNm	XM 535 8 16	ATP1 1B	ATPasa, clase VI, tipo 11B
Cfa Affx. 18234.1. S1 s en	8.11E-05	8.77E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a ATPasa IF que transporta fosfolípidos potencial (ATPasa clase I tipo 11B) (ATPasa IR); ARNm	XM 535 8 16	ATP1 1B	ATPasa, clase VI, tipo 11B
Cfa. 19006.1. S1 s en	1.08E-02	2.37E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1a de ATPasa 2C1 que transporta calcio; variante transcrita 12; (LOC477066); ARNm	XM 858 7 40	ATP2 C1	ATPasa, que transporta C++, tipo 2C, miembro 1
Cfa Affx. 10126.1. S1 en	6.16E-04	1.05E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1a de ATPasa 2C1 que transporta calcio; variante transcrita 12; (LOC477066); ARNm	XM 858 7 40	ATP2 C1	ATPasa, que transporta C++, tipo 2C, miembro 1
Cfa. 990.1. S1 s en	8.57E-06	6.68E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a ATP sintasa; que transporta H+; complejo F1 mitocondrial; precursor de isoforma H (corazón) subunidad gamma; variante transcrita 1 (LOC478009); ARNm	XM 535 1 93	ATP5 C1	ATP sintasa, que transporta H+, complejo F1 mitocondrial, gamma polipéptido 1
Cfa Affx. 30193.1. S1 s en	3.54E-05	7.55E-03	0.71	PREDICHO; Canis familiaris similar a cadena B de ATP sintasa; precursor mitocondrial (LOC479901); ARNm	XM 53 70 27	ATP5 F1	ATP sintasa, que transporta H+, complejo F= mitocondrial, subunidad B1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 685.1. S1 s en	8.57E-04	1.13E-02	0.69	PREDICHO; Canis familiaris similar a ATP sintasa; que transporta H ⁺ ; complejo F0 mitocondrial; subunidad C; isoforma 1, variante transcrita 2 (LOC491061); ARNm	XM 846 8 91	ATP5 G1	ATP sintasa, que transporta H ⁺ , complejo F= mitocondrial, subunidad B1
Cfa Affx. 24784.1. S1 s en	1.12E-03	1.20E-02	0.75	PREDICHO; Canis familiaris similar a ATPasa; que transporta H ⁺ ; isoforma 1 E subunidad VI; variante transcrita 4 (LOC477740); ARNm	XM 863 0 74	ATP6 V1 E1	ATPasa, que transporta H ⁺ , 31kDa lisosomal, V1 subunidad E1
Cfa. 1409.1.A1 en	2.14E-03	1.37E-02	0.74	PREDICHO; Canis familiaris similar a ATPasa; que transporta H ⁺ ; V1 subunidad F (LOC475199); ARNm	XM 532 4 31	ATP6 V1 F	ATPasa, que transporta H ⁺ , 31kDa lisosomal, V1 subunidad F
Cfa Affx. 11312.1. S1 s en	1.00E-03	1.17E-02	0.67	PREDICHO; Canis familiaris similar a ATPasa, que transporta H ⁺ ; 50/75kDa lisosomal; V1 subunidad H; variante transcrita 1 (LOC 486953); ARNm	XM 544 0 82	ATP6 V1 H	ATPasa, que transporta H ⁺ , 50/57kDa lisosomal, V1 subunidad H
Cfa Affx. 26396.1. S1 s en	2.07E-04	9.06E-03	1.4	PREDICHO; Canis familiaris similar a isoforma 1 del regulador transcripciones ATRX; variante transcrita 7 (LOC480963); ARNm	XM 855 0 75	ATRX	enlazado a síndrome X de retardo alfa talasemia/mental (homólogo de RAD54, S cerevisiae)
Cfa. 19626.1.A1 en	1.65E-02	2.88E-02	0.75	PREDICHO: Pan troglodytes similar a proteína AZ12; variante transcrita 5 (LOC460239); ARNm	XM 001 1 663 20	AZ12	2 inducido por 5-azacitidina
Cfa. 4399.1. S1 en	1.10E-02	2.38E-02	0.76	PREDICHO; Canis familiaris similar al inhibidor de antizima de decarboxilasa omitina; variante transcrita 10 (LOC475058); ARNm	XM 853 6 43	AZIN 1	inhibidor 1 de antizima

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 144.1. S1 s en	3.42E-03	1.57E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la barrera para el factor 1 de autointegración (LOC611961); ARNm	XM 849 6 83	BANF 1	barrera para el factor 1 de autointegración
Cfa. 16811.1. S1 en	5.43E-02	5.33E-02	0.74	PREDICHO; Canis familiaris similar al transcrito asociado a HLA-B (LOC481714); ARNm	XM 538 8 35	BAT4	transcrito asociado a HLA-B
Cfa Affx. 20602.1. S1 s en	4.68E-03	1.73E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al bromodominio adyacente al dominio de dedo de zinc; 1A isoforma a, variante transcrita 9 (LOC480287); ARNm	XM 856 6 78	BAZ1 A	bromodominio adyacente al dominio de dedo de zinc; 1A
Cfa Affx. 7103.1. S1 en	2.90E-02	3.78E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma b de la proteína del síndrome Bardet Bield 7 ; variante transcrita 4 (LOC476092); ARNm	XM 852 1 28	BBS7	síndrome Bardet Bield 7
Cfa. 20742.1. S1 s en	5.32E-02	5.28E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma d de proteína BAP29 asociada al receptor de células B (LOC475884); ARNm	XM 533 0 92	BCAP 29	proteína 29 asociada al receptor de células B
Cfa. 3943.1.A1 a en	8.94E-03	2.20E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de secuencia 2 amplificada de carcinoma de seno (ADN amplificada en proteína de carcinoma 1 mamario) (LOC475805); ARNm	XM 533 0 14	BCAS 2	secuencia 2 amplificada de carcinoma de seno
Cfa Affx. 21575.1. S1 s en	2.81E-02	3.72E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína A1 relacionada con Bcl-2 (proteína BFL-1) (proteína de respuesta temprana homopoyética) (Proteína GRS) (LOC488770); ARNm	XM 545 8 88	BCL2 A1	proteína A1 relacionada con Bcl-2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11173.1.A1 s en	4.27E-02	4.67E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al regulador nuclear similar al factor de transcripción (LOC478090); ARNm	XM 535 2 67	BDP1	cebador 1 doble B, subunidad del factor III de iniciación de transcripción de polimerasa III de ARN
Cfa. 10514.1. S1 en	1.52E-03	1.26E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de reductasa A de Biliverdin (Biliverdin-IX-alfa reductasa) (BVR A) (LOC475867); ARNm	XM 533 0 75	BLVR A	reductasa A de Biliverdin
Cfa. 13165.1.A1 s en	2.13E-02	3.24E-02	0.75	ARNm parcial de proteína de la familia de dedo de PHD de Brugia Malayi	XM 001 9 002 28	Bm 144 005	proteína de la familia de dedo de PHD
Cfa Affx. 18770.1. S1 s en	3.45E-02	4.16E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa BMX de tirosina citoplásmica (gen de tirosina quinasa de médula ósea en la proteína de cromosoma X) (tirosina quinasa epitelial y endotelial) ETK) (NTK38) (LOC491750); ARNm	XM 548 8 70	BMX	tirosina quinasa del no receptor de BMX
Cfa Affx. 25505.1. S1 s en	7.24E-04	1.08E-02	0.72	Clon de ADNc de Bos taurus IMAGEN: 8094530	BC1 489 51	BNIP 2	proteína 2 que interactúa con 19kDa E19 de BCL2/adenovirus
Cfa. 11221.1.A1 en	3.97E-04	9.61E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3(2);5-biofosfato nucleotidasa 1 (Biofosfato 3-nucleotidasa 1) (PAP-inositol-1;4-fosfatasa) (PIP) (LOC608525); ARNm	XM 845 5 76	BPNT 1	3(2);5-biofosfato nucleotidasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 15480.1. S1 s en	Affx. 4.83E-03	1.75E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al bromodominio que contiene 7 (LOC478130); ARNm	XM 535 3 06	BRD7	bromodominio que contiene 7
Cfa. 14120.1.A1 s en	1.88E-02	3.06E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteínas expresadas en órganos reproductivos y cerebro; variante transcrita 1 (LOC475711); ARNm	XM 532 9 18	BRE	expresadas en órganos reproductivos y cerebro (modulador TNFRSF1A)
Cfa. 10573.1.A1 en	1.43E-02	2.70E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína I3 de cerebro (pRGR2) (LOC608902); ARNm	XM 846 0 53	BRI3	proteína I3 de cerebro
Cfa. 13282.1. S1 s en	2.95E-04	9.25E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 44 de cerebro (LOC609356); ARNm	XM 537 2 09	BRP4 4	proteína 44 de cerebro
Cfa. 11093.1. S1 en	1.07E-04	8.90E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína similar a la proteína 44 de cerebro; variante transcrita 5 (LOC609356); ARNm	XM 858 0 18	BRP4 4L	similar a la proteína 44 de cerebro
Cfa Affx. 227.1. S1 s en	4.82E-04	1.00E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína similar a la proteína 44 de cerebro; variante transcrita 5 (LOC609356); ARNm	XM 858 0 18	BRP4 4L	similar a la proteína 44 de cerebro
Cfa. 11934.1. S1 en	Affx. 1.14E-03	1.20E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 172 asociado a la proteína enlazante de TATA (factor 172 asociado a TBP) (TAF-172) (TAF(II)170) (subunidad 170 kDa asociado al factor de transcripción B-TFIID) (LOC486800); ARNm	XM 543 9 19	BTAF 1	BTAF1 ARN polimerasa II, 170kDa asociado al factor de transcripción de B-TFIID (homólogo de Mot1, S. cerevisiae)
Cfa. 16454.1. S1 en	6.43E-02	5.87E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la tirosina quinasa de agamaglobulinemia de Bruton; variante transcrita 6 (LOC492019); ARNm	XM 856 6 82	BTK	tirosina quinasa de agamaglobulinemia de Bruton

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 23181.1. S1 x en	Affx. 3.14E-03	1.53E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína homóloga G10 (EDG-2); variante transcripta 1 (LOC479743); ARNm	XM 536 8 71	BUD3 1	Homólogo de BUD31 (S. cerevisiae)
Cfa. 673.1. S1 en	9.07E-03	2.21E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 de procesamiento de ARN; (LOC479972); ARNm	XM 537 0 96	BXD C5	dominio de Brix que contiene 5
Cfa. 673.2.S1 s en	6.08E-03	1.88E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 de procesamiento de ARN; (LOC479972); ARNm	XM 537 0 96	BXD C5	dominio de Brix que contiene 5
Cfa. 3834.1. S1 en	9.31E-02	7.27E-02	0.76	ARNm de C. familiaris para el receptor de complemento C5a	X65 860	C5AR 1	receptor 1 del componente de complemento 5a
CfaAffx13131.1. S1 s en	6.72E-03	1.95E-02	0.72	cromosoma 12 de Bos taurus abierto de lectura marco 62 ortólogo (C5H12orf62); ARNm	XM 00	C5H1 2o rf62	cromosoma 12 abierto de lectura de marco 62
Cfa. 4155.1.A1 en	5.26E-02	5.25E-02	0.76	cromosoma 5 de Homo sapiens abierto de lectura de marco 33 (C5orf33); variante transcripta 2; ARNm	NM 153 0 13	C5orf 33	cromosoma 5 de Homo sapiens abierto de lectura de marco 33
Cfa. 240.1.A1 en	1.80E-02	3.00E-02	0.77	cromosoma 5 de Bos taurus abierto de lectura marco 15 ortólogo; ARNm (clon de ADNc MCG:127320 IMAGEN:7948853); cds completo	BC1 028 41	C7H5 0 RF15	cromosoma 5 abierto de lectura marco 15 ortólogo
Cfa. 18190.1. S1 en	3.34E-03	1.56E-02	0.76	cromosoma 7 de Homo sapiens abierto de lectura de marco 23; ARNm clon de ADNc MGC: 4175 IMAGEN:3634983); cds completo	BC0 028 37	C7orf 23	cromosoma 7 abierto de lectura de marco 23
Cfa. 3420.1.A1 en	4.53E-03	1.71E-02	0.76	PREDICHO: proteína 39 enlazante de calcio de Pan troglodytes (CAB39); ARNm	XM 526 0 55	CAB3 9	proteína 39 enlazante de calcio

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 16790.1. S1 s en	Affx. 4.88E-02	5.03E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 39 enlazante de calcio (proteína M025); variante transcrita 4 (LOC477403); ARNm	XM 856 0 73	CAB3 9	proteína 39 enlazante de calcio
Cfa. 4277.2.S1 en	Affx. 5.98E-05	8.40E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a calreticulina; variante transcrita 1 (LOC476694); ARNm	XM 533 8 99	CALR	calreticulina
Cfa. 3402.1. S1 en	Affx. 2.11E-03	1.36E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de calumenina; variante transcrita 4, (LOC475201); ARNm	XM 853 5 21	CALU	calumenina
Cfa. 3375.1. S1 s en	Affx. 3.65E-05	7.55E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de calumenina; variante transcrita 4, (LOC475201); ARNm	XM 853 5 21	CALU	calumenina
Cfa. 3402.3.S1 a en	Affx. 2.73E-05	7.55E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de calumenina; variante transcrita 8, (LOC475201); ARNm	XM 853 6 85	CALU	calumenina
Cfa. 1566.1.A1 en	Affx. 1.28E-02	2.55E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína TIP120; variante transcrita 5 (LOC474437); ARNm	XM 531 6 67	CAN D1	asociada de culina y disociada de nedilación 1
Cfa. 1565.1. S1 s en	Affx. 4.65E-04	9.90E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína TIP120; variante transcrita 6 (LOC474437); ARNm	XM 855 8 67	CAN D1	asociada de culina y disociada de nedilación 1
Cfa. 3766.1.S2 en	Affx. 4.93E-03	1.75E-02	0.71	ARNm de Pongo abelii; ADN DKFZp459P042 (del clon DKFZp459P042)	CR 861 420	CAN X	calnexina
Cfa. 20167.1. S1 en	Affx. 6.87E-04	1.07E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la línea Z del músculo de proteína de cubrimiento (filamento de actina); alfa 1; variante transcrita 5 (LOC475857); ARNm	XM 857 7 39	CAPZ A1	línea z del músculo de proteína de cubrimiento (filamento de actina), alfa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20828.1. S1 s en	Affx. 5.38E-04	1.02E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la línea Z del músculo de proteína de cubrimiento (filamento de actina); alfa 1; variante transcripta 5 (LOC475857); ARNm	XM 857 7 39	CAPZ A1	línea z del músculo de proteína de cubrimiento (filamento de actina), alfa 1
Cfa. 16612.1. S1 s en	6.21E-04	1.05E-02	0.67	línea z del músculo de proteína de cubrimiento del canis lupus familiaris (filamento de actina) ; alfa 2 (CAPZA2); ARNm	NM 001 0 129 95	CAPZ A2	línea z del músculo de proteína de cubrimiento (filamento de actina), alfa 2
Cfa. 6332.1.A1 en	8.61E-04	1.13E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a CGB257-PA (loc476983); ARNm	XM 534 1 84	CAR S2	sintetasa 2 de ARNt de cisteinilo, mitocondrial (putativo)
Cfa. 12454.1. S1 s en	Affx. 3.75E-03	1.62E-02	0.71	ARNm de Canis lupus familiaris para caspasa-3; cds completo	AB0 855 80	CASP 3	caspasa 3, cisteína peptidasa relacionada con la apoptosis
Cfa. 3589.1. S1 s en	5.74E-02	5.50E-02	0.75	ARNm de proteína similar a la caspasa 1 de Canis familiaris; cds completo	AF1 359 67	CASP 4	caspasa 4, cisteína peptidasa relacionada con la apoptosis
Cfa. 2035.1. S1 s en	Affx. 2.17E-03	1.37E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo 3 de cromocaja; variante transcripta 5 (LOC482015); ARNm	XM 859 3 82	CBX3	homólogo 3 de cromocaja (Homólogo de gamma HP1, Drosophila)
Cfa. 10657.1.A1 en	3.38E-03	1.56E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma larga de proteína Ymer (LOC478675); ARNm	XM 535 8 44	CCD C5 0	dominio de alambre enrollado que contiene 50
Cfa. 25466.1. S1 s en	Affx. 2.44E-04	9.06E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína AD-016; variante transcripta 1 (LOC475444); ARNm	XM 532 6 68	CCD C5 3	dominio de alambre enrollado que contiene 53
Cfa. 9407.1.A1 s en	9.35E-04	1.16E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG15881-PA; isoforma A (LOC478583); ARNm	XM 535 7 59	CCD C5 8	dominio de alambre enrollado que contiene 58

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14257.1.A1 en	6.95E-05	8.42E-03	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de alambre enrollado que contiene 8	XM 541 5 45	CCD C8	dominio de alambre enrollado que contiene 8
Cfa Affx. 29399.1. S1 s en	1.14E-02	2.42E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma1 de ciclina L2; variante transcrita 3 (LOC479570); ARNm	XM 843 4 60	CCNL 2	ciclina L2
Cfa Affx. 24405.1. S1 en	5.17E-03	1.79E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 de progresión 1 de ciclo celular; variante transcrita 3 (LOC487566); ARNm	XM 858 4 78	CCP G1	progresión 1 de ciclo celular
Cfa Affx. 7895.1. S1 s en	1.84E-03	1.31E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la chaperonina que contiene TCP1; isoforma c de la subunidad 3; variante transcrita 3 (LOC480123); ARNm	XM 859 1 72	CCT3	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 3 (gamma)
Cfa. 1588.1.S en	3.31E-03	1.55E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad delta (TCP-1-delta) (CCT-delta) (A45) (LOC482271); ARNm	XM 539 3 90	CCT4	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 4 (delta)
Cfa Affx. 5572.1. S1 en	2.66E-05	7.55E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad delta (TCP-1-delta) (CCT-delta) (A45) (LOC482271); ARNm	XM 539 3 90	CCT4	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 4 (delta)
Cfa Affx. 5572.1. S1 s en	9.87E-05	8.90E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad delta (TCP-1-delta) (CCT-delta) (A45) (LOC482271); ARNm	XM 539 3 90	CCT4	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 4 (delta)
Cfa. 18708.1. S1 s en	7.45E-04	1.09E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad epsilon (TCP-1-epsilon) (CCT-epsilon) variante transcrita 1 (LOC606873); ARNm	XM 843 2 10	CCT5	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 5 (epsilon)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 15808.1. S1 s en	Affx. 3.60E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad epsilon (TCP-1-epsilon) (CCT-epsilon) variante transcrita 1 (LOC606873); ARNm	XM 843 2 10	CCT5	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 5 (epsilon)
Cfa. 1285.1.A1 en	2.24E-02	3.31E-02	0.73	ARNm parcial de Homo sapiens para subunidad de chaperonina 6A (gen CCT6A)	AM 295 15 5	CCT6 A	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 6a (zeta 1)
Cfa. 13783.1. S1 s en	Affx. 2.55E-05	7.55E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 de complejo T; Subunidad theta (TCP-1-theta) (CCT-theta); variante transcrita 1 (LOC478399); ARNm	XM 535 5 76	CCT8	chaperonina que contiene TCP1, subunidad 8 (theta)
Cfa. 7303.1.A1 a en	1.13E-02	2.41E-02	1.33	ARNm de CD163v3 de Canis familiaris; cds completo	DQ 060 83 7	CD16 3	molécula CD163
Cfa. 3619.1. S1 s en	1.46E-02	2.72E-02	0.73	ARNm de CD38 de antígeno hematopoyético de Canis familiaris; cds completo	AF1 177 14	CD38	molécula CD38
Cfa. 1961.1. S1 en	1.39E-02	2.66E-02	0.71	FLI39351 fis ADNc de Homo sapiens; clon PEBLM2001072	AK0 966 70	CD47	molécula CD47
Cfa. 654.1.A1 a en	1.36E-02	2.63E-02	0.71	Molécula CD47 de Canis lupus familiaris (CD47); ARNm	NM 001 0 807 21	CD47	molécula CD47
Cfa. 14560.1. S1 en	3.54E-04	9.56E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor BLAST-1 de marcador de activación de linfocito B (Antígeno de superficie de BCM1) (Antígeno de leucocito MEM-102) (TCT,1) (Antígeno CD48) (LOC488642); ARNm	XM 545 7 59	CD48	molécula CD48

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 19527.1. S1 s en	Affx. S1 s en	1.38E-03	1.24E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor BLAST-1 de marcador de activación de linfocito B (Antígeno de superficie de BCM1) (Antígeno de leucocito MEM-102) (TCT,1) (Antígeno CD48) (LOC488642); ARNm	XM 545 7 59	CD48	molécula CD48
Cfa. 838.1.A1 en	Affx. S1 s en	5.04E-03	1.77E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al antígeno p18-20 de CD59 (LOC475945); ARNm	XM 533 1 56	CD59	molécula CD59, proteína reguladora de complemento
CfaAffx8125.1. S1 s en.	Affx. S1 s en	1.96E-03	1.33E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al producto del gen D123 (LOC478005); ARNm	XM 535 1 89	CDC1 23	homólogo 123 del ciclo de división celular (S. cerevisiae)
Cfa. 1040.1.A1 en	Affx. S1 s en	5.12E-03	1.78E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de CDC16; variante transcripta 1 (LOC607100); ARNm	XM 843 4 84	CDC1 6	homólogo 16 del ciclo de división celular (S. cerevisiae)
Cfa 10703.1. S1 en	Affx. S1 en	8.98E-03	2.20E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de CDC16; variante transcripta 1 (LOC607100); ARNm	XM 843 4 84	CDC1 6	homólogo 16 del ciclo de división celular (S. cerevisiae)
Cfa. 489.1. S1 s en	Affx. S1 s en	3.68E-03	1.61E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo 37 del ciclo de división celular 1 como (S. cerevisiae) (LOC476341); ARNm	XM 533 5 42	CDC3 7L 1	homólogo 37 del ciclo de división celular 1 como (S. cerevisiae)
Cfa. 163.1.A1 s en	Affx. S1 s en	1.42E-02	2.68E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a como CDC5 (LOC474921); ARNm	XM 532 1 56	CDC5 L	similar a 5 del ciclo de división celular CDC5 (S. pombe)
Cfa. 20147.1. S1 s en	Affx. S1 s en	6.17E-03	1.89E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a como CDC5 (LOC474921); ARNm	XM 532 1 56	CDC5 L	similar a 5 del ciclo de división celular CDC5 (S. pombe)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 12456.1. S1 s en	Affx. 1.13E-03	1.20E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa 7 de división celular (quinasa que activa CDK) (CAK) (subunidad de quinasa del complejo de factor de transcripción basal de TFIIH) (proteína quinasa 39 kDa) (P39 Mo15) (5TK1) (CAK1); variante transcripta 1 (LOC608441); ARNm	XM 845 3 31	CDK7	quinasa dependiente de ciclina	7 de
Cfa 12648.1. S1 en	Affx. 1.73E-04	9.00E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a colabora/coopera con proteína ARF (marco de lectura alternativo) (LOC607991); ARNm	XM 844 8 69	CDK N2 AIP	CDKN2A que interactúa con proteína	
Cfa. 19151.1.A1 en	Affx. 2.02E-02	3.16E-02	0.76	PREDICHO: LOC481507 hipotético de Canis familiaris similar (LOC481507); ARNm	XM 538 6 28	CDK N2 AIPN L	CDKN2A que interactúa con proteína similar al terminal N	
Cfa. 20967.1. S1 s en	Affx. 4.42E-03	1.70E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a CCAAT/potenciador enlazante de proteína zeta; variante transcripta 4 (LOC612948); ARNm	XM 858 3 67	CEBP Z	CCAAT/potenciador enlazante de proteína zeta	
Cfa 30235.1. S1 s en	Affx. 1.32E-03	1.23E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a colina/etanolamina fosfotransferasa; variante transcripta 4 (LOC612949); ARNm	XM 860 6 37	CEPT 1	colina/etanolamina fosfotransferasa	
Cfa. 15821.1. S1 en	Affx. 1.17E-03	1.21E-02	1.36	ARNm cauxina de Canis lupus familiaris para proteína excretada urinaria similar a carboxilesterasa; cds completo	AB1 863 92	CES7	carboxilesterasa 7	
Cfa 12484.1. S1 s en	Affx. 1.07E-02	2.36E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de repetición de tripleta de CGG (LOC478375); ARNm	XM 535 5 49	GGG BP 1	proteína enlazante de repetición de tripleta de CGG	1 de

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 7939.1. S1 en	Affx. 04	9.84E-04	1.16E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al regulador de crecimiento celular con dominio 1 de mano de EF (LOC483006); ARNm	XM 540 1 21	CGR EF 1	regulador de crecimiento celular con dominio 1 de mano de EF
Cfa. 5198.1.A1 s en		4.14E-04	9.68E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene 1 (LOC609696099); ARNm	XM 847 3 15	CHC HD 1	dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene 1
Cfa 15927.1. S1 s en	Affx. 04	2.38E-04	9.06E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene proteína 2 (proteína transregulada HCB NS2) (LOC479702); ARNm	XM 847 3 15	CHC HD 2	dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene 2
Cfa. 13515.1. S1 en		3.96E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene proteína 3; variante transcrita 2 (LOC607574); ARNm	XM 843 3 62	CHC HD 3	dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene 3
Cfa 2860.1. S1 s en	Affx. 05	2.50E-05	7.55E-03	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene proteína 3; variante transcrita 2 (LOC607574); ARNm	XM 843 3 62	CHC HD 3	dominio de hélice de alambre enrollado de hélice de alambre enrollado que contiene 3
Cfa 12401.1. S1 en	Affx. 03	3.59E-03	1.60E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de ADN de cromodominio helicasa; variante transcrita 1 (LOC488891); ARNm	XM 546 0 08	CHD1	proteína 1 enlazante de ADN de cromodominio helicasa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 12405.1. S1 s en	Affx. 7.37E-03	2.02E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de ADN de cromodominio helicasa; variante transcrita 6 (LOC488891); ARNm	XM 851 2 26	CHD1	proteína 1 enlazante de ADN de cromodominio helicasa
Cfa. 447.1. S1 en	Affx. 2.12E-02	3.23E-02	0.75	PREDICHO: dominio 2 hidrófobo rico en cisteína de Pan troglodytes; variante transcrita 2 (CH1C2); ARNm	XM 001 1 457 91	CHIC 2	dominio 2 hidrófobo rico en cisteína
Cfa 7350.1. S1 s en	Affx. 8.81E-04	1.13E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio rico en histidina y cisteína que contiene (CHORD); proteína 1 enlazante de zinc (LOC476773); ARNm	XM 533 9 79	CHORD C1	1 que contiene (CHORD) del dominio rico en histidina y cisteína
Cfa. 21493.1. S1 en	Affx. 2.44E-02	3.46E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína Churchill; variante transcrita 1 (LOC609942); ARNm	XM 847 7 55	CHURC 1	dominio churchill que contiene 1
Cfa 24801.1. S1 s en	Affx. 1.07E-02	2.36E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína Churchill; variante transcrita 1 (LOC609942); ARNm	XM 847 7 55	CHURC 1	dominio churchill que contiene 1
Cfa 29825.1. S1 s en	Affx. 2.61E-02	3.58E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína enlazante de ARN inducible por frio; variante transcrita 1 (LOC476755); ARNm	XM 533 9 61	CIRBP	proteína enlazante de ARN inducible por frio
Cfa. 4292.1.A1 en	Affx. 3.89E-02	4.44E-02	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína enlazante de ARN inducible por frio; variante transcrita 4 (LOC476755); ARNm	XM 863 5 09	CIRBP	proteína enlazante de ARN inducible por frio
Cfa. 4292.2.A1 a en	Affx. 2.10E-02	3.21E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína enlazante de ARN inducible por frio; variante transcrita 4 (LOC476755); ARNm	XM 863 5 09	CIRBP	proteína enlazante de ARN inducible por frio
Cfa. 10250.1.A1 en	Affx. 1.10E-02	2.39E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C10orf70 (LOC479212); ARNm	XM 536 3 55	CISD 1	dominio 1 de sulfuro de hierro de CDGSH

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 26219.1. S1 s en	Affx. S1 s en	3.70E-04	9.61E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 1 reguladora de quinasas dependientes de ciclinas (CKS-1) (Sid 1334) (LOC612237); ARNm	XM 849 9 74	CKS1 B	subunidad reguladora de proteína quinasa CDC28	1B de quinasa
Cfa. 10770.1. S1 s en		8.85E-03	2.19E-02	0.76	clon CS0CAPOO4YD01 de ADNc de longitud total de Thymus de Homo sapiens (humano)	CR 601 576	CKS2	subunidad reguladora de proteína quinasa CDC28	2 de quinasa
Cfa. 9474.1.A1 en		3.35E-03	1.56E-02	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma alfa del receptor similar a lectina de tipo C inhibidor mieloide (LOC477697); ARNm	XM 534 8 91	CLEC 12 A	familia 12 del dominio de lectina tipo C; miembro A	
Cfa. 9474.1.A1 s en		1.35E-02	2.63E-02		PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma alfa del receptor similar a lectina de tipo C inhibidor mieloide (LOC477697); ARNm	XM 534 8 91	CLEC 12 A	familia 12 del dominio de lectina tipo C; miembro A	
Cfa 8533.1. S1 s en	Affx. S1 s en	8.38E-03	2.14E-02	0.74	ARNm de canis familiaris para lipofuscinosis ceroide; neuronal 5 (gen cln5)	AJ8 754 17	cin 5	lipofuscinosis ceroide; neuronal 5	
Cfa. 14535.1. S1 s en		3.93E-03	1.64E-02	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad enlazante de ATP de proteasa Clp dependiente de ATP similar a Clpx; precursor mitocondrial; variante transcripta 3 (LOC609334); ARNm	XM 860 7 81	CLPX	homólogo de la peptidasa X caseinólítica ClpX (E. coli)	
Cfa 4312.1. S1 s en	Affx. S1 s en	1.23E-02	2.52E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a clatrina; polipéptido ligero A isoforma a; variante transcripta 6 (LOC474765); ARNm	XM 861 7 32	CLTA	clatrina; cadena ligera (Lca)	
Cfa 25055.1. S1 s en	Affx. S1 s en	2.30E-03	1.39E02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo de proteína HSPC163 (LOC480116); ARNm	XM 537 2 38	CHIH 4	homólogo 4 de cornicon (Drosophila)	

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 5770.1. S1 s en	Affx. 2.87E-03	1.49E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de transcripción de CCR-NOT; subunidad 4 isoforma a; variante transcripta 10 (LOC482708); ARNm	XM 854 5 88	CNO T4	complejo de transcripción de CCR-NOT; subunidad 4
Cfa 5774.1. S1 s en	Affx. 7.08E-04	1.08E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de transcripción de CCR-NOT; subunidad 4 isoforma a; variante transcripta 10 (LOC482708); ARNm	XM 854 5 88	CNO T4	complejo de transcripción de CCR-NOT; subunidad 4
Cfa. 18438.1.s1 s en	Affx. 5.28E-03	1.80E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de transcripción de CCR-NOT; subunidad 7 (factor 1 asociado a CCR4) (CAF1); variante transcripta 5 (LOC482895); ARNm	XM 850 9 22	CNO T7	complejo de transcripción de CCR-NOT; subunidad 7
Cfa. 9466.1.A1 s en	Affx. 5.64E-04	1.03E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína similar a saposina que interactúa con MIR (proteína de membrana 4) proteína ZSIG9 secretada putativa); variante transcripta 1 (LOC607115); ARNm	XM 843 7 70	CNP Y2	homólogo de canopi 2 (pez cebra)
Cfa 31045.1. S1 en	Affx. 2.82E-03	1.48E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a colágeno; tipo XXIV; alfa 1 (LOC479965); ARNm	XM 537 0 89	COL2 4A 1	colágeno; tipo XXIV; alfa 1
Cfa. 2334..1. S1 en	Affx. 1.66E-02	2.89E-02	0.76	colágeno de homo sapiens; tipo IV; proteína enlazante de alfa 3 (antígeno Goodpasture) (COL4A3BP); variante transcripta 2; ARNm	NM 031 3 61	COL4 A3 BP	colágeno, tipo IV, proteína enlazante de alfa 3 (antígeno de Goodpasture)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 1259.1. S1 en	2.23E-02	3.31E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio COMM que contiene 10; variante transcripta 1 (LOC474635); ARNm	XM 531 8 65	COM MD 10	dominio COMM que contiene 10;
CfaAffx7152.1. S1 s en	3.52E-03	1.59E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio COMM que contiene 3; variante transcripta 1 (LOC477977); ARNm	XM 535 1 62	COM MD 3	dominio COMM que contiene 3;
Cfa17817.1. S1 s en.	1.31E-03	1.23E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de proteína de coatómeros; subunidad beta (LOC476866); ARNm	XM 534 0 69	COP B1	complejo de proteína de coatómeros, subunidad beta 1
Cfa. 18869.1. S1 s en	1.83E-05	7.55E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de proteína de coatómeros; subunidad beta (LOC476866); ARNm	XM 534 0 69	COP B1	complejo de proteína de coatómeros, subunidad beta 1
Cfa. 18764.1. S1 s en	8.28E - 05	8.77E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de proteína de coatómeros; subunidad beta 2 (cebador beta) (LOC477088); ARNm	XM 534 2 83	COP B2	complejo de proteína de coatómeros, subunidad beta 2 (cebador beta)
Cfa. 20115.1. S1 s en	4.89E-03	1.75E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de proteína de coatómeros; subunidad beta 2 (cebador beta) (LOC477088); ARNm	XM 534 2 83	COP B2	complejo de proteína de coatómeros, subunidad beta 2 (cebador beta)
Cfa3255.1.A1 s en.	8.00E-04	1.10E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de proteína de coatómeros; subunidad beta 2 (cebador beta) (LOC477088); ARNm	XM 534 2 83	COP B2	complejo de proteína de coatómeros, subunidad beta 2 (cebador beta)
CfaAffx12255.1. S1 s en.	2.38E-03	1.40E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo de proteína de coatómeros; subunidad beta 2 (cebador beta) (LOC477088); ARNm	XM 534 2 83	COP B2	complejo de proteína de coatómeros, subunidad beta 2 (cebador beta)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2267.1. S1 s en	3.69E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 4 de signalosoma COP9; variante transcripta 2 (LOC478455); ARNm	XM 854 1 95	COP S4	subunidad 4 homóloga fotomorfogénica constitutiva de COP9 (Arabidopsis)
Cfa. 11305.1.A1 s en	3.93E-04	9.61E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 5 de complejo de signalosoma (subunidad 5 de signalosoma) (SGN5) (proteína 1 enlazante del dominio de activación de Jun) (proteína 2 que interactúa con el terminal C de Kipl); variante transcripta 1 (LOC477901); ARNm	XM 535 0 93	COP S5	subunidad 5 homóloga fotomorfogénica constitutiva de COP9 (Arabidopsis)
Cfa. 19331.1. S1 en	1.62E-02	2.85E-02	0.76	PREDICHO: coenzima Q3 de Canis familiaris (COQ3); ARNm	XM 532 2 41	COQ 3	homólogo de la coenzima Q3, metiltransferasa (S. cerevisiae)
Cfa. 1515.1.A1 en	7.54E-03	2.04E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG30493-PB; variante transcripta 1(LOC478110); ARNm	XM 535 2 84	COQ 9	homólogo de la coenzima Q9, metiltransferasa (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 29 503.1. S1 en	2.51E-03	1.43E-02	1.31	ARNm de la proteína receptora olfativa 1P2 de Canis lupus familiaris (OR1P2); cds completo	EF4 519 62	cOR1 P2	similar a la subfamilia P de la familia 1 del receptor olfativo de cOR1P2
Cfa. 50.1. S1 s en	2.63E-03	1.45E-02	0.76	PREDICHO: similar a subfamilia W de la familia 2 del receptor olfativo CORZW9 de canis familiaris; (COR2W9); ARNm	XM 849 4 61	cOR2 W9	similar a la subfamilia W de la familia 2 del receptor olfativo de cOR2W9

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 19 098.1. S1 en	1.28E-02	2.55E-02	1.3	PREDICHO: similar a subfamilia A de la familia 52 del receptor olfativo COR52AB de canis familiaris; (COR5AB); ARNm	XM 847 8 13	cOR5 2A8	similar a la subfamilia A de la familia 52 del receptor olfativo de cOR52A8
Cfa Affx. 17 612.1. S1 s en	4.58E-04	9.87E-03	1.31	ARNM de C. familiaris para la proteína TPCR79	X89 665	cOR8 G8P	pseudógeno de la subfamilia G de la familia 8 del receptor olfativo de cOR8G8P
Cfa Affx. 14 186.1. S1 en	3.58E-03	1.60E-02	1.33	PREDICHO: similar a subfamilia 5 de la familia 8 del receptor olfativo COR8517 de canis familiaris; (COR8517); ARNm	XM 543 7 03	cOR8 S17	similar a la subfamilia S de la familia 8 del receptor olfativo de cOR8GS17
Cfa. 4546.1. S1 s en	1.46E-03	1.25E-02	0.76	ARNm (COX17) de chaperona de cobre de citocromo c oxidasa; cds completo	AY6 030 41	COX1 7	homólogo de COX17, proteína de ensamble del citocromo c oxidasa (levadura)
Cfa. 11403.1.A1 en	2.27E-04	9.06E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al vecino de COX4 (LOC479624); ARNm	XM 536 7 60	COX4 NB	vecino de COX4
Cfa Affx. 30 489.1. S1 s en	2.79E-03	1.48E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al vecino de COX4 (LOC479624); ARNm	XM 536 7 60	COX4 N B	vecino de COX4
Cfa Affx. 13 068.1. S1 s en	2.25E-04	9.06E-03	1.34	ARNm de ZAP47 de Canis lupus familiaris de proteína asociada a membrana granulada de zimógeno; cds completo	D78 348	CPB1	carboxipeptidasa B1 (tejido)
Cfa Affx. 17 069.1. S1 s en	6.85E-03	1.97E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 de escisión y poliadenilación específica; variante transcripta 1 (LOC480230); ARNm	XM 537 3 53	CPSF 2	factor 2 de escisión y poliadenilación específica, 100kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8873.1.A1 en	5.47E-03	1.82E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 de escisión y poliadenilación específica; variante transcrita 3 (LOC480230); ARNm	XM 851 321	CPSF 2	factor 2 de escisión y poliadenilación específica, 100kDa
Cfa Affx. 17079.1. S1 s en	2.57E-03	1.44E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 de escisión y poliadenilación específica; variante transcrita 4 (LOC480230); ARNm	XM 851 362	CPSF 2	factor 2 de escisión y poliadenilación específica, 100kDa
Cfa. 12286.1.A1 en	7.38E-03	2.02E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 6 de escisión y poliadenilación específica; subunidad 68 kD (LOC474441); ARNm	XM 531 671	CPSF 6	factor 6 de escisión y poliadenilación específica, 100kDa
Cfa Affx. 1594.1. S1 s en	7.97E-04	1.10E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 6 de escisión y poliadenilación específica; subunidad 68 kD (LOC474441); ARNm	XM 531 671	CPSF 6	factor 6 de escisión y poliadenilación específica, 100kDa
Cfa. 15225.1. S1 a en	1.43E-02	2.69E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la carnitina O-palmitoiltransferasa II; precursor mitocondrial (CPT II) (LOC489585); ARNm	XM 546 705	CPT2	carnitina palmitoiltransferasa II
Cfa. 12544.1.A1 en	2.35E-03	1.40E-02	0.77	ARNm de Sus scrofa; clon: OVRM10164F12; expresado en ovarios	AK2 362 16	CR95 63 67.2	proteína de la membrana de la próstata, andrógeno inducido 1
Cfa Affx. 30984.1. S1 s en	6.38E-03	1.91E-02	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo 2 de migas (LOC491341); ARNm	XM 548 4 62	CRB2	homólogo 2 de migas (Drosophila)
Cfa. 2596.1. S1 en	3.99E-03	1.64E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a cg4774-PA; isoforma A; variante transcrita 2; (LOC607530); ARNm	XM 844 8 22	CRLS 1	cardiolipin sintasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 8952.1. S1 s en	Affx. 5.92E-03	1.86E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 similar al cuello torcido (homólogo de cuello torcido) (HCrn); variante transcripta 5 (LOC477137); ARNm	XM 851 4 28	CRN KL1	1 similar al factor de empalme de ARNm de precuello torcido (Drosophila)
Cfa. 2895.1. S1 en	5.23E-03	1.79E-02	0.67	PREDICHO: similar a segregación 1 del cromosoma CSE1 de Equus caballus (levadura) (CSE1L); ARNm	XM 001 5 035 46	CSE1 L	similar a segregación 1 del cromosoma CSE1 (levadura)
Cfa 11464.1. S1 en	Affx. 8.40E-04	1.12E-02	0.74	PREDICHO: Bos taurus similar a la coinditrina beta 1; 4 N-acetilgalactosaminiltransferasa 2; variante transcripta 1 (LOC509328); ARNm	XM 586 2 67	CSG AL NACT 2	acetilgalactosaminiltransferasa 2 de sulfato de coinditrina
Cfa. 15058.1. S1 s en	5.49E-03	1.82E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caseína quinasa; isoforma 1 alfa 1; variante transcripta 15 (LOC479331); ARNm	XM 862 6 78	CSN K1A1	caseína quinasa 1, alfa 1
Cfa. 2931.1. S1 s en	1.89E-03	1.32E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caseína quinasa; isoforma 1 alfa 1; variante transcripta 15 (LOC479331); ARNm	XM 862 6 78	CSN K1A1	caseína quinasa 1, alfa 1
Cfa. 347.1. S1 s en	7.60E-04	1.09E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Y47D9A,2a; variante transcripta 6 (LOC487531); ARNm	XM 855 6 27	CTDS PL2	fosfatasa de CDT (dominio de terminal carboxi, polimerasa II de ARN, polipéptido A) pequeño similar a 2
Cfa. 12490.1.A1 en	3.65E-02	4.28E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de catepsina Z (Catepsina X) (Catepsina P) (LOC611938); ARNm	XM 849 7 02	CTSZ	catepsina Z
Cfa 18934.1. S1 en	Affx. 1.25E-02	2.53E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de catepsina Z (Catepsina X) (Catepsina P) (LOC611938); ARNm	XM 849 7 02	CTSZ	catepsina Z

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20001.1. S1 s en	1.25E-02	2.53E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a Culina 1 (Cul-1); variante transcripta 5 (LOC475512); ARNm	XM 851 0 39	CUL1	culina 1
Cfa. 6461.1.A1 en	5.62E-03	1.83E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a Culina 1 (Cul-1); variante transcripta 5 (LOC475512); ARNm	XM 851 0 39	CUL1	culina 1
Cfa. 657.1.A1 s en	1.79E-03	1.30E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Culina 3 (Cul-3); variante transcripta 1 (LOC477392); ARNm	XM 534 5 86	CUL3	culina 3
Cfa. 1816.1.A1 en	2.27E-02	3.33E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo de la proteína de homeóstasis de cobre (LOC477793); ARNm	XM 534 9 87	CUT C	homólogo del transportador de cobre cutC (E. coli)
Cfa Afx. 14892.1. S1 en	2.23E-03	1.37E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo de la proteína de homeóstasis de cobre (LOC477793); ARNm	XM 534 9 87	CUT C	homólogo del transportador de cobre cutC (E. coli)
Cfa Afx. 24352.1. S1 en	2.55E-02	3.54E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de citoquina B16 inducible pequeño (transmembrana quimiocina CXCL16) (SR-PSOX) (receptor del devorador para fosfatidilserina y lipoproteína de baja densidad oxidada (LOC607514); ARNm	XM 844 2 11	CXCL 16	ligando 16 de quimiocina (motivo C-X-C)
Cfa. 20770.1. S1 s en	5.28E-03	1.80E-02	0.75	TPA_inf: ARNm de cyba de canis lupus familiaris para citocromo b-245 predicho; polipéptido alfa; cds completo	BR0 002 86	CYBA	citocromo b-245, polipéptido alfa
Cfa379.1. S1 en	2.07E-04	9.06E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al citocromo C; somático (LOC475258); ARNm	XM 532 4 93	CYC S	citocromo C. somático

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 5204.1. S1 s en	Affx. 2.95E-04	9.25E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al citocromo C; somático (LOC475258); ARNm	XM 532 4 93	CYC S	citocromo somático C.
Cfa. 13343.1.A1 en	1.49E-03	1.25E-02	1.35	ARNm del citocromo P450 4A38 (CYP4a38) de canis familiaris	DQ 138 951	CYP4 A38	citocromo P450 4A38
Cfa. 3883.1.s1 en	1.11E-03	1.20E-02	1.37	ARNm del citocromo p-450 IIB (P450IIB99 de Canis familiaris; cds completo	M92 447	CYP11 B1 1	citocromo P450 2B11
Cfa. 20092.1. S1 s en	2.82E-03	1.48E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar al adaptador dual para fosfotirosina y 3-fosfotirosina y 3-fosfoinositide (hDAPP1) (molécula adaptadora de células B de 32 kDa) (proteína Bam32 adaptadora de linfocitos B) (LOC478491); ARNm	XM 535 6 69	DAPP 1	adaptador dual de fosfotirosina y 3-fosfoinositide
Cfa. 20254.1. S1 en	2.04E-03	1.35E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Aspartil-tARN sintetasa (Aspartato--tARN ligasa) AspRS); variante transcripta 4 (LOC476132); ARNm	XM 851 7 46	DAR S	Aspartil-tARN sintetasa
Cfa. 3674.1. S1 s en	Affx. 2.62E-03	1.44E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al activador de la fase 5 quinasa (LOC475219); ARNm	XM 532 4 51	DBF	homólogo de DBF4 (S. cerevisiae)
Cfa. 15548.1.A1 en	3.75E-03	1.62E-02	0.75	PREDICHO: Gen SNM1 reparador de entrecruzamiento de ADN de Macaca mulatta (DCLRE1A); ARNm	XM 001 090 942	DCLR E1A	reparador 1A de entrecruzamiento de ADN (homólogo de PSO2, S. cerevisiae)
Cfa. 16555.1. S1 en	2.51E-02	3.51E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar coactivador de transcripción 1 que interactúa con el homólogo 4 de MAD; variante transcripta 1 (LOC607346); ARNm	XM 844 3 90	DCP1 A	homólogo A de la enzima que descapsula DCP1 (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1807.1. S1 en	2.30E-04	9.06E-03	0.71	PREDICHO; Canis familiaris similar a isoforma 2 de dinactina 3; variante transcripta 1 (LOC474750); ARNm	XM 531 9 81	DCT N3	dinactina 3 (p22)
Cfa Affx. 3820.1. S1 en	1.14E-04	8.90E-03	0.74	PREDICHO; Canis familiaris similar a isoforma 2 de dinactina 3; variante transcripta 1 (LOC474750); ARNm	XM 531 9 81	DCT N3	dinactina 3 (p22)
Cfa Affx. 10737.1. S1 s en	6.39E-04	1.05E-02	0.77	PREDICHO; Canis familiaris similar a la subunidad 6 de dinactina (subunidad p27 de dinactina) (proteína WS-3) (LOC475600); ARNm	XM 532 8 16	DCT N3	dinactina 6
Cfa. 5351.1.A1 en	1.08E-03	1.20E-02	0.73	PREDICHO: Dominio de DDHD de Pan troglodytes que contiene 2 (DDHD2): ARNm	XM 519 7 11	DDH D2	Dominio de DDHD que contiene 2
Cfa Affx. 6502.1. S1 s en	2.17E-04	9.06E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido de caja DEAD (Asp-Glu-Ala-ASP); variante transcripta 2 (LOC475671); ARNm	XM 843 7 72	DDX1	polipéptido 1 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa. 17424.1. S1 s en	8.76E-03	2.18E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la probable helicasa 27 dependiente de ARN (proteína p72 de caja de DEAD) (proteína p17 de caja de DEAD); variante transcripta 10 (LOC474508); ARNm	XM 855 5 14	DDX1 7	polipéptido 17 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa. 11665.1.A1 en	3.66E-04	9.61E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a DDX similar a proteína; variante transcripta 1 (LOC479658); ARNm	XM 536 7 90	DDX1 9A	polipéptido 19A de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa. 5340.1.A1 s en	6.24E-03	1.89E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del polipéptido 39 de caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) (LOC476689); ARNm	XM 533 8 95	DDX3 9	polipéptido 39 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 25064.1. S1 en	Affx. 9.61E-04	1.16E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del polipéptido 39 de caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) (LOC476689); ARNm	XM 533 8 95	DDX3 9	polipéptido 39 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa 22006.1. S1 s en	Affx. 9.94E-03	2.30E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 de la caja DEAD; cromosómica X (proteína 2 similar a helicasa) (HGLP2) (caja de DEAD; isoforma X); variante transcripta 4 (LOC480886); ARNm	XM 856 2 07	DDX3 X	polipéptido 3 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp), enlazado a X
Cfa. 19989.1.	6.74E-03	1.95E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 de la caja DEAD; cromosómica X (proteína 2 similar a helicasa) (HGLP2) (caja de DEAD; isoforma X); variante transcripta 8 (LOC480886); ARNm	XM 856 3 56	DDX3 X	polipéptido 3 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp), enlazado a X
Cfa 20479.1. S1 s en	Affx. 5.06E-04	1.00E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 del polipéptido 47 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp); variante transcripta 2 (LOC477691); ARNm	XM 861 7 47	DDX4 7	polipéptido 47 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa 21291.1. S1 s en	Affx. 1.45E-02	2.70E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína GU2 nucleolar; variante transcripta 4 (LOC612801); ARNm	XM 855 7 30	DDX5 0	polipéptido 50 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
CfaAffx12074.1. S1 s en	1.76E-03	1.30E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de membrana de vesícula cubierta; variante transcripta 2 (LOC486246); ARNm	XM 852 8 56	DDX5 5	polipéptido 55 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa 3613.1. S1 en	Affx. 3.75E-02	4.34E-02	0.73	PREDICHO: Polipéptido 58 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) de Equus caballus (DDX58); ARNm	XM 001 4 978 45	DDX5 8	polipéptido 58 de la caja de DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 14220.1.S1 s en	Affx. 1 s en	4.42E-03	1.70E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al 2;4-dienoil-reductasa; precursor mitocondrial (2;4-dienoil-CoA reductasa [NADPH] (4-enoil-CoA reductasa [NADPH]) (loc477938); ARNm	XM 535 1 27	DEC R1	reductasa 1 de 2.4-dienoil CoA, mitocondrial
Cfa. 10449.1.S1 s en		6.60E-04	1.06E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la desoxirribosafosfato aldeolasa putativa (fosfodesoxiriboaldoasa) (desoxiriboaldoasa) (DERA) (LOC 477684); ARNm	XM 534 8 79	DER A	homólogo de 2-desoxiribosi-5-fosfato aldolasa (C. elegans)
CfaAffx19551.1.S1 en		8.60E-04	1.13E-02	1.31	GG20584 de Drosophila erecta (Dere\GG20584); ARNm	XM 001 9 753 57	Dere-/G G205 84	producto del gen FF20584 de GG20584-RA transcripto
Cfa 2368.1.S1 s en	Affx. S1 s en	1.07E-03	1.20E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia del dominio similar a Der1; miembro 1 (LOC475086); ARNm	XM 220 53	DERL 1	familia del dominio similar a Der1, miembro 1
Cfa. 3368.1.S1 en		4.91E - 03	1.75E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia del dominio similar a Der1; miembro 2 (LOC606991); ARNm	XM 843 2 61	DERL 2	familia de dominio similar a Derk1, miembro 2
Cfa 23819.1.S1 s en	Affx. S1 s en	2.82E-03	1.48E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia del dominio similar a Der1; miembro 2 (LOC606991); ARNm	XM 843 2 61	DERL 2	familia de dominio similar a Derk1, miembro 2
Cfa. 11317.1.A1 s en		5.27E-03	1.79E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la helicasa de ARN del factor de empalme de pre-ARN putativo (proteína 15 de caja de DEA); variante transcripta 9 (LOC488856); ARNm	XM 858 9 70	DHX1 5	polipéptido 1 de caja de DEAH (Asp-Glu-Ala-His)
Cfa. 2263.1.A1 s en		4.26E-03	1.68E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido 29 de la caja de DEAH (Asp-Glu-Ala-His) (LOC478060); ARNm	XM 535 2 38	DHX2 9	polipéptido 29 de caja de DEAH (Asp-Glu-Ala-His)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1875.1. S1 en	1.11E-02	2.40E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a interrumpido en carcinoma 2 renal (LOC478588); ARNm	XM 535 7 64	DIRC 2	interrumpido en carcinoma 2 renal
Cfa Affx. 8460.1. S1 s en	6.77E-04	1.07E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a KIAA1008 (loc485491); ARNm	XM 542 6 10	DIS3	homólogo de control mitótico DIS3 (S. cerevisiae)
Cfa. 429.1.A1 en	2.67E-02	3.62E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar CG6413-PA (loc478346); ARNm	XM 535 5 20	DIS3 L	homólogo de control mitótico DIS3 (S. cerevisiae)
Cfa. 862.1. S1 s en	1.75E-02	2.95E-02	0.69	Dihidropilamida deshidrogenasa de Canis lupus familiaris (DLD); ARNm	NM 001 0 032 94	DLD	Dihidropilamida deshidrogenasa
Cfa Affx. 14460.1. S1 s en	6.18E-02	5.73E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a dimetilglicina deshidrogenasa; precursor mitocondrial (MEZGLYDH) (LOC488935); ARNm	XM 546 0 52	DMG DH	dimetilglicina deshidrogenasa
Cfa. 20980.1. S1 s en	1.49E-02	2.74E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del miembro 8 de la subfamilia B homólogo de DnaJ (proteína 3 de dnaJ asociada con ER) (cochaperona Hsp40 asociada con ER) (hDJ9) (proteína 4 que interactúa con PWP1) (LOC478654); ARNm	XM 535 8 34	DNAJ B11	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 11
Cfa. 22335.1. S1 s en	1.51E-02	2.75E-02	0.67	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 12; variante transcripta 6 (LOC489039); ARNm	XM 856 8 92	DNAJ B12	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 12
Cfa. 406.1. S1 en	5.56E-03	1.82E-02	0.71	PREDICHO. Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 14; variante transcripta 3 (LOC471258); ARNm	XM 001 1 678 56	DNAJ B14	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 14

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10963.1.A1 s en	1.43E-03	1.25E-02	0.77	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 14; isoforma 2 (LOC487875); ARNm	XM 544 9 97	DNAJ B14	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 14
Cfa. 3079.1. S1 en	6.55E-03	1.94E-02	0.76	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 6; variante transcrita 3 (LOC608937); ARNm	XM 856 5 69	DNAJ B6	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 6
Cfa. 17880.2.S1 s en	1.18E-03	1.21E-02	0.73	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 9; (LOC475286); ARNm	XM 532 5 18	DNAJ B9	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia B, miembro 9
Cfa Afx. 22084.1. S1 s en	5.87E-03	1.86E-02	0.77	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 10; variante transcrita 1 (LOC478826); ARNm	XM 535 9 88	DNAJ C10	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 10
Cfa Afx. 1082.1. S1 s en	1.11E-03	1.20E-02	0.73	PREDICHO. Canis familiaris similar al receptor de dopamina que interactúa con proteína (LOC474392); ARNm	XM 531 6 25	DNAJ C14	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 14
Cfa Afx. 1085.1. S1 s en	2.30E-02	3.35E-02	0.69	PREDICHO. Canis familiaris similar al receptor de dopamina que interactúa con proteína (LOC474392); ARNm	XM 531 6 25	DNAJ C14	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 14
Cfa. 7675.1.A1 en	2.63E-03	1.45E-02	0.74	PREDICHO. Canis familiaris similar a que contiene el dominio de DNAJ (LOC476930); ARNm	XM 534 1 31	DNAJ C15	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 15
Cfa. 16320.1.A1 s en	1.96E-03	1.33E-02	0.68	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40) subfamilia C, miembro 3 (LOC476966); ARNm	XM 534 1 66	DNAJ C3	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 7924.1.A1 s en	7.41E-02	6.34E-02	0.76	PREDICHO. Canis familiaris similar al homólogo de DnaJ (Hsp40) subfamilia C, miembro 73 (LOC480519); ARNm	XM 537 6 39	DNAJ C7	homólogo de DnaJ (Hsp40), subfamilia C, miembro 7
Cfa. 1508.1.A1 en	2.08E-02	3.20E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor 1 similar a desoxirribonucleasa I (1 similar a Dnasa I) (similar a Dnasa I específico de músculo) (Dnasa X) (XIB); variante transcripta 1 (LOC492250); ARNm	XM 549 3 70	DNA SE1L 1	1 similar a desoxirribonucleasa I
Cfa. 4392.1. S1 en	1.22E-03	1.22E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de alfa desoxirribonucleasa II (alfa Dnasa II) (Dnasa ácido) (Dnasa II lisosomal) (LOC476697); ARNm	XM 533 9 02	DNA SE2	desoxirribonucleasa II, lisosomal
Cfa Affx. 28094.1. S1 s en	4.17E-03	1.67E-02	0.76	3l dedicante de ciroquinesis II; variante transcripta 1 (LOC492089); ARNm	XM 549 2 11	DOC K11	dedicante de citoquinesis 11
Cfa Affx. 14677.1. S1 en	9.21E-04	1.15E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al vecino corriente abajo de la proteína SON (B17) (LOC478407); ARNm	XM 535 5 84	DON SON	vecino corriente abajo de SON
Cfa Affx. 30709.1. S1 s en	1.95E-02	3.11E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de dihidropirimidina deshidrogenasa [NADP+] (DPD) (DHPDHasa) (Dihidouracilo deshidrogenasa) (Dihidrotiamina deshidrogenasa) (LOC479935); ARNm	XM 537 0 61	DPY D	dihidropirimidina deshidrogenasa
Cfa Affx. 26960.1. S1 en	4.94E-07	6.68E-03	1.33	cds completo de FLJ75585 de ADNc de Homo sapiens similar a proteína 2 relacionada con la distrofina de Homo sapiens (DRP2); ARNm	AK2 898 25	DRP2	proteína 2 relacionada con la distrofina

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12509.1.A1 s en	1.07E-02	2.36E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno de carcinoma de células escamosas reconocidas por las células T 2 (LOC476271); ARNm	XM 533 4 77	DSE	dermatan sulfato epimerasa
Cfa. 8933.1.A1 en	2.45E-02	3.46E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de fosfatasa 6 de especificidad dual; variante transcripta 1 (LOC482594); ARNm	XM 539 7 11	DUS P6	fosfatasa 6 de especificidad dual
Cfa. 4000.1.A1 s en	4.93E-03	1.75E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Desoxiuridina 5-trifosfato nucleotidohidrolasa; precursor mitocondrial (dUYPasa) (dUTP pirofosfatasa) (LOC609526); ARNm	XM 846 7 96	DUT	Desoxiuridina trifosfatasa
Cfa Affx. 18048.1. S1 en	3.56E-04	9.58E-03	1.39	Drosophila virilis GJ11817 (Dvir\GJ11817); ARNm	XM 002 0 514 76	Dvir/ GJ11 817	producto del gen GJ11817 de GJ11817-RA transcripta
Cfa Affx. 9020.1. S1 s en	2.49E-04	9.06E-03	0.7	ILEGIBLE citoplásmica 1; cadena 1 intermediara ligera; ARNm (clon de ADNc MGC: 137616 IMAGEN: 8162469); cds completo	BC1 126 21	DYN C1LI1	dineína, citoplásmica 1, cadena 1 de intermedio ligero
Cfa. 11109.1.A1 en	1.01E-03	1.17E-02	0.7	PREDICHO: Dineína de Macaca mulatta; citoplásmica; polipéptido intermediario ligero 2 (DYNCILI2); ARNm	XM 001 0 854 68	DYN C1LI2	dineína, citoplásmica 1, cadena 2 de intermedio ligero
Cfa Affx. 13960.1. S1 s en	8.95E-03	2.20E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a ADNC de RIKEN 180011o16; variante transcripta 4 (LOC490647); ARNm	XM 856 3 54	EAPP	fosfoproteína asociada a E2F
Cfa. 212.1.A1 s en	3.60E-02	4.25E-02	0.73	ARNc RCAS1 de Canis familiaris para el receptor que enlaza al antígeno de cáncer; cds completo	AB0 833 66	EBA G9	estrógeno receptor que enlaza al sitio asociado; antígeno, 9

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3338.1.A1 en	1.56E-02	2.80E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la probable ARNr que procesa la proteína EBP2 (EBNA1 que enlaza la proteína 2) (proteína p40 Nucleolar) (LOC475391); ARNm	XM 848 3 82	EBNA 1BP2	EBNA1 que enlaza la proteína 2
Cfa. 3338.1.A1 s en	2.56E-03	1.44E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la probable ARNr que procesa la proteína EBP2 (EBNA1 que enlaza la proteína 2) (proteína p40 Nucleolar) (LOC475391); ARNm	XM 848 3 82	EBNA 1BP2	EBNA1 que enlaza la proteína 2
Cfa. 2077.1.A1 en	9.76E-04	1.16E-02	0.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína SGT1 (hSGT1) (Supresor de GCR2) (LOC479244); ARNm	XM 536 3 86	ECD	homólogo sin ecdisona (Drosophila)
Cfa. 14431.1.A1 en	4.94E-03	1.75E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 similar a manosidasa que potencia la degradación de ER; variante transcripta 2 (LOC477209); ARNm	XM 859 9 88	EDE M2	potenciador de la degradación de ER, 2 similar a alfa manosidasa
Cfa. 2977.1.A1 s en	2.23E-02	3.31E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 similar a manosidasa que potencia la degradación de ER; variante transcripta 9 (LOC477209); ARNm	XM 859 2 74	EDE M2	potenciador de la degradación de ER, 2 similar a alfa manosidasa
Cfa. 19497.1.S1 en	2.11E-03	1.36E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno 1 de endosoma temprano de Pan troglodytes; 162kD (EEA1); ARNm	XM 522 6 10	EEA1	antígeno 1 de endosoma temprano
Cfa. 10198-1.A1 s en	2.21E-03	1.37E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al desarrollo ectodermo embrionario; variante transcripta 4 (LOC476779); ARNm	XM 852 5 71	EED	desarrollo ectodermo embrionario

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2866.1. S1 s en	Affx. 3.61E-03	1.60E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 delta de elongación de traslación eucariótica; variante transcripta 1 (LOC475115); ARNm	XM 532 3 45	EEF1 D	factor 1 delta de elongación de traslación eucariótica (proteína de intercambio nucleótido de guanina)
Cfa. 11745.1.A1 s en	Affx. 2.11E-04	9.06E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 epsilon-1 de elongación de traslación eucariótica; componente p18 auxiliar del complejo de Multisintetasa) (factor p18 de elongación) (LOC478717); ARNm	XM 535 8 82	EEF1 E1	factor 1 epsilon-1 de elongación de traslación eucariótica
Cfa. 28979.1. S1 s en	Affx. 2.46E-03	1.41E-02	1.45	PREDICHO: LOC480634 hipotético de Canis familiaris (LOC480634); ARNm	XM 537 7 54	EFCA B5	dominio 5 enlazante de calcio de mano de EF
Cfa. 18530.1. S1 s en	Affx. 1.12E-02	2.40E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de dominio de mano de EF; miembro A1 (LOC486044); ARNm	XM 543 1 70	EFHA 1	familia de dominio de mano de EF; miembro A1
Cfa. 18906.1. S1 s en	Affx. 4.84E-03	1.75E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad epsilon del factor eIF-2B de iniciación de traslación (factor de cambio de eIF-2B GDP-GTP); variante transcripta 3 (LOC488103); ARNm	XM 852 4 30	EIF2 B5	factor 2B de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 5 epsilon, 82kDa
Cfa. 19645.1. S1 s en	Affx. 9.66E-04	1.16E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al subunidad 1 del factor 2 de iniciación de traslación eucariótica (subunidad alfa del factor 2 de iniciación de traslación eucariótica) (eIF-2-alfa) (EIF-Zalfa) EIF-2A) (LOC480361); ARNm	XM 537 4 85	EIF2 S1	factor de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 1 alfa, 35kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 304.1.A1 s en	2.38E-04	9.06E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al subunidad 2 del factor 2 de iniciación de traslación eucariótica (subunidad beta del factor 2 de iniciación de traslación eucariótica) (eIF-2-beta) ; variante transcripta 7 (LOC477197); ARNm	XM 858 3 44	EIF2 S2	factor 2 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 2 beta, 38kDa
Cfa. 14462.2.S1 s en	4.07E-04	9.68E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 6 (predicha); variante transcripta 2 (LOC475070); ARNm	XM 532 3 04	EIF3 E	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad E
Cfa Affx. 1984.1. S1 s en	4.14E-03	1.67E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 6 (predicha); variante transcripta 4 (LOC475070); ARNm	XM 854 8 53	EIF3 E	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad E
Cfa Affx. 2153.1. S1 s en	3.35E-04	9.28E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 3 gamma 40kDa; variante transcripta 6 (LOC475081); ARNm	XM 855 8 36	EIF3 H	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad H
Cfa. 1036.1. S1 en	3.90E-04	9.61E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 2 del factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; 2 (eIF-3 beta) (eIF3 p36) (eIF3i) (receptor de TGF-beta que interactúa con la proteína 1) (TRIP-1) (LOC478152); ARNm	XM 535 3 28	EIF3I	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad I
Cfa Affx. 16721.1. S1 s en	8.60E-06	6.68E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 2 del factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; 2 (eIF-3 beta) (eIF3 p36) (eIF3i) (receptor de TGF-beta que interactúa con la proteína 1) (TRIP-1) (LOC478152); ARNm	XM 535 3 28	EIF3I	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad I

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11166.2.S1 s en	4.05E-04	9.68E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 1 del factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; (eIF-3 alfa) (LOC487532); ARNm	XM 544 6 56	EIF3J	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad J
Cfa Affx. 11955.1. S1 s en	1.64E-03	1.28E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor B5 (LOC475950); ARNm	XM 533 1 60	EIF3M	factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad M
Cfa. 1317.1.A1 en	2.30E-03	1.39E-02	0.73	PREDICHO: factor 4 gamma de iniciación de traslación eucarótica de Pan troglodytes; 3 (EIF4G3); ARNm	XM 001 1 650 83	EIF4G3	factor 4 gamma de iniciación de traslación eucariótica; 3
Cfa Affx. 27903.1. S1 s en	5.88E-04	1.03E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 5 de iniciación de traslación eucarótica; variante transcripta 5 (LOC480442); ARNm	XM 863 5 19	EIF5	factor 5 de iniciación de traslación eucariótica
Cfa. 15358.1.A1 en	7.88E-04	1.10E-02	0.63	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor ELL2 de elongación de polimerasa II de ARN; variante transcripta 1 (LOC488899); ARNm	XM 546 0 16	ELL2	factor de elongación; polimerasa II de ARN, 2
Cfa. 17202.1. S1 en	4.69E-03	1.73E-02	0.74	Miembro 5 de la familia de Bos taurus; elongación de ácidos grasos de cadena larga; (FEN1/Eio2; similar a SUR4/Elo3; levadura(ARNm (Clon de ADNc MGC:128086 IMAGEN:7988977); cds completo	BC1 053 91	ELOVL5	miembro 5 de la familia ELOVL, elongación de ácidos grasos de cadena larga (FEN1/Eio2, similar a SUR4/Elo3, levadura)
Cfa Affx. 4290.1. S1 s en	5.85E-02	5.56E-02	0.74	ARNm de Pongo abelii; DKFZp469MO522 de ADNc (del clon DKFZp469MO522)	CR 857 140	ELOVL5	miembro 5 de la familia ELOVL, elongación de ácidos grasos de cadena larga (FEN1/Eio2, similar a SUR4/Elo3, levadura)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10492.1.A1 en	3.35E-03	1.56E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 elongadora (LOC480158); ARNm	XM 537 2 81	ELP2	homólogo de la proteína 2 de elongación (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 22271.1. S1 s en	8.63E-04	1.13E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína NEP1 de biogénesis de ribosoma probable (proteína C2f); variante transcripta 2 (LOC477708); ARNm	XM 848 2 80	EMG 1	homólogo de la proteína nucleolar de EMG1 (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 3948.1. S1 en	1.60E-02	2.84E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 5 (función putativa) (LOC481824); ARNm	XM 538 9 45	ENPP 5	ectonucleótido pirofosfatasa/fosfodiesterasa 5 (función putativa)
Cfa Affx. 31149.1. S1 en	3.65E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: Mus musculus similar al factor 2 de transporte nuclear (LOC100043462); ARNm	XM 001 4 805 85	ENS MU SG00 00 0071 497	gen predicho, ENSMUSG0000007 1497
Cfa. 4059.1.A1 en	9.53E-02	7.38E-02	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína 1 relacionada con endimina mamaria (MERP-1) (proteína UCCI1) (LOC609403); ARNm	XM 846 6 51	EPD R1	proteína 1 relacionada con endimina (pez cebra)
Cfa. 222.1. S1 s en	1.77E-04	9.00E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a glutamil-prolil ARNt sintetasa; variante transcripta 2 (LO478962); ARNm	XM 844 3 75	EPRS	glutamil-prolil ARNt sintetasa
Cfa Affx. 12177.1. S1 s en	2.01E-02	3.15E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 7 de proteína que interactúa con ERBB2 (LOC478082); ARNm	XM 535 2 60	ERBB 2IP	proteína que interactúa con ERBB2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 12926.1. S1 s en	Affx. 3.88E-03	1.63E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno NY-BR-84 de cáncer de seno definido serológicamente; variante transcripta 3 (LOC477212); ARNm	XM 859 4 89	ERGI C3	ERGIC y golgi 3
Cfa11513.2.A1 en	2.52E-04	9.06E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al potenciador de homólogo rudimentario (LOC480371); ARNm	XM 537 4 93	ERH	potenciador de homólogo rudimentario (Drosophila)
Cfa 25345.1. S1 s en	1.17E-04	8.90E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al potenciador de homólogo rudimentario (LOC480371); ARNm	XM 537 4 93	ERH	potenciador de homólogo rudimentario (Drosophila)
Cfa. 3168.1.A1 en	5.00E-03	1.76E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína 29 de retículo endoplásmica (LOC477482); ARNm	XM 848 5 84	ERP2 9	proteína 29 de retículo endoplásmico
Cfa 7652.1. S1 s en	2.05E-03	1.35E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a esterasa D/formilglutaciona hidrolasa; variante transcripta 1 (LOC607116); ARNm	XM 843 2 76	ESD	esterasa D/formilglutaciona hidrolasa
Cfa 5785.1. S1 en	1.78E-03	1.30E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína ETAA16 (LOC474521); ARNm	XM 531 8 51	ETAA 1	antígeno 1 asociado con el tumor de Ewing
Cfa. 10372.1. S1 en	1.26E-03	1.23E-02	0.69	PREDICHO: Factor 1 de terminación de traslación eucarótica de Equus caballus (ETF1); ARNm	XM 001 5 025 37	ETF1	Factor 1 de terminación de traslación eucarótica
Cfa. 15333.1. S1 s en	8.20E-04	1.10E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad alfa de flavoproteína de transferencia de electrón; precursor mitocondrial (Alfa-ETF); variante transcripta 1 (LOC610134); ARNm	XM 848 2 94	ETFA	flavoproteína de transferencia de electrón, alfa polipéptido

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20483.1. S1 s en	4.91E-03	1.75E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad alfa de flavoproteína de transferencia de electrón; precursor mitocondrial (Alfa-ETF); variante transcripta 2 (LOC610134); ARNm	XM 862 1 72	ETFA	flavoproteína de transferencia de electrón, polipéptido
Cfa. 6564.1. S1 s en	1.12E-03	1.20E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la flavoproteína de transferencia de electrón; isoforma 1 de beta polipéptido; variante transcripta 1 (LOC476400); ARNm	XM 533 6 03	ETFB	flavoproteína de transferencia de electrón, polipéptido
Cfa. 11262.1.A1 en	1.53E-02	2.76E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la flavoproteína-ubiquinona oxirreductasa de transferencia de electrón; precursor mitocondrial (ETF-QO) (ubiquinona reductasa de ETF) deshidrogenasa de ETF (flavoproteína deshidrogenas que transfiere electrones); variante transcripta 1 (LOC475480); ARNm	XM 532 7 03	ETFD H	flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones
Cfa Affx. 18327.1. S1 en	3.70E-03	1.61E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo exocista subunidad 84-kDa (LOC488973); ARNm	XM 546 0 91	EXO C8	componente 8 del complejo exocista
Cfa. 2745.1.A1 s en	5.98E-03	1.87E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo de exosoma exonucleasa RRP42 (ARN ribosomal que procesa la proteína 42) (componente 7 de exosoma) (p8); variante transcripta 1 (LOC476654); ARNm	XM 533 8 58	EXO SC7	componente 7 de exosoma

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19340.1. S1 s en	4.18E-03	1.67E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo de exosoma exonucleasa RRP43 (ARN ribosomal que procesa la proteína 43) (componente 8 de exosoma) (p9); (proteína 2 que interactúa con Opa); variante transcripta 1 (LOC477300); ARNm	XM 534 4 92	ESO SC8	componente 8 de exosoma
Cfa Affx. 10167.1. S1 en	1.25E-03	1.23E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo de exosoma exonucleasa RRP43 (ARN ribosomal que procesa la proteína 43) (componente 8 de exosoma) (p9); (proteína 2 que interactúa con Opa); variante transcripta 1 (LOC477300); ARNm	XM 534 4 92	EXO SC8	componente 8 de exosoma
Cfa. 11712.1.A1 en	2.53E-02	3.52E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a exostosina 1 (Glucuronisil-N-acetilglucosaminil-proteoglicano/N-acetilglucosaminiltransferasa) (proteína EXT1 de supresor de tumor putativo) (proteína 1 de exostosos múltiple); variante transcripta 2 (LOC482024); ARNm	XM 856 0 04	EXT1	exostosis (múltiple) 1
Cfa. 19919.1. S1 en	4.68E-02	4.91E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a 2 similar a exostosina (Glucoronil-galactosil-proteoglicano 4-alfa-N-acetilglucosaminiltransferasa) (Alfa-1;4-N-acetilexosaminiltransferasa EXT2) (Alfa-GalNAcT EXTL2) (proteína 2 relacionada con EXT) (LOC479925); ARNm	XM 537 0 51	EXTL 2	2 similar a exostosis (múltiple)
Cfa Affx. 1916.1. S1 s en	3.45E-02	4.16E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ezrina (p81) (Citovilina) (Vilina-2); variante transcripta 5 (LOC484056); ARNm	XM 857 3 39	EZR	ezrina

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 15480.2.A1 s en	8.70E-03	2.17E-02	1.4	ARNm de protrombina de Sus scrofa; cds completo	EF6 926 42	F2	factor II de coagulación
Cfa Affx. 11994.1. S1 en	9.05E-03	2.21E-02	1.47	Proteína enlazante de ácido graso de Canis familiaris (FABP); ARNm	XM 532 9 66	FABP 1	proteína 1 enlazante de ácido graso, hígado
Cfa Affx. 109.1. S1 s en	5.45E-02	5.34E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína enlazante de ácido graso; epidermal (E-FABP) (homólogo de la proteína enlazante de ácido graso asociada con la psoriasis) (PA-FBP) (LOC477923); ARNm	XM 535 1 12	FABP 5L2	2 similar a proteína 5 enlazante de ácido graso
Cfa Affx. 12220.1. S1 en	3.12E-02	3.93E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la molécula 1 inhibidora apoptótica de Fas (rFAIM) (LOC485687); ARNm	XM 542 8 07	FAIM	molécula inhibidora apoptótica de Fas
Cfa. 2943.1.A1 en	1.02E-02	2.32E-02	0.74	ILEGIBLE - similitud de secuencia 122B; ARNm (Clon de ADNc MGC: 155300 IMAGEN: 8504472); cds completo	BC1 333 83	FAM1 22B	familia con similitud 122B de secuencia
CfaAffx18805.1. S1 en	1.28E-02	2.56E-02	0.76	ARNm de Pongo abelii; ADNc DKFZp459C1125 (del clon DKFZp459C1125)	CR 859 515	FAM1 26B	familia con similitud 126 de secuencia, miembro B
Cfa. 1879.1. S1 s en	2.30E-03	1.39E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de esterilidad masculina que contiene 2; variante transcrita 1 (LOC476863); ARNm	XM 534 0 66	FAR1	reductasa 1 de acilCoA graso
Cfa. 4911.1.A1 en	4.87E-04	1.00E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a cadena beta de fenilalanil-tARN sintetasa (cadena beta de ligasa de fenilalanina--tARN) (PheR5); variante transcrita 3 (LOC478936); ARNm	XM 858 9 52	FARS B	enilalanil-tARN sintetasa, subunidad beta

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8841.1.A1 s en	6.91E-03	1.97E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a fibrilarina (LOC476460); ARNm	XM 533 6 71	FBL	fibrilarina
Cfa. 18553.1. S1 s en	4.13E-03	1.67E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F e isoforma 1 de proteína 5 de repetición rica en leucina (LOC479085); ARNm	XM 536 2 32	FBXL 5	Caja F y proteína 5 de repetición rica en leucina
Cfa Affx. 23557.1. S1 s en	2.40E-03	1.40E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F e isoforma 1 de proteína 5 de repetición rica en leucina (LOC479085); ARNm	XM 536 2 32	FBXL 5	Caja F y proteína 5 de repetición rica en leucina
Cfa Affx. 25379.1. S1 en	5.59E-02	5.42E-02	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 solamente de la caja F (LOC478231); ARNm	XM 535 4 06	FBXO 2	proteína 2 de la caja F
Cfa. 5036.1.A1 s en	2.32E-04	9.06-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de proteína 22 solamente de la caja F (LO487672); ARNm	XM 544 7 96	FBXO 22	proteína 22 de la caja F
Cfa. 19659.1.A1 en	1.69E-02	2.91E-02	0.75	PREDICHO: proteína LOC735792 hipotética de Pan troglodytes (LOC735792); ARNm	XM 001 1 352 77	FBXO 28	proteína 28 de la caja F
Cfa. 19071.1. S1 s en	2.23E-02	3.31E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 de la proteína 4 solamente de la caja F (LOC489220); ARNm	XM 546 3 38	FBXO 4	proteína 4 de la caja F
Cfa. 173.1.A1 s en	9.18E-03	2.22E-02	0.77	PREDICHO: receptor 1 Fc gamma de IgG de alta afinidad de Canis familiaris	XM 850 4 58	FCG R1A	fragmento de Fc de IgG, alta afinidad la, receptor (CD64)
Cfa. 2873.1.A1 en	5.75E-04	1.03E-02	0.76	ARNm de KIAA0396 de homo sapiens; cds parcial	AB0 078 56	FEM1 B	homólogo b de 1 de fem (C. elegans)
Cfa. 1780.1. S1 en	6.67E-03	1.95E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a endonucleasa 1 específica de estructura de colgajo; variante transcripta 1 (LOC476063); ARNm	XM 533 2 71	FEN1	endonucleasa específica de estructura de colgajo

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 7269.1.A1 a en	2.71E-02	3.65E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína zeta 2 de fasciculación y elongación (zyng II); variante transcripta 3 (LOC483031); ARNm	XM 858 0 68	FEZ2	proteína zeta 2 de fasciculación y elongación (zyng II)
Cfa. 11696.1.A1 s en	3.53E-03	1.59E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Fumarata hidratasa; precursor mitocondrial (Fumarasa); variante transcripta 3 (LOC480092); ARNm	XM 857 9 11	FH	Fumarata hidratasa
Cfa Afx. 24074.1. S1 en	2.68E-04	9.11E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a Fumarata hidratasa; precursor mitocondrial (Fumarasa); variante transcripta 3 (LOC480092); ARNm	XM 857 9 11	FH	Fumarata hidratasa
Cfa. 4181.1.A1 s en	7.33E-04	1.08E-02	0.75	PREDICHO; Canis familiaris similar al precursor de proteína 2 enlazante de FK506 (peptidil-prolil cis trans isomerasa) (PPlasa) (Rotamasa) (13 kDa FKBP) (FKBP-13); variante transcripta 2 (LOC483764); ARNm	XM 848 2 02	FKBP 2	proteína 2 enlazante de FK506, 13kDa
Cfa. 4497.1. S1 en	8.58E-02	6.93E-02	1.31	PREDICHO; Canis familiaris similar a proteína 8 enlazante de FK506 (LOC484819); ARNm	XM 541 9 35	FKBP 8	proteína 8 enlazante de FK506, 38kDa
Cfa Afx. 22733.1. S1 s en	7.05E-02	6.18E-02	1.42	PREDICHO; Canis familiaris similar a proteína 8 enlazante de FK506 (LOC484819); ARNm	XM 541 9 35	FKBP 8	proteína 8 enlazante de FK506, 38kDa
Cfa Afx. 1629.1. S1 s en	1.28E-02	2.55E-02	0.77	PREDICHO; Canis familiaris similar a flotilina-1, variante transcripta 6 (LOC474831); ARNm	XM 852 1 18	FLOT 1	flotilina 1
Cfa Afx. 9682.1. S1 s en	8.81E-05	8.90E-03	1.32	PREDICHO; Canis familiaris similar a isoforma B de 2 similar a formina (LOC608337); ARNm	XM 533 3 58	FMNL 2	2 similar a formina

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 20168.1. S1 s en	Affx. 6.95E-02	6.13E-02	1.33	PREDICHO; Canis familiaris similar a fructosamina 3 quinasa (LOC608337); ARNm	XM 845 3 29	FN3K	fructosamina 3 quinasa	3
Cfa 13224.1. S1 en	Affx. 7.10E-05	8.52E-03	1.34	PREDICHO; Canis familiaris similar a formina que enlaza la proteína 4 (LOC483619); ARNm	XM 540 7 39	FNBP 4	formina que enlaza la proteína 4	4
Cfa 9617.1. S1 s en	Affx. 5.31E-02	5.28E-02	0.77	PREDICHO; Canis familiaris similar al precursor beta del receptor de folato (FR-beta) (receptor 2 de folato; fetal/placentaria) (proteína enlazante de folato placentaria) (FBP) (LOC476816); ARNm	XM 534 0 20	FOLR 2	receptor 2 de folato (fetal)	
Cfa 11576.1. S1 en	Affx. 2.55E-03	1.44E-02	0.76	PREDICHO; Canis familiaris similar a la proteína FRG1 (proteína del gen 1 de región de FSHD) (LOC482899); ARNm	XM 540 0 14	FRG1	gen 1 de región de FSHD	
Cfa. 14681.1.A1 s en	Affx. 2.80E-04	9.14E-03	1.36	PREDICHO; Canis familiaris similar a fibronectina tipo III y dominio SPRY que contiene 1; variante transcripta 2 (LOC476743); ARNm	XM 533 9 48	FSD1	fibronectina tipo III y dominio SPRY que contiene 1	
Cfa 31175.1. S1 en	Affx. 3.33E-03	1.55E-02	1.6	PREDICHO; Canis familiaris similar a elemento de corriente arriba de Far que enlaza la proteína 1 (FUSE que enlaza la proteína 1) (FBP) (helicasa V de ADN) (HDH V); variante transcripta 6 (LOC490201); ARNm	XM 862 6 32	FUBP 1	elemento de corriente arriba de Far (FUSE) que enlaza la proteína 1	
Cfa 31174.1. S1 en	Affx. 3.72E-02	4.33E-02	0.76	PREDICHO; Canis familiaris similar a elemento de corriente arriba de Far que enlaza la proteína 1 (FUSE que enlaza la proteína 1) (FBP) (helicasa V de ADN) (HDH V); variante transcripta 6 (LOC490201); ARNm	XM 862 7 53	FUBP 1	elemento de corriente arriba de Far (FUSE) que enlaza la proteína 1	

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19777.1. S1 s en	1.69E-03	1.29E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma b de proteína 1 relacionada con retardo mental X frágil; variante transcripta 12 (LOC478642); ARNm	XM 851 3 95	FXR1	retardo mental X frágil, homólogo autosomal 1
Cfa Affx. 27301.1. S1 s en	1.36E-04	8.90E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína que activa la Ras-GTPasa que enlaza la proteína 1 (dominio de GAP SH3 que enlaza la proteína 1) (G3BP-1) helicasa VIII de ADN) (HDH-VIII); variante transcripta 3 (LOC479322); ARNm	XM 862 2 69	G3BP 1	GTPasa que activa la proteína (dominio SH3) enlazante de la proteína 1
Cfa Affx. 13299.1. S1 s en	4.61E-03	1.72E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína que activa la Ras-GTPasa que activa la proteína (dominio de SH3 que enlaza la proteína 2 isoforma a; variante transcripta 7 (LOC478429); ARNm	XM 851 0 19	G3BP 2	GTPasa que activa la proteína (dominio SH3) enlazante de la proteína 2
Cfa. 20087.1. S1 s en	2.07E-02	3.19E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 3; variante transcripta 1 (LOC478774); ARNm	XM 535 9 40	GALN T3	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina, polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 3 (GalNAcT3)
Cfa Affx. 17476.1. S1 en	3.84E-02	4.41E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 3; variante transcripta 2 (LOC478774); ARNm	XM 853 6 27	GALN T3	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina, polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 3 (GalNAcT3)
Cfa Affx. 30916.1. S1 en	7.42E-03	2.02E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la GTPasa que activa la proteína y al dominio 1 VPS9; variante transcripta 3 (LOC480725); ARNm	XM 858 1 42	GAP VD	GTPasa que activa la proteína y el dominio 1 de VPS9

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3929.1.A1 a en	9.85E-04	1,16E+00	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a Glicil-tARN sintetasa (Glicina-tARN ligasa) (GlyRS) (LOC475268); ARNm	XM 532 5 02	GAR S	Glicil-tARN sintetasa
Cfa. 3954.1. S1 en	3.13E-03	1.53E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína NipSnap1 (secuencia amplificada de glioblastoma); variante transcripta 1 (LOC479700); ARNm	XM 536 8 28	GBA S	secuencia amplificada de glioblastoma
Cfa Affx. 30939.1. S1 en	9.04E-02	7.15E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar al nucleótido de guanilato enlazante de la proteína 4 (LOC490169); ARNm	XM 547 2 90	GBP6	familia de la proteína enlazante de guanilato, miembro 6
Cfa. 19511.1.A1 en	6.37E-04	1.05E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a diferenciación inducida de gangliosina asociada a proteína 2; variante transcripta 1 (LOC475812); ARNm	XM 533 0 21	GDA P2	diferenciación inducida de gangliosina asociada a proteína 2
Cfa Affx. 15531.1. S1 en	1.00E-03	1.17E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a diferenciación inducida de gangliosina asociada a proteína 2; variante transcripta 1 (LOC475812); ARNm	XM 533 0 21	GDA P2	diferenciación inducida de gangliosina asociada a proteína 2
Cfa. 5628.1.A1 en	1.02E-02	2.32E-02	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del factor 3 de diferenciación de crecimiento (LOC477702); ARNm	XM 534 8 96	GDF3	factor 3 de diferenciación de crecimiento
Cfa. 7399.1.A1 a en	8.68E-04	1.13E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a glucosamina-fructosa-6-fosfato aminotransferasa (LOC474624); ARNm	XM 531 8 54	GFPT 1	glutamina-fructosa-6-fosfatotransaminasa 1
Cfa. 7399.2.A1 a en	7.83E-03	2.07E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a glucosamina-fructosa-6-fosfato aminotransferasa (LOC474624); ARNm	XM 531 8 54	GFPT 1	glutamina-fructosa-6-fosfatotransaminasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 13567.1. S1 en	Affx. S1 s en	1.57E-02	2.80E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a geranilgeranil difosfato sintasa 1 (LOC479198); ARNm	XM 536 3 40	GGP S1	geranilgeranil difosfato sintasa 1
Cfa. 1271.1. S1 en	S1 en	1.29E-04	8.90E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de membrana inducible de hormona de crecimiento (proteína 2 derivada de la papilla dérmica); variante transcripta 3 (LOC479266); ARNm	XM 846 8 54	GHIT M	proteína de membrana inducible de hormona de crecimiento
Cfa. 9546.1. S1 en	Affx. S1 en	1.18E-02	2.46E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a SLDS (LOC482843); ARNm	XM 539 9 58	GINs 4	complejo GINs subunidad 4 (homólogo de Sld5)
Cfa. 1560.3.A1 s en	A1 s en	2.26E-02	3.33E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del interactor 2 de quinasa del receptor acoplado a la proteína G; variante transcripta 1 (LOC477520); ARNm	XM 534 7 15	GIT2	interactor 2 de quinasa del receptor acoplado a la proteína G
Cfa. 1560.3.A1 en	A1 en	1.34E-02	2.61E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del interactor 2 de quinasa del receptor acoplado a la proteína G; variante transcripta 10 (LOC477520); ARNm	XM 858 9 31	GIT2	interactor 2 de quinasa del receptor acoplado a la proteína G
Cfa. 12018.1.A1 en	A1 en	5.96E-02	5.62E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 2 de glicerol quinasa; variante transcripta 2 (LOC480872); ARNm	XM 844 9 16	GK	glicerol quinasa
Cfa. 11691.1.A1 en	A1 en	7.60E-02	6.44E-02	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar al transcripto 1 inducido de glucocorticoide (LOC612938); ARNm	XM 847 8 09	GLC CI1	transcripto 1 inducido de glucocorticoide
Cfa. 1970.1. S1 en	S1 en	1.85E-02	3.04E-02	0.76	PREDICHO: D-glucoronil C5-epimerasa de Pan troglodytes; variante transcripta 1 (GLCE); ARNm	XM 001 1 748 76	GLCE	epimerasa de ácido glucurónico

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 4299.1. S1 s en	Affx. 5.02E-02	5.11E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al marco 19 de lectura abierta del cromosoma 9 (LOC611995); ARNm	XM 849 7 19	GLIP R2	2 relacionado con pantogénesis de GLI
Cfa 3130.1. S1 s en	Affx. 9.46E-05	8.90E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a glioxilasa 1 (LOC474894); ARNm	XM 532 1 1 29	GLO1	glioxilasa 1
Cfa 29198.1. S1 s en	Affx. 2.40E-02	3.43E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1532-PA; variante transcripta 1; (LOC480640); ARNm	XM 537 7 59	GLO D4	dominio de glioxilasa que contiene 4
Cfa. 325.1.A1 s en	Affx. 5.11E-04	1.00E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de glutaredoxina 2 (LOC478956); ARNm	XM 536 1 14	GLRX 2	glutaredoxina 2
Cfa. 9878.1. S1 en	Affx. 2.78E-03	1.48E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 similar a tioredoxina (primo que interactúa con PKX de tioredoxina) (proteína que interactúa con PKXq) (proteína que interactúa con PKC-theta) (LOC477869); ARNm	XM 535 0 61	GLRX 3	glutaredoxina 3
Cfa. 1020.1.A1 en	Affx. 1.69E-03	1.29E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de células de menos gérmenes; variante transcripta 1 (LOC481414); ARNm	XM 538 5 34	GMC L1	homólogo 1 de células de menos gérmenes (Drosophila)
Cfa. 1740.1. S1 en	Affx. 5.64E-04	1.03E-02	0.71	ARNM DE Pongo abelii; ADNc DKFZp4593101 (del clon DKFZp4593101)	CR 860 440	GMF B	factor de maduración de glia, beta
Cfa. 19948.1. S1 s en	Affx. 1.63E-03	1.28E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína G(k) de enlazamiento de nucleótido de guanina; subunidad alfa (G(i) alfa-3) (LOC611810); ARNm	XM 849 5 21	GNAI 3	proteína de enlazamiento de nucleótido de guanina (proteína G), alfa que inhibe la actividad del polipéptido 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 30335.1. S1 en	Affx. 1.16E-02	2.44E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína G(k) de enlace de nucleótido de guanina; subunidad alfa (G(i) alfa-3) (LOC611810); ARNm	XM 849 5 21	GNAI 3	proteína de enlace de nucleótido de guanina (proteína G), alfa que inhibe la actividad del polipéptido 3
Cfa. 1666.1. S1 en	Affx. 2.86E-02	3.75E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a glucosamina-fosfato N-acetil transferasa 1 (LOC480325); ARNm	XM 537 4 48	GNP NAT1	glucosamina-fosfato N-acetil transferasa 1
Cfa 17247.1. S1 en	Affx. 1.59E-03	1.26E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al autoantígeno de Golgi; miembro 5 de la subfamilia A d golgin; Golgin-84) (proteína del gen 5 fusionado a RET) (Proteína RET-II) (LOC480233); ARNm	XM 537 3 56	GOL GA5	autoantígeno de Golgi; subfamilia a, 5
Cfa. 1625.1.A1 en	Affx. 1.15E-02	2.43E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfoproteína 3 de Golgi (proteína GPP34 de cubrimiento) (proteína GMx33 de Golgi de trans) (LOC489241); ARNm	XM 546 3 59	GOL PH3	fosfoproteína 3 de Golgi (proteína de cubrimiento)
Cfa 29053.1. S1 en	Affx. 3.11E-02	3.93E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 del miembro 1 del complejo del receptor SNAP de golgi (LOC491185); ARNm	XM 548 3 05	GOS R1	miembro 1 del complejo del receptor SNAP de golgi
Cfa 29053.1. S1 s en	Affx. 4.90E-04	1.00E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 del miembro 1 del complejo del receptor SNAP de golgi (LOC491185); ARNm	XM 548 3 05	GOS R1	miembro 1 del complejo del receptor SNAP de golgi
Cfa. 761.1.A1 en	Affx. 9.14E-03	2.22E-02	0.77	PREDICHO: Glicerol-3-fosfato deshidrogenasa 2 de Macaca mulatta (mitocondrial); variante transcripta 1 (GPD2); ARNm	XM 001 0 868 42	GPD2	Glicerol-3-fosfato deshidrogenasa 2 (mitocondrial)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12478.1. S1 en	3.10E-03	1.53E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a NFKB putativa que activa la proteína 373 isoforma 1; variante transcrita 3; (LOC611491); ARNm	XM 862 8 72	GPR1 77	receptor acoplado a la proteína G	177
Cfa Affx. 26530.1. S1 en	1.99E-02	3.14E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor 65 acoplado a la proteína G(LOC490821); ARNm	XM 547 9 43	GPR6 5	receptor acoplado a la proteína G	65
Cfa. 3254.1. S1 en	5.15E-04	1.01E-02	1.38	Receptor de glutamato de Mus musculus; ionotrópico; NMDAB (epsilon 2) (Grin2b); ARNm	XM 008 1 71	Grin2 b	Receptor de glutamato, ionotrópico, NMDA2B (epsilon 2)	
Cfa. 1176.1. S1 en	7.40E-03	2.02E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 enlazante de la secuencia de ARN rico en G (LOC475170); ARNm	XM 532 4 02	GRS F1	factor 1 enlazante de la secuencia de ARN rico en G	
Cfa. 20162.1. S1 s en	4.43E-04	9.78E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a G1 para el homólogo de proteína 1 de transición de fase S (proteína GST1-HS enlazante de GTP; variante transcrita 2 (LOC479845); ARNm	XM 858 2 62	GSPT 1	G1 para transición 1 de fase S	
Cfa. 5851.1.A1 a en	1.01E-02	2.31E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de liberación de la cadena de péptido; variante transcrita 1 (LOC480921); ARNm	XM 538 0 42	GSPT 2	G1 para transición 2 de fase S	
Cfa Affx. 16567.1. S1 s en	2.25E-03	1.38E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a omega 1 de glutation-S-transferasa; variante transcrita 1 (LOC477813); ARNm	XM 535 0 07	GST O1	omega 1 de glutation-S-transferasa	
Cfa Affx. 10698.1. S1 s en	2.99E-03	1.51E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad beta del factor IIE de iniciación de transcripción;(TFIIE-beta) (LOC475597); ARNm	XM 532 8 14	GTF2 E2	factor IIE de transcripción general, polipéptido 2, beta 34kDa	

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 6808.1. S1 en	Affx. 2.80E-04	9.14E-03	0.72	PREDICHO: LOC481961 hipotético de Canis familiaris (LOC481961); ARNm	XM 539 0 82	GTF3 C6	factor IIIC de transcripción general, polipéptido 6, alfa 35kDa
Cfa 7396.1. S1 en	Affx. 1.28E-03	1.23E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad beta de la enzima trifuncional; precursor mitocondrial (TP-beta); variante transcripta 4 (LOC607926); ARNm	XM 854 5 27	HAD HB	hidroxiacil-coenzima A deshidrogenas/3-cetoacil Coenzima A tiolasa/enoil-coenzima A hidrolasa (proteína trifuncional), subunidad beta
Cfa10971.1. S1 en.	Affx. 4.27E-03	1.68E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al proteína que interactúa con el virus x de hepatitis B (LOC479907); ARNm	XM 537 0 33	HBXI P	proteína que interactúa con el virus x de hepatitis B
Cfa 30266.1. S1 s en	Affx. 5.69E-04	1.03E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al proteína que interactúa con el virus x de hepatitis B (LOC479907); ARNm	XM 537 0 33	HBXI P	proteína que interactúa con el virus x de hepatitis B
Cfa Affx. 332.1. S1 en	3.83E-02	4.39E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a inducible de HMBA (LOC606811); ARNm	XM 843 2 29	HEXI M1	hexametileno bis-acetamida inducible 1
Cfa. 126.1. S1 s en	Affx. 9.55E-05	8.90E-03	0.65	ARNm de subunidad alfa del factor 1 inducible por hipoxia de Canis familiaris; cds parcial	AY4 558 02	HIF1 A	factor 1 inducible por hipoxia subunidad alfa (factor de transcripción básico hélice-bucle-hélice)
Cfa 24079.1. S1 s en	Affx. 4.71E-03	1.73E-02	0.73	PREDICHO: factor 1 inducible por hipoxia de Canis familiaris; subunidad alfa; variante transcripta 10 (HIF1A); ARNm	XM 860 4 20	HIF1 A	factor 1 inducible por hipoxia subunidad alfa (factor de transcripción básico hélice-bucle-hélice)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10927.1.A1 s en	2.53E-03	1.43E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a nucleótido de triada de histidina que enlaza proteína 1 (LOC474667); ARNm	XM 531 8 95	HINT 1	nucleótido de triada de histidina que enlaza proteína 1
Cfa. 17194.1.S1 s en	5.38E-04	1.02E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa 3 que actúa con el homeodominio (Homólogo de la proteína quinasa YAK1 (serina/treonina-proteína quinasa que interactúa con Fas) (FIST) (proteína quinasa nuclear que interactúa con el receptor de andrógeno) (ANPK); variante transcripta 1 (LOC475947); ARNm	XM 533 1 58	HIPK 3	proteína quinasa 3 que actúa con el homeodominio
Cfa. 18297.1.S1 en	6.99E-02	6.15E-02	0.72	Complejo de histocompatibilidad principal de Canis lupus familiaris; clase II; DM alfa (HLA-DMA); ARNm	XM 001 0 480 99	HLA-DMA	Complejo de histocompatibilidad principal, clase II, DM alfa
Cfa. 11398.1.A1 en	7.06E-04	1.08E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a hidroximetilglutaril-CoA sintasa; citoplásmico ((HMG-CoA sintasa) (coenzima A sintasa de 3-hidroxi-3-metilglutarilo) (LOC479334); ARNm	XM 536 4 83	HMG CS1	3-hidroxi-3-metilglutaril-coenzima A sintasa 1 (soluble)
Cfa Affx. 5250.1.S1 s en	1.82E-03	1.31E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 2 de ribonucleoproteína A2/B1 nuclear heterogénea; variante transcripta 1 (LOC475260); ARNm	XM 532 4 95	HNR NPA2 B1	ribonucleoproteína A2/B1 nuclear heterogénea
Cfa10247.1.S1 en.	6.64E-02	5.97E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 2 de ribonucleoproteína A2/B1 nuclear heterogénea; variante transcripta 1 (LOC475260); ARNm	XM 858 8 43	HNR NPA2 B1	ribonucleoproteína A2/B1 nuclear heterogénea

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 117.1.A1 s en	3.94E-03	1.64E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína A3 nuclear heterogénea; variante transcripta 11 (LOC608074); ARNm	XM 856 9 52	HNR NPA3	ribonucleoproteína A3 nuclear heterogénea
Cfa. 4338.1. S1 en	5.71E-03	1.84E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína A3 nuclear heterogénea; variante transcripta 13 (LOC608074); ARNm	XM 857 0 10	HNR NPA3	ribonucleoproteína A3 nuclear heterogénea
Cfa. 15024.1. S1 en	6.85E.03	1.97E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma b de ribonucleoproteína C nuclear heterogénea; variante transcripta 25 (LOC475399); ARNm	XM 858 8 23	HNR NPC	ribonucleoproteína C nuclear heterogénea (C1/C2)
Cfa. 15024.2.S1 s en	2.03E-02	3.16E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma b de ribonucleoproteína C nuclear heterogénea; variante transcripta 25 (LOC475399); ARNm	XM 858 8 23	HNR NPC	ribonucleoproteína C nuclear heterogénea (C1/C2)
Cfa Affx. 14121.1. S1 s en	1.16E - 02	2.44E-02	0.73	FLJ4150 de ADNc de Homo sapiens cds completo; alta similaridad con ribonucleoproteína D0 nuclear heterogénea	AK3 001 49	HNR NPD	ribonucleoproteína D nuclear heterogénea (proteína 1 enlazante de ARN elemento rico en AU, 37kDa)
Cfa. 7431.2.A1 a en	1.14E-02	2.42E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma c de ribonucleoproteína D nuclear heterogénea; variante transcripta 11 (LOC478450); ARNm	XM 852 8 64	HNR NPD	ribonucleoproteína D nuclear heterogénea (proteína 1 enlazante de ARN elemento rico en AU, 37kDa)
Cfa Affx. 1450.1. S1 s en	2.12E-02	3.23E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína H nuclear heterogénea; (hnRNP H); variante transcripta 14 (loc481455); ARNm	XM 851 7 37	HNR NPH1	ribonucleoproteína H1 nuclear heterogénea (H)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 17447.1. S1 s en	1.90E-03	1.32E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína H nuclear heterogénea; (hnRNP H) (ftp-3); variante transcripta 2 (LOC480989); ARNm	XM 845 5 26	HNR NPH2	ribonucleoproteína H2 nuclear heterogénea (H')
Cfa Affx. 27083.1. S1 s en	2.17E-03	1.37E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína H nuclear heterogénea; (hnRNP H) (ftp-3); variante transcripta 6 (LOC480989); ARNm	XM 856 9 31	HNR NPH2	ribonucleoproteína H2 nuclear heterogénea (H')
Cfa. 18334.1. S1 s en	1.28E-02	2.55E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de ribonucleoproteína H3 nuclear heterogénea; (hnRNP H) (ftp-3); variante transcripta 2 (LOC479227); ARNm	XM 844 8 97	HNR NPH3	ribonucleoproteína H3 nuclear heterogénea (2H9)
Cfa Affx. 14135.1. S1 s en	1.15E-02	2.42E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína similar a D nuclear heterogénea; variante transcripta 10 (LOC476976); ARNm	XM 853 2 32	HNR PDL	ribonucleoproteína similar a D nuclear heterogénea
Cfa Affx. 10319.1. S1 s en	1.38E-02	2.65E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína similar a L nuclear heterogénea; (LOC475729); ARNm	XM 532 9 38	HNR PLL	ribonucleoproteína similar a L nuclear
Cfa. 11277.1.A1 en	1.39E-03	1.24E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleasa UK114 (proteína inhibidora traslacional 14,5 kDa) (p14,5) (homólogo del antígeno UK114); variante transcripta 1 (LOC475043); ARNm	XM 532 2 78	HRS P12	proteína 12 sensible al calor

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 4491.1. S1 en	1.84E-03	1.31E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-hidroxiacil-CoA deshidrogenasa Tipo II (Tipo II HADH) (proteína enlazante del beta péptido amiloide asociado al retículo endoplásmico) (tipo deshidrogenas reductasa XH98G2 de cadena corta); variante transcrita 1 (LOC480930); ARNm	XM 538 0 51	HSD1 7B10	hidroesteroide (17-beta) deshidrogenasa 10
Cfa Affx. 24950.1. S1 s en	2.07E-03	1.35E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-hidroxiacil-CoA deshidrogenasa Tipo II (Tipo II HADH) (proteína enlazante del beta péptido amiloide asociado al retículo endoplásmico) (tipo deshidrogenas reductasa XH98G2 de cadena corta); variante transcrita 1 (LOC480930); ARNm	XM 538 0 51	HSD1 7B10	hidroesteroide (17-beta) deshidrogenasa 10
Cfa. 441.1.A1 en	3.68E-03	1.61E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de deshidrogenasa esteroide; variante transcrita 1 (LOC475939); ARNm	XM 533 1 48	HSD1 7B12	hidroesteroide (17-beta) deshidrogenasa 12
Cfa. 10807.1. S1 en	1.70E-02	2.91E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa hidroxiesteroide similar a 2; variante transcrita 2 (LOC474804); ARNm	XM 848 5 18	HSDL 2	hidroesteroide deshidrogenasa similar a 2
Cfa Affx. 12023.1. S1 en	1.24E-02	2.52E-02	0.72	ARNm de GRP94 de Canis familiaris; cds completo	U01 153	HSP9 0B	proteína de choque térmico 90kDa beta (Grp94); miembro 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9260.1. S1 en	2.29E-03	1.39E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de choque térmico 60kDa; precursor mitocondrial (Hsp60) (60kDa) (Hsp-60) (proteína P1 de matriz mitocondrial) (proteína de linfocito P60) (HuCHA60); variante transcripta 1 (LOC478854); ARNm	XM 536 0 16	HSP D1	proteína 1 de choque térmico 90kDa (chaperonina)
Cfa Affx. 16986.1. S1 s en	2.83E-03	1.48E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de choque térmico 60kDa; precursor mitocondrial (Hsp60) (60kDa) (Hsp-60) (proteína P1 de matriz mitocondrial) (proteína de linfocito P60) (HuCHA60); variante transcripta 1 (LOC478854); ARNm	XM 536 0 16	HSP D1	proteína 1 de choque térmico 90kDa (chaperonina)
Cfa. 2783.1.A1 en	5.27E-03	1.79E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de choque térmico 105kDa; (proteína de choque térmico 110kDa) (Antígeno NY-CO-25) (LOC477322); ARNm	XM 534 5 15	HSP H1	proteína 1 de choque térmico 105kDa/110kDa
Cfa. 11015.1.A1 en	1.33E-03	1.23E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína del punto de regulación HUS1 (LOC606789); ARNm	XM 843 1 98	HUS1	homólogo del punto de regulación HUS1 (S. pombe)
Cfa Affx. 6003.1. S1 s en	1.25E-02	2.53E-02	0.76	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris LOC609656 (LOC609656); ARNm	XM 846 9 56	IAH1	homólogo de esterasa 1 que hidroliza el isoamil acetato (S. cerevisiae)
Cfa. 278.2.S1 a en	6.18E-03	1.89E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a isocitrato deshidrogenasa 2 (NADP+); mitocondrial (LOC479043); ARNm	XM 536 1 92	IDH2	isocitrato deshidrogenasa 2 (NADP+); mitocondrial

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 29440.1.	Affx. S1 en	1.89E-02	3.06E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad gamma de isocitrato deshidrogenasa [NAD]; precursor mitocondrial (isocítrica deshidrogenasa) (NAD(+)-específica ICDH); variante transcripta 7 (LOC481081); ARNm	XM 862 2 50	IDH3 G	isocitrato deshidrogenasa (NAD+) gamma	3
Cfa. 16440.1.	S1 en	1.08E-02	2.37E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 35kDa inducida por interferón (IFP 35) (LOC490954); ARNm	XM 548 0 77	IFI35	proteína inducida interferón	35 por
Cfa. 19476.1.	S1 s en	3.40E-03	1.57E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del receptor 1 de interferón-alfa (LOC609830); ARNm	XM 847 1 73	IFNA R1	receptor interferón (alfa, beta y omega)	1 de
Cfa 5908.1.	Affx. S1 en	2.62E-03	1.44E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar al regulador 1 de desarrollo relacionado con interferón; variante transcripta 1 (LOC482408); ARNm	XM 539 5 25	IFRD 1	regulador relacionado con interferón	1 de
Cfa 25616.1.	Affx. s1 en	7.20E-03	2.00E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de inmunoglobulina (proteína 1 enlazante de CD79a) molécula alfa 4 de transducción de señales de células B) (proteína Alfa 4); variante transcripta 1 (LOC480950); ARNm	XM 538 0 70	IGBP 1	proteína enlazante de inmunoglobulina (CD79A)	1 de
Cfa 25616.1.	Affx. S1 s en	2.54E-03	1.44E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de la inmunoglobulina (proteína 1 enlazante de CD79a) molécula alfa 4 de transducción de señales de células B) (proteína Alfa 4); variante transcripta 1 (LOC480950); ARNm	XM 538 0 70	IGBP 1	proteína enlazante de inmunoglobulina (CD79A)	1 de

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12360.1.A1 en	4.83E-03	1.75E-02	0.76	Inositol hexafosfato quinasa 2 de homo sapiens; ARNm (Clon de ADNc IMAGEN:3533563)	BC001864	IHPK2	Inositol hexafosfato quinasa 2
Cfa. 4946.1.A1 s en	8.62E-03	2.17E-02	0.73	Inositol hexafosfato quinasa 2 de homo sapiens; ip6k2), variante transcripta 4; ARNm	XM001005911	IHPK2	Inositol hexafosfato quinasa 2
Cfa. 10903.1.A1 s en	2.29E-02	3.35E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína RED (LOC607109); ARNm	XM843700	IK	citoquina IK, subregulador de HLA II
Cfa. 4778.1.A1 en	5.52E-03	1.82E-02	0.71	ARNm beta del receptor de interleucina 10 de Canis familiaris; cds parcial	DQ195086	IL10RB	receptor de interleucina 10, beta
Cfa. 40.1. S1 s en	8.27E-03	2.12E-02	0.75	ARNm de Canis familiaris para interferón gamma que induce el factor (IL-18)	Y11133	IL18	interleucina 18 (factor que induce el interferón-gamma)
Cfa3180.1. S1 en.	5.90E-02	5.59E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de membrana interna mitocondrial (Mitofilin) (p87/89) (proteína del gen 4 que induce la proliferación); variante transcripta 1 (LOC475764); ARNm	XM532974	IMMT	proteína de membrana interna, mitocondrial (Mitofilin)
Cfa Afx. 12210.1. S1 s en	8.91E-04	1.14E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de membrana interna mitocondrial (Mitofilin) (p87/89) (proteína del gen 4 que induce la proliferación); variante transcripta 1 (LOC475764); ARNm	XM532974	IMMT	proteína de membrana interna, mitocondrial (Mitofilin)
Cfa. 18298.1. S1 en	4.12E-02	4.57E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1120-PA; variante transcripta 1 (LOC475565); ARNm	XM532785	INTS10	subunidad 10 de complejo integrador
Cfa Afx. 14816.1. S1 s en	2.59E-02	3.56E-02	0.75	ARNm de homo sapiens; ADNc DKFZp686P06215 (del clon DKFZp686P06215)	BX538203	INTS8	subunidad 8 de complejo integrador

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 16494.1. S1 en	1.51E-03	1.25E-02	0.73	PRDICH0: Elemento sensible al hierro de Equus caballus que enlaza la proteína 2 (IREB2); ARNm	XM 001 4 889 66	IREB 2	Elemento sensible al hierro que enlaza la proteína 2
Cfa Affx. 2007.1. S1 s en	3.25E-02	4.02E-02	0.75	Dominio de isocorismatasa de Bos taurus que contiene 1; ARNm (clon de ADNc MGC:148632 IMAGEN: 8271882); cds completo	BC1 481 30	ISOC 1	Dominio de isocorismatasa que contiene 1
Cfa Affx. 21882.1. S1 en	1.87E-03	1.32E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de integrina alfa 4 (Integrina alfa-IV) (VLA-4) (CD49d) (LOC488429); ARNm	XM 545 5 51	ITGA 4	integrina, alfa 4 (antígeno CD49D, subunidad alfa 4 del receptor de VLA-4
Cfa Affx. 5987.1. S1 s en	1.24E-03	1.23E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Integrina beta-1 que enlaza la proteína 1 (proteína 1 asociada al dominio citoplásmico de Integrina) (ICAP-1) (LOC475660); ARNm	XM 532 8 68	ITGB 1BP1	Integrina beta-1 que enlaza la proteína 1
Cfa. 6183.1.A1 en	1.90E-02	3.07E-02	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo 1 de jagunal (LOC484661); ARNm	XM 541 7 76	JAGN 1	homólogo 1 de jagunal (Drosophila)
Cfa Affx. 12161.1. S1 s en	4.34E-03	1.69E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio jumonji que contiene 1A; variante transcripta 1 (LOC475763); ARNm	XM 532 9 73	JMJD 1A	dominio jumonji que contiene 1A
Cfa. 17114.1. S1 en	1.23E-02	2.51E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor de fosfatidilserina; variante transcripta 2 (LOC483335); ARNm	XM 843 9 87	JMJD 6	dominio jumonji que contiene 6
Cfa. 511.1. S1 en	1.27E-02	2.54E-02	0.76	PREDICHO: repetición de Kelch y dominio BTB (POZ) de Pan troglodytes que contiene 7 (KBTBD7); ARNm	XM 522 6 66	KBTB D7	repetición de Kelch y dominio BTB (POZ) que contiene 7

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 16854.1. S1 en	Affx. 1.87E-04	9.00E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio KH que contiene; enlazamiento de ARN; transducción de señal asociada a 1; variante transcrita 1 (LOC487316); ARNm	XM 544 4 42	KHD RBS1	dominio KH que contiene; enlazamiento de ARN; transducción de señal asociada a 1
Cfa. 9538.1. S1 en	2.06E-03	1.35E-02	0.67	PREDICHO: Pan troglodytes similar a proteína KIAA0143 (KIAA0143); ARNm	XR 022 810	KIAA 0143	Similar a proteína KIAA0143
Cfa. 19624.1. S1 en	1.51E-02	2.75E-02	0.74	KIAA0247 de homo sapiens, ARNm (Clon de ADNc MGC:71667 imagen:30344263); cds completo	AC0 646 97	KIAA 0247	KIAA0247
Cfa. 1688.1. S1 en	7.07E-03	1.99E-02	0.75	ARNm de Homo sapiens para proteína KIAA1712, cds parcial	AB0 514 99	KIAA 1712	KIAA1712
Cfa. 1938.1.A1 en	3.12E-02	3.93E-02	0.76	Sustrato que interactúa con la quinasa D de Homo sapiens; 220kDa (KIDINS220); ARNm	NM 020 7 38	KIDIN S220	sustrato que interactúa con la quinasa D de 220kDa
Cfa 12118.1. S1 s en	Affx. 2.29E-02	3.35E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro 11 de la familia quinesina (LOC477769); ARNm	XM 534 9 64	KIF11	miembro 11 de la familia quinesina
Cfa. 922.1.A1 en	4.26E-03	1.68E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena pesada de quinesina (Cadena pesada de quinesina ubicua) (UKHC); variante transcrita 6 (LOC477968); ARNm	XM 854 4 33	KIF5 B	miembro 5B de la familia quinesina
Cfa 7041.1. S1 s en	Affx. 8.49E-05	8.80E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena pesada de quinesina (Cadena pesada de quinesina ubicua) (UKHC); variante transcrita 6 (LOC477968); ARNm	XM 854 4 33	KIF5 B	miembro 5B de la familia quinesina

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8480.1. S1 s en	Affx. 1.20E-02	2.47E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína KsKin17; variante transcripta 1 (LOC478010); ARNm	XM 535 1 94	KIN	KIN, determinante antigénico del homólogo de proteína recA (ratón)
Cfa. 933.1. S1 s en	2.25E-04	9.06E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio Kelch que contiene proteína 2 (antígeno 33 asociado al carcinoma hepatocelular) (factor de células anfitrionas homólogas de LCP) (LOC480314); ARNm	XM 537 4 36	KLHD C2	dominio Kelch que contiene 2
Cfa. 15714.1.A1 en	5.21E-03	1.79E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de plasma kallikrein (plasma prekallikrein) (Quinogenina) (factor Fletcher) (LOC475624); ARNm	XM 532 8 38	KLKB 1	kalikreina B, plasma 1 (factor Fletcher)
Cfa. 14036.1.A1 en	1.50E-02	2.74E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a quineurina 3-monooxigenasa (LOC480093); ARNm	XM 537 2 16	KMO	quineurina 3-monooxigenasa 3-hidroxilasa)
Cfa. 14036.1. S1 s en	1.52E-02	2.76E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a quineurina 3-monooxigenasa (LOC480093); ARNm	XM 537 2 16	KMO	quineurina 3-monooxigenasa 3-hidroxilasa)
Cfa. Affx. 375.1. S1 en	1.41E-03	1.24E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad alfa 4 de Importina) (subunidad alfa Carioferina) (proteína Qip1); variante transcripta 2 (LOC478680); ARNm	XM 845 4 38	KPNA 4	carioferina alfa 4 (alfa 3 e importina)
Cfa. 5370.1.A1 s en	3.60E-03	1.60E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a beta 1 carioferina; vy 5 (LOC491042); ARNm	XM 859 3 43	KPNB 1	carioferina beta 1 (importina)
Cfa. 16644.1. S1 en	1.19E-03	1.21E-02	0.72	homólogo oncógeno viral de sarcoma de rata Kirsten de v-Ki-ras-2 de Homos sapiens (KRAS); variante transcripta a; ARNm	NM 033 3 60	KRAS	homólogo oncógeno viral de sarcoma de rata Kirsten de v-Ki-ras-2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 24495.1. S1 s en	Affx. 8.16E-04	1.10E-02	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a queratina KA27 de pelo tipo 1 (LOC490989); ARNm	XM 548 1 12	KRT3 4	queratina 34
Cfa. 9971.1. S1 en	1.24E-02	2.52E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a lactamasa, beta 2; variante transcripta 1 (LOC486990); ARNm	XM 544 1 19	LACT B2	lactamasa, beta 2
Cfa. 9971.1. S1 s en	4.87E-03	1.75E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a lactamasa, beta 2; variante transcripta 3 (LOC486990); ARNm	XM 854 4 07	LACT B2	lactamasa, beta 2
Cfa. 2472.1. S1 en	1.05E-02	2.34E-02	0.76	proteína 2 de membrana asociada al lisosomal de Homo sapiens (LAMP2); variante transcripta B; ARNm	NM 013 9 95	LAMP 2	proteína 2 de membrana asociada al lisosomal
Cfa. 10080.1.A1 en	2.57E-02	3.55E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de glicoproteína 2 de membrana asociada al lisosoma (LAMP-2) (antígeno de CD107b); variante transcripta 1 (LOC481037); ARNm	XM 538 1 59	LAMP 2	proteína 2 de membrana asociada al lisosomal
Cfa. 28310.1. S1 en	Affx. 5.66E-02	5.45E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de glicoproteína 2 de membrana asociada al lisosoma (LAMP-2) (antígeno de CD107b); variante transcripta 3 (LOC481037); ARNm	XM 859 4 49	LAMP 2	proteína 2 de membrana asociada al lisosomal
Cfa. 18306.1. S1 en	Affx. 1.50E-03	1.25E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 de membrana asociada al lisosomal (LOC607186); ARNm	XM 843 7 96	LAMP 3	proteína 3 de membrana asociada al lisosomal
Cfa. 285.2.S1 s en	2.14E-02	3.25E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la leucina aminopeptidasa (LOC479081); ARNm	XM 536 2 28	LAP3	leucina aminopeptidasa 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14608.1.A1 en	1.50E-02	2.75E-02	0.69	PREDICHO: Bos taurus similar a la proteína relacionada con la (LARP1); ARNm	XM 582 0 17	LARP 1	familia de dominio ribonucleoproteína La, miembro 1
Cfa Affx. 30748.1. S1 en	6.69E-02	6.00E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de lipocalina asociado a neutrofil gelatinasa (NGAL) (P25) (subunidad relacionada con alfa-2-microglobulina de 25kDa de MMP-9) (Lipocalina 2) (Oncógeno 24p3); variante transcripta 2 (LOC491320); ARNm	XM 857 2 29	LCN2	lipocalina 2
Cfa. 21232.1. S1 s en	4.38E-03	1.69E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 citosólica de linfocitos (proteína de leucocitos que contienen el dominio SH2) de 76 kDa) (SLP-76 tirosina fosfoproteína) SLP76); variante transcripta 1; ARNm	XM 546 2 44	LCP2	proteína 2 citosólica de linfocitos (proteína de leucocitos que contienen el dominio SH2 de 76kDa)
Cfa. 9446.1.A1 s en	3.47E-03	1.58E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a senescencia subregulada similar a leo 1; variante transcripta 4 (LOC478310; ARNm	XM 858 0 08	LEO1	Leo1, componente del complejo de polimerasa II Paf1/ARN, homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 10550.2.S1 en	1.88E-04	9.00E-03	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio LETM1 que contiene 1 isoforma 1; variante transcripta (LOC607861); ARNm	XM 845 1 92	LETM D1	dominio LETM1 que contiene 1
Cfa. 11075.2.A1 s en	1.69E-03	1.29E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a galectina 8 isoforma a (LOC479193); ARNm	XM 536 3 35	LGAL S8	lectina, enlazante de galactosidasa, soluble, 8

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14080.1.A1 en	6.99E-04	1.08E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del receptor 4 acoplado a la proteína G que contiene la repetición rica en leucina (proteína G acoplada al receptor 48) (LOC476896); ARNm	XM 534 0 98	LGR4	receptor 4 acoplado a la proteína G que contiene la repetición rica en leucina
Cfa. 2087.1.A1 en	2.86E-03	1.48E-02	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a ligatina; variante transcrita 1 (LOC478951); ARNm	XM 536 1 09	LGTN	ligatina
Cfa Afx. 1112.1. S1 s en	2.40E-02	3.42E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la proteína ERGIC 53 (proteína del compartimiento 53 kDa intermediario de ER-Golgi) (Lectina; enlazamiento 1 de manosa) (Gp58) (Manosa intracelular específico de lectina MR60) (LOC476186); ARNm	XM 533 3 90	LMA N1	lectina, enlazante de manosa, 1
Cfa. 16359.1. S1 en	1.73E-02	2.93E-02	0.75	ARNm de alfa-4;2-manosidasa manosil-oligosacárido de Oryctolagus cuniculus; cds parcial	U04 301	LOC1 00 0091 82	alfa-4;2-manosidasa manosil-oligosacárido
Cfa Afx. 30639.1. S1 en	1.45E-03	1.25E-02	1.32	PREDICHO: Monodelphis domestica similar a la respuesta 3 de crecimiento temprano (LOC100033116); ARNm	XM 001 3 819 59	LOC1 00 0331 16	a similar a la respuesta 3 de crecimiento temprano
Cfa Afx. 28002 .1. S1 en	1.84E-02	3.03E-02	0.74	PREDICHO: alambre enrollado asociado a Rho de Equus caballus que contiene proteína quinasa 1 (NudE) (LOC100050421); ARNm	XM 001 9 152 18	LOC1 00 0340 56	alambre enrollado asociado a Rho que contiene proteína quinasa 1
Cfa Afx. 28599.1. S1 s en	7.94E-03	2.08E-02	0.75	PREDICHO: Equus Caballus similar a homólogo 1 de proteína NudE de distribución nuclear (NudE) (LOC100050421); ARNm	XM 001 9 167 95	LOC1 00 0504 21	similar a homólogo 1 de proteína NudE de distribución nuclear

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 3838.1. S1 s en	Affx. 03	3.97E-03	1.64E-02	0.69	PREDICHO: Equus caballus similar a HCOBP; variante transcripta 2 (LOC100050598); ARNm	XM 001 4 900 56	LOC1 00 0505 98	similar al dominio COBW que contiene proteína
Cfa 1745.1. S1 x en	Affx. 03	2.90E-03	1.49E-02	1.4	PREDICHO: Equus caballus similar al receptor olfativo; familia 6; subfamilia C; miembro 1 (LOC100051018); ARNm	XM 001 5 047 09	LOC1 00 0510 18	similar al receptor olfativo; familia 6; subfamilia C; miembro 1
Cfa 19128.1. S1 s en	Affx. 02	3.76E-02	4.35E-02	0.72	PREDICHO: Equus Caballus similar a la proteína 2 del complejo Sinaptonemal (SCP-2) (proteína del elemento lateral del complejo Sinaptonemal) (hsSCP2) (LOC100051057); ARNm	XM 001 9 151 53	LOC1 00 0510 57	similar a la proteína 2 del complejo Sinaptonemal (SCP-2) (proteína del elemento lateral del complejo Sinaptonemal) (hsSCP2)
Cfa 22919.1. S1 en	Affx. 02	2.49E-02	3.50E-02	0.74	PREDICHO: LOC100051235 hipotético de Equus Caballus (LOC100051235); ARNm	XM 001 4 891 11	LOC 100 0512 35	LOC100051235 hipotético
Cfa. 16441.1.A1 en	Affx. 04	1.43E-04	8.90E-03	0.65	PREDICHO: Equus Caballus similar a 1 rico en arginina y glutamato (LOC100051338); ARNm	XM 001 4 938 29	LOC 100 0513 38	similar a 1 rico en arginina y glutamato
Cfa. 14225.1.A1 s en	Affx. 02	6.72E-02	6.02E-02	0.76	PREDICHO: Equus Caballus similar a la proteína fosfatasa 1; subunidad 15A reguladora (LOC100051382); ARNm	XM 001 4 895 32	LOC 100 0513 82	similar a la proteína fosfatasa 1; subunidad 15A reguladora
Cfa. 10188.1. S1 en	Affx. 04	9.57E-04	1.16E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteasoma (prosoma; macrodolor) subunidad 26s; no ATPasa; 14 (LOC100051409); ARNm	XM 001 4 936 20	LOC1 00 0514 09	similar a proteasoma (prosoma; macrodolor) subunidad 26s; no ATPasa; 14

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10853.1.A1 en	1.62E-02	2.85E-02	0.77	PREDICHO: Equus Caballus similar a beta-1 de fosfatidilinositol-4;5-bifosfato fosfodiesterasa (Fosfoinositide fosfolipasa C) (Fosfolipasa C-beta-1) (PLC-beta-1) (PLC-1) (PLC-154) (LOC100051558); ARNm	XM 001 4 936 03	LOC1 00 0515 58	similar a beta-1 de fosfatidilinositol-4;5-bifosfato fosfodiesterasa (Fosfoinositide fosfolipasa C) (Fosfolipasa C-beta-1) (PLC-beta-1) (PLC-1) (PLC-154)
Cfa. 16981.1. S1 s en	6.31E-05	8.40E-03	0.71	PREDICHO: Equus Caballus similar a isoenzima L3 de hidrolasa del terminal carboxilo de ubiquitina (UCH-L3) Ubiquitina tioesterasa L3) (LOC100052000); ARNm	XM 001 4 882 46	LOC1 00 0520 00	similar a isoenzima L3 de hidrolasa del terminal carboxilo de ubiquitina (UCH-L3) Ubiquitina tioesterasa L3)
Cfa Afx. 1703.1. S1 s en	7.56E-02	6,42E+00	0.73	PREDICHO: Equus Caballus similar al ADN SON que enlaza la proteína; isoforma f (predicho) (LOC100052256); ARNm	XM 001 9 155 60	LOC1 00 0522 56	similar al ADN SON que enlaza la proteína; isoforma f (predicho)
Cfa Afx. 11138.1. S1 s en	1.91E-03	1.32E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar al factor 6 asociado al receptor TNF (LOC100052296); ARNm	XM 001 9 149 36	LOC 100 0522 96	similar al factor 6 asociado al receptor TNF
Cfa. 464.1. S1 a en	6.26E-02	5.78E-02	0.71	PREDICHO: Equus Caballus similar a metiltransferasa similar a 6 (LOC100052536); ARNm	XM 001 4 964 83	LOC 100 0525 36	similar a metiltransferasa similar a 6
Cfa. 10870.1. S1 en	2.03E-03	1.35E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar a la proteína 1 similar al factor de ribosilación de ADP (LOC100052976); ARNm	XM 001 4 968 31	LOC 100 0529 76	similar a la proteína 1 similar al factor de ribosilación de ADP

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 2241.1. S1 en	Affx. 5.62E-05	8.24E-03	1.34	PREDICHO: Equus Caballus similar al dominio 27 de repetición de WD (LOC100053367); ARNm	XM 001 9 151 87	LOC 100 0533 67	LOC100053367 hipotético
Cfa 16527.1. S1 en	Affx. 1.42E-02	2.69E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar al adaptador dual de fosfotirosina y fosfoinositides (LOC100053857); ARNm	XM 001 4 985 21	LOC 100 0538 57	proteína hipotética LOC100053857
Cfa. 15046.1.A1 en	Affx. 2.37E-02	3.40E-02	0.75	PREDICHO: Equus Caballus similar a la familia 30 del transportador de soluto (transportador de zinc); miembro 1 (LOC100054805); ARNm	XM 001 4 892 79	LOC 100 0548 05	proteína hipotética LOC100054805
Cfa 18191.1. S1 s en	Affx. 1.34E-02	2.61E-02	0.72	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína 203 inducible por interferón (LOC100057060); ARNm	XM 001 4 905 48	LOC 100 0570 60	similar a gen 203 activado por interferón
Cfa. 10611.1.A1 en	Affx. 3.03E-03	1.51E-02	0.77	PREDICHO: Equus Caballus similar a repetición de armadillo que contiene ; 3 enlazado a X; variante transcripta 1; (LOC100057749); ARNm	XM 001 4 940 74	LOC 100 0577 49	proteína hipotética LOC100057749
Cfa. 15795.1.A1 s en	Affx. 6.69E-02	6.00E-02	1.38	PREDICHO: Equus Caballus similar a la proteína MIP-1 beta putativa (LOC100057859); ARNm	XM 001 5 038 88	LOC 100 0578 59	similar a la proteína MIP-1 beta putativa
Cfa. 3071.1. S1 en	Affx. 2.82E-02	3.72E-02	0.66	PREDICHO: Equus Caballus similar a la proteína quinasa 4 similar a cdc2/CDC28 (LOC100058051); ARNm	XM 001 5 019 53	LOC 100 0580 51	similar a la proteína quinasa 4 similar a cdc2/CDC28
Cfa. 14999.1.A1 en	Affx. 1.33E-03	1.23E-02	0.64	PREDICHO: Equus Caballus similar a interferón regulador del factor 2 enlazante de proteína 2 (LOC100059147); ARNm	XM 001 9 165 62	LOC 100 0591 47	LOC100059147 hipotética

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14999.1.A1 s en	2.01E-03	1.35E-02	0.69	PREDICHO: Equus Caballus similar a interferón regulador del factor 2 enlazante de proteína 2 (LOC100059147); ARNm	XM001916562	LOC100059147	LOC100059147 hipotética
Cfa. 1748.1. S1 en	6.73E-03	1.95E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar a dimetiladenosina transferasa (LOC100059778); ARNm	XM001493893	LOC100059778	similar a dimetiladenosina transferasa
Cfa Afx. 20711.1. S1 en	5.11E-02	5.16E-02	0.71	PREDICHO: Equus Caballus similar al inhibidor 2 (LOC100060058); ARNm	XM001500822	LOC100060058	similar al inhibidor 2
Cfa. 16638.1. S1 en	6.58E-05	8.40E-03	0.73	PREDICHO: Equus Caballus similar a traslocasa de la membrana mitocondrial 13 interna (LOC100060448); ARNm	XM001494016	LOC100060448	proteína hipotética LOC100060448
Cfa. 1295.1. S1 en	4.30E-04	9.78E-03	0.69	PREDICHO: Equus Caballus similar a receptor de secuencia de señal; alfa (proteína alfa asociada a translocon) (LOC100061378); ARNm	XM001493337	LOC100061378	proteína hipotética LOC100061378
Cfa16541.1. S1 en.	8.86E-03	2.19E-02	0.71	PREDICHO: Equus Caballus similar a señal protolítica de PEST que contiene proteína nuclear; variante transcrita 1 (LOC100061942); ARNm	XM001503437	LOC100061942	similar a señal protolítica de PEST que contiene proteína nuclear
Cfa. 2411.1.A1 en	2.64E-02	3.59E-02	0.75	PREDICHO: Equus Caballus similar a mCG12474 (LOC100062680); ARNm	XM001494169	LOC100062680	proteína hipotética LOC100062680

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12874.1.A1 en	2.95E-03	1.50E-02	0.72	PREDICHO: Equus Caballus similar al miembro 4 de la familia AF4/FMR2 (gen fusionado a ALL1 del cromosoma Sq31) (proteína asociada al factor de elongación CDK9 principal) (LOC100063038); ARNm	XM001504421	LOC100063038	similar a proteína AF5q31
Cfa. 9741.2.A1 en	3.96E-03	1.64E-02	0.66	PREDICHO: Equus Caballus similar a subunidad alfa de caseína quinesina II (LOC100063080); ARNm	XM001494444	LOC100063080	similar a subunidad alfa de caseína quinesina II
Cfa. 9847.1.A1 en	4.95E-04	1.00E-02	0.73	PREDICHO: LOC100064702 hipotética de Equus Caballus (LOC100064702); ARNm	XM001504598	LOC100064702	proteína hipotética LOC100064702
Cfa. 5595.1.A1 en	3.46E-03	1.58E-02	0.76	PREDICHO: Equus Caballus similar al cofactor A (LOC100065465); ARNm	XM001504660	LOC100065465	similar al cofactor A
Cfa. 2674.1. S1 en	5.52E-04	1.02E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar a rab11 (LOC100066116); ARNm	XM001496510	LOC100066116	similar a rab11
Cfa. 18972.1. S1 s en	9.64E-03	2.27E-02	0.74	PREDICHO: Equus Caballus similar al factor YT521-B de empalme; variante transcrita 2 (LOC100066303); ARNm	XM001501526	LOC100066303	proteína hipotética LOC100066303
Cfa. 19409.1. S1 en	4.07E-05	7.55E-03	0.7	PREDICHO: Equus Caballus similar a N-acetilgalactosaminiltransferasa 7 (proteína UDP acetilgalactosaminiltransferasa 7) (UDP-GalNAc: polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 7) (polipéptido GalNAc transferasa 7) (GalNAc-T7) (polipéptido-GaNTasa 7) (LOC100066545); ARNm	XM001915557	LOC100066545	LOC100066545 hipotética

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 6274.1. S1 s en	1.02E-04	8.90E-03	0.73	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteosoma subunidad beta tipo 7 (LOC100067317); ARNm	XM 001 5 021 20	LOC 100 0673 17	similar a proteosoma subunidad beta7 proproteína
Cfa Affx. 16690.1. S1 en	2.89E-03	1.49E-02	0.68	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína de supercántigos de células B con repeticiones de anquirina (LOC100067773); ARNm	XM 001 4 977 47	LOC 100 0677 73	similar a proteína de supercántigos de células B con repeticiones de anquirina
Cfa. 10920.1. S1 x en	1.77E-04	9.00E-03	0.68	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína portadora de acilo; precursor mitocondrial (ACP) (NADH-ubiquinona oxirreductasa 9,6 subunidad kDa) (CI-SDAP) (LOC100069079), ARNm	XM 001 4 989 03	LOC 100 0690 79	similar a proteína portadora de acilo, mitocondrial (ACP) (5parcial)
Cfa Affx. 4335.1. S1 en	4.56E-04	9.87E-03	1.34	PREDICHO: Equus Caballus similar a cromosoma 6 de lectura abierta marco 142 (LOC100069574); ARNm	XM 001 4 993 11	LOC 100 0695 74	similar a cromosoma 6 de lectura abierta marco 142
Cfa Affx. 4335.1. S1 x en	3.28E-04	9.28E-03	1.32	PREDICHO: Equus Caballus similar a cromosoma 6 de lectura abierta marco 142 (LOC100069574); ARNm	XM 001 4 993 11	LOC 100 0695 74	similar a cromosoma 6 de lectura abierta marco 142
Cfa Affx. 23811.1. S1 en	3.60E-03	1.60E-02	0.71	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína USE1 de transporte de vesícula (proteína similar a USE1) (proteína PM26 que activa MAPK putativo) proteína p31) (LOC100070008); ARNm	XM 001 5 030 32	LOC 100 0700 08	proteína hipotética LOC100070008
Cfa Affx. 16114.1. S1 s en	1.30E-02	2.57E-02	1.33	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína 362 de dedo de zinc (LOC100070027); ARNm	XM 001 4 997 12	LOC 100 0700 27	proteína hipotética LOC100070027

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2265.1.A1 en	1.11E-02	2.40E-02	0.75	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína SYNCRIP; variante transcripta 2 (LOC100070472); ARNm	XM 001 9 151 36	LOC 100 0704 72	similar a enlazante de sinaptotagmina; ARN citoplásmica que interactúa con la proteína
Cfa. 277.1. S1 en	2.38E-03	1.40E-02	0.75	PREDICHO: Equus Caballus similar al factor de empalme; 6 rica en arginina/serina (LOC100070669); ARNm	XM 001 5 003 35	LOC 100 0706 69	similar al factor de empalme; 6 rica en arginina/serina
Cfa Afx. 11227.1. S1 en	3.99E-02	4.50E-02	0.75	PREDICHO: Equus Caballus similar a factor de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 5 epsilon; 47kDa (LOC100070877); ARNm	XM 001 5 005 55	LOC 100 0708 77	similar a hCG1784554
Cfa Afx. 26862.1. S1 en	1.25E-03	1.23E-02	0.73	PREDICHO: Equus Caballus similar al homólogo C de RAD51 (LOC100070966); ARNm	XM 001 5 006 43	LOC 100 0709 66	similar al homólogo C de RAD51
Cfa2073.1. S1 en	7.72E-03	2.06E-02	0.71	PREDICHO: Equus Caballus similar al homólogo SEC63 de proteína de translocación (LOC100072096); ARNm	XM 001 5 019 60	LOC 100 0720 96	similar al homólogo SEC63 (S. cerevisiae)
Cfa Afx. 6163.1. S1 en	4.69E-03	1.73E-02	0.62	PREDICHO: Equus Caballus similar al precursor de la proteína disulfuro-isomerasa A6 (proteína disulfuro isomerasa P5) (proteína 7 que contiene el dominio tioredoxina) (LOC100072358); ARNm	XM 001 5 022 74	LOC 100 0723 58	similar al precursor de la proteína disulfuro-isomerasa A6 (proteína disulfuro isomerasa P5) (proteína 7 que contiene el dominio tioredoxina)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 9496.1. S1 en	Affx. 2.84E-02	3.73E-02	0.72	PREDICHO: LOC100072521 hipotética de Equus Caballus (LOC100072521); ARNm	XM 001 5 024 83	LOC 100 0725 21	LOC100072521 hipotética
Cfa. 1403.1.S2 s en	3.09E-04	9.27E-03	0.76	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína fosfatasa 2; subunidad catalítica; alfa (100072780); ARNm	XM 001 9 179 27	LOC 100 0727 80	similar a proteína fosfatasa 2; subunidad catalítica; alfa
Cfa 2393.1. S1 en	Affx. 4.53E-03	1.71E-02	0.76	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína fosfatasa 2; subunidad catalítica; alfa (100072780); ARNm	XM 001 9 179 27	LOC 100 0727 80	similar a proteína fosfatasa 2; subunidad catalítica; alfa
Cfa. 5559.1.A1 a en	8.21E-03	2.12E-02	1.34	proteína LOC100135097 hipotética de Xenopus tropicalis; ARNm (clon de ADNc MGC172910 IMAGEN:769430); cds completo	BC1 557 03	LOC 100 1350 97	proteína LOC100135097 hipotética
Cfa 25830.1. S1 en	Affx. 2.56E-03	1.44E-02	0.76	PREDICHO: Bos taurus similar a la enzima E2 z que conjuga la ubiquitina (ligasa Z de proteína ubiquitina) (proteína z portadora de ubiquitina) (E2 específica de Uba6 que conjuga la enzima 1) (Use1) (LOC100138178); ARNm	XM 001 7 892 75	LOC 100 1381 78	similar a la enzima E2 z que conjuga la ubiquitina (ligasa Z de proteína ubiquitina) (proteína z portadora de ubiquitina) (E2 específica de Uba6 que conjuga la enzima 1) (Use1)
Cfa. 10131.1. S1 s en	1.10E-02	2.38E-02	1.31	PREDICHO: Equus Caballus similar a HLA-B asociado al transcripto 1 (LOC100146384); ARNm	XM 001 9 176 17	LOC 100 1463 84	similar a HLA-B asociado al transcripto 1
Cfa. 1992.1. S1 en	8.07E-03	2.10E-02	0.72	PREDICHO: Sus scrofa similar al dominio dedo de zinc y BTB que contienen 1 (LOC100152273); ARNm	XM 001 9 257 89	LOC 100 1522 73	similar al dominio dedo de zinc y BTB que contienen 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3312.1. S1 en	4.95E-02	5.07E-02	0.71	PREDICHO: Sus scrofa similar a proteína que contiene poliglutamina (LOC100152768); ARNm	XM 001 9 283 16	LOC 100 1527 68	similar a proteína que contiene poliglutamina
Cfa Affx. 26442.1. S1 en	1.23E-03	1.21E-02	0.72	PREDICHO: Sus scrofa similar a proteína TIPIN (LOC100153268); ARNm	XM 001 9 252 31	LOC 100 1532 68	similar a proteína TIPIN
Cfa. 8929.1.A1 en	4.64E-03	1.73E-02	0.75	PREDICHO: Sus scrofa similar a prescualeno difosfato fosfatasa (proteína que contiene el dominio tipo 2 de fosfatasa de ácido fosfatídico) (proteína 2 que contiene el dominio PPAP2	XM 001 9 267 82	LOC 100 1532 80	similar a prescualeno difosfato fosfatasa (proteína que contiene el dominio tipo 2 de fosfatasa de ácido fosfatídico) (proteína 2 que contiene el dominio PPAP2
Cfa. 8215.1.A1 en	1.07E-03	1.20E-02	0.7	PREDICHO: Sus scrofa similar a proteína de transcripto 4 inducible por daño de ADN (proteína regulada en el desarrollo respuesta al daño de ADN 1) (redd-1) (proteína RTP801 sensible a HIF-1) (LOC100153821); ARNm	XM 001 9 252 75	LOC 100 1538 21	similar a proteína de transcripto 4 inducible por daño de ADN (proteína regulada en el desarrollo respuesta al daño de ADN 1) (redd-1) (proteína RTP801 sensible a HIF-1)
Cfa. 12793.1.A1 en	9.32E-03	2.23E-02	0.73	PREDICHO: Sus scrofa similar al ciclo de división celular asociado a 7; variante transcrita 1 (LOC100154583); ARNm	XM 001 9 286 28	LOC 100 1545 83	similar al ciclo de división celular asociado a 7
Cfa. 9507.1.A1 en	1.85E-02	3.04E-02	0.74	PREDICHO: Sus scrofa similar al homólogo de undecaprenilo pirofosfato sintasa 1 (LOC100154658); ARNm	XM 001 9 280 72	LOC 100 1546 58	similar al homólogo de undecaprenilo pirofosfato sintasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19021.1. S1 a en	3.91E-02	4.45E-02	0.76	PREDICHO: Sus scrofa similar a plastin-2 (L-plastin) (proteína 1 citosólica de linfocitos) (LCP-1) (LC64P); variante transcripta 2 (LOC100156254); ARNm	XM001929145	LOC100156254	similar a plastin-2 (L-plastin) (proteína 1 citosólica de linfocitos) (LCP-1) (LC64P)
Cfa. 1029.1. S1 en	3.52E-04	9.50E-03	0.65	PREDICHO: Sus scrofa similar a proteína sec22b de tráfico de vesícula (LOC100157002); ARNm	XM001928686	LOC100157002	similar a proteína sec22b de tráfico de vesícula
Cfa. 11703.1.A1 en	6.63E-04	1.06E-02	0.74	ARNm de Sus scrofa; clon: AMP010019E02; expresado en macrófago alveolar	AK230638	LOC100157274	similar a isoforma de proteína beta de fosfatidilinositol transfer (proteína beta de PtdIns transfer) (PtdInsTP) (PI-TP-beta)
Cfa9211.1.A1 en	4.63E-03	1.72E-02	0.75	PREDICHO: Sus scrofa similar a la familia ATPasa; dominio AAA que contiene 1 (LOC100157471); ARNm	XM001927977	LOC100157471	similar a la familia ATPasa; dominio AAA que contiene 1
Cfa. 17118.1. S1 en	4.47E-03	1.70E-02	0.73	PREDICHO: Sus scrofa similar al asociado oncógeno 2 de FGFR1 (LOC100157490); ARNm	XM001924597	LOC100157490	similar al asociado oncógeno 2 de FGFR1
Cfa. 569.1. S1 en	2.08E-02	3.21E-02	0.74	PREDICHO: Sus scrofa similar al dominio 1 amino oxidasa (que contiene flavina) (LOC100158047); ARNm	XM001927844	LOC100158047	similar al dominio 1 amino oxidasa (que contiene flavina)
Cfa Affx. 1432.1. S1 en	6.17E-04	1.05E-02	1.31	PREDICHO: LOC363725 hipotético de Rattus norvegicus (LOC363725); ARNm	XR008227	LOC363725	LOC363725 hipotético
Cfa Affx. 25106.1. S1 s en	8.17E-03	2.11E-02	0.76	proteína LOC389203 hipotético de Homo sapiens; ARNm (Clon de ADNc IMAGEN:4521185); cds parcial	BC032431	LOC389203	gen hipotético soportado por BC032431

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1161.1. S1 en	5.40E-02	5.32E-02	0.76	PREDICHO: Pan troglodytes similar al dominio OTU que contiene 6B (LOC464282); ARNm	XR 023 126	LOC 464 282	similar al dominio OTU que contiene 6B
Cfa Affx. 12773.1. S1 en	2.77E-05	7.55E-03	0.67	PREDICHO: LOC467645 hipotético de Pan troglodytes; variante transcripta 6 (LOC467645); ARNm	XM 001 165 269	LOC 467 645	LOC467645 hipotético
Cfa. 2514.1. S1 en	1.90E-03	1.32E-02	0.74	PREDICHO: Pan troglodytes similar a prenilcisteína oxidasa 1 (LOC470398); ARNm	XR 022 935	LOC 470 398	similar a prenilcisteína oxidasa 1
Cfa Affx. 3947.1. S1 s en	4.51E-02	4.80E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a LIM y al dominio 1 similar al antígeno de células senescentes; variante transcripta 6 (LOC474540); ARNm	XM 857 9 68	LOC4 74 540	similar a LIM y al dominio 1 similar al antígeno de células senescentes
Cfa Affx. 4983.1. S1 s en	1.74E-04	9.00E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a l cromosoma 2 del marco 30 de lectura abierta; variante transcripta 1 (LOC474593); ARNm	XM 531 8 22	LOC4 74 593	similar a l cromosoma 2 del marco 30 de lectura abierta
Cfa. 3321.1. S1 en	2.03E-03	1.35E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al cromosoma 2 del marco 30 de lectura abierta; variante transcripta 3 (LOC474593); ARNm	XM 859 9 68	LOC4 74 593	similar al cromosoma 2 del marco 30 de lectura abierta
Cfa Affx. 2623.1. S1 s en	3.46E-03	1.58E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína C5orf5 (proteína N61 similar a GAP); variante transcripta 1 (LOC474690); ARNm	XM 531 9 16	LOC4 74 690	similar a la proteína C5orf5 (proteína N61 similar a GAP)
Cfa Affx. 2621.1. S1 en	2.50E-02	3.50E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína C5orf5 (proteína N61 similar a GAP); variante transcripta 2 (LOC474690); ARNm	XM 845 8 94	LOC4 74 690	similar a la proteína C5orf5 (proteína N61 similar a GAP)
Cfa. 14572.1. S1 en	2.06E-03	1.35E-02	0.77	PREDICHO: LOC474705 hipotético de canis familiaris (LOC474705); ARNm	XM 531 9 31	LOC4 74 705	LOC474705 hipotético

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9913.1. S1 en	9.31E-03	2.23E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro 1 de la subfamilia A homólogo de DnaJ (proteína 4 de choque térmico 40 kDa) (homólogo 2 de la proteína DnaJ) (HSJ-2) (HSDJ); variante transcripta 3 (LOC474739); ARNm	XM 860 3 55	LOC4 74 739	similar al miembro 1 de la subfamilia A homólogo de DnaJ (proteína 4 de choque térmico 40 kDa) (homólogo 2 de la proteína DnaJ) (HSJ-2) (HSDJ)
Cfa. Afx. 3639.1. S1 s en	3.42E-03	1.57E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro 1 de la subfamilia A homólogo de DnaJ (proteína 4 de choque térmico 40 kDa) (homólogo 2 de la proteína DnaJ) (HSJ-2) (HSDJ); variante transcripta 3 (LOC474739); ARNm	XM 860 3 55	LOC4 74 739	similar al miembro 1 de la subfamilia A homólogo de DnaJ (proteína 4 de choque térmico 40 kDa) (homólogo 2 de la proteína DnaJ) (HSJ-2) (HSDJ)
Cfa. 11753.1.A1 s en	1.63E-02	2.86E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG12822-PA; isoforma A; variante transcripta 1 (LOC474773); ARNm	XM 532 0 04	LOC4 74 773	similar a CG12822-PA; isoforma A
Cfa. 12434.1.A1 en	6.00E-02	5.64E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a colágeno; tipo XXVII; alfa 1 (LOC474811); ARNm	XM 532 0 42	LOC4 74 811	similar a colágeno; tipo XXVII; alfa 1
Cfa. 2864.1.A1 s en	1.96E-03	1.33E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a histona desacetilasa 2 (HD2) (LOC475035); ARNm	XM 532 2 70	LOC4 75 035	similar a histona desacetilasa 2 (HD2)
Cfa. 20275.1. S1 en	3.89E-04	9.61E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína KIAA0196; variante transcripta 1 (LOC475095); ARNm	XM 532 3 27	LOC4 75 095	similar a proteína KIAA0196

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 21467.1. S1 en	Affx. 5.11E-04	1.00E-02	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a LOC475237 hipotético (LOC475237); ARNm	XM 532 4 70	LOC4 75 237	LOC475237 hipotético
Cfa 12494.1. S1 s en	Affx. 3.11E-03	1.53E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9882-PA (LOC475460); ARNm	XM 532 6 84	LOC4 75 460	similar a CG9882-PA
Cfa 5646.1. S1 s n	Affx. 1.74E-03	1.30E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de histona H2A; miembro V isoforma 5; variante transcripta 1 (LOC475501); ARNm	XM 532 7 24	LOC4 75 501	similar a la familia de histona H2A; miembro V isoforma 5
Cfa. 5126.1.A1 s en	Affx. 5.84E-04	1.03E-02	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de empalme 3B; subunidad 14 kDa (LOC475682); ARNm	XM 532 8 89	LOC4 75 682	similar al factor de empalme 3B; subunidad 14 kDa
Cfa 6865.1. S1 en	Affx. 6.59E-05	8.40E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de empalme 3B; subunidad 14 kDa (LOC475682); ARNm	XM 532 8 89	LOC4 75 682	similar al factor de empalme 3B; subunidad 14 kDa
Cfa. 11769.1.A1 en	Affx. 1.17E-02	2.44E-02	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína que contiene el motivo MORN individual en testículo (LOC475733); ARNm	XM 532 9 42	LOC4 75 733	similar a la proteína que contiene el motivo MORN individual en testículo
Cfa 10736.1. S1 s en	Affx. 1.18E-03	1.21E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al citocromo c oxidasa subunidad VIIa polipéptido similar a 2 (LOC475739); ARNm	XM 532 9 46	LOC 475 739	similar al citocromo c oxidasa subunidad VIIa polipéptido similar a 2
Cfa. 9136.1.A1 s en	Affx. 3.04E-03	1.51E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasa; serina; 25 isoforma 2; variante transcripta 1 (LOC475782); ARNm	XM 532 9 92	LOC 475 782	similar a proteasa; serina; 25 isoforma 2
Cfa 28197.1. S1 x en	Affx. 3.21E-02	3.99E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L36a ribosomal de subunidad larga; variante transcripta 3 (LOC 475808); ARNm	XM 852 1 26	LOC 475 808	similar a proteína L36a ribosomal de subunidad larga

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 16936.1. S1 s en	Affx. 2.25E-02	3.32E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a D-3-fosfoclicerato deshidrogenasa (3-PGDH) (LOC475815); ARNm	XM 533 0 24	LOC 475 815	similar a D-3-fosfoclicerato deshidrogenasa (3-PGDH)
Cfa. 4331.2.S1 en	7.89E-02	6.57E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C2orf25; precursor mitocondrial; variante transcripta 1 (LOC476145): ARNm	XM 533 3 52	LOC4 76 145	similar a proteína C2orf25; precursor mitocondrial
Cfa483.1.A1 en	7.50E-03	2.03E-02	0.73	PREDICHO: LOC57614 hipotético de Canis familiaris; variante transcripta 4 (LOC476181); ARNm	XM 852 4 39	LOC4 76 181	LOC476181 hipotético
Cfa. 11029.1.A1 en	3.63E-02	4.27E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C6orf115 (LOC476222): ARNm	XM 533 4 27	LOC4 76 222	similar a proteína C6orf115
Cfa Affx. 267.1. S1 en	1.35E-03	1.23E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a traslación eucariótica de elongación del factor 1 alfa 1 (LOC476228); ARNm	XM 849 3 34	LOC4 76 228	gen hipotético soportado por AY195837
Cfa Affx. 4041.1.1S1 s en	9.74E-03	2.28E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenilato quinasa 3 (LOC476342); ARNm	XM 533 5 43	LOC4 76 342	similar a adenilato quinasa 3
Cfa. 8384.1.A1 en	2.17E-04	9.06E-03	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a F35A5.1 (LOC476380); ARNm	XM 533 5 83	LOC4 76 380	similar a F35A5.1
Cfa Affx. 12289.1. S1 s en	3.20E-03	1.54E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a ubiquinol-citocromo c reductasa; polipéptido 1 hierro-azufre de Rieske (LOC476503); ARNm	XM 533 7 11	LOC4 76 503	similar a ubiquinol-citocromo c reductasa; polipéptido 1 hierro-azufre de Rieske
Cfa. 2536.1.A1 s en	3.50E-03	1.58E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 140 asociada al retinoblastoma; variante transcripta 2 (LOC476580); ARNm	XM 844 1 03	LOC4 76 580	similar a proteína 140 asociada al retinoblastoma

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 18576.1. S1 en	Affx. 4.14E-03	1.67E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de proteína nuclear E3-3; variante transcripta 1 (LOC476632); ARNm	XM 533 8 36	LOC4 76 631	similar a la isoforma a de proteína nuclear E3-3
Cfa. 26385.1. S1 en	Affx. 3.03E-03	1.51E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína CGI-140 de UPF0139; variante transcripta 1 (LOC476739); ARNm	XM 533 9 08	LOC4 76 703	similar a la proteína CGI-140 de UPF0139
Cfa. 15081.1.A1 s en	Affx. 9.91E-03	2.30E-02	0.75	PREDICHO: LOC476739 hipotético de Canis familiaris (LOC476739); ARNm	XM 533 9 44	LOC4 76 739	LOC476739 hipotético
Cfa. 15734.1.A1 en	Affx. 4.32E-02	4.70E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Oligofrenina 1 (LOC476762); ARNm	XM 533 9 68	LOC4 76 762	similar a Oligofrenina 1
Cfa. 5123.1.A1 en	Affx. 2.27E-02	3.33E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 5 epsilon; 47kDa (LOC476840); ARNm	XM 534 0 44	LOC4 76 840	similar al factor 3 de iniciación de traslación eucariótica; subunidad 5 epsilon; 47kDa
Cfa. 10497.1.A1 en	Affx. 4.30E-03	1.68E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 4 del complejo mediador (subunidad 4 de transcripción de polimerasa II de ARN) (componente 36kDa del cofactor reclutado por el activado) (ARC36) (subunidad TRAP/SMCC/PC2... (LOC476917); ARNm	XM 534 1 20	LOC4 76 917	similar a la subunidad 4 del complejo mediador (subunidad 4 de transcripción de polimerasa II de ARN) (componente 36kDa del cofactor reclutado por el activado) (ARC36) (subunidad TRAP/SMCC/PC2...)
Cfa. 15101.1.A1 s en	Affx. 2.72E-03	1.46E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína SR140 asociada a U2 (LOC4777103); ARNm	XM 534 2 97	LOC4 77 103	similar a la proteína SR140 asociada a U2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3236.1. S1 en	1.64E-03	1.28E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de selenoproteína T (LOC477113); ARNm	XM 534 3 07	LOC4 77 113	similar al precursor de selenoproteína T
Cfa Affx. 13369.1. S1 s en	5.81E-06	6.68E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de selenoproteína T (LOC477113); ARNm	XM 534 3 07	LOC4 77 113	similar al precursor de selenoproteína T
Cfa Affx. 13204.1. S1 s en	1.02E.03	1.17E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6878-PA (LOC477215); ARNm	XM 534 4 06	LOC4 77 215	similar a CG6878-PA
Cfa. 11288.1.A1 en	6.26E-03	1.90E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de U11/U12 snRNP 35K (LOC477450); ARNm	XM 534 6 48	LOC4 77 450	similar a la isoforma a de U11/U12 snRNP 35K
Cfa. 11288.1.A1 s en	3.75E-05	7.55E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de U11/U12 snRNP 35K (LOC477450); ARNm	XM 534 6 48	LOC4 77 450	similar a la isoforma a de U11/U12 snRNP 35K
Cfa. 1141.1. S1 en	1.15E-02	2.43E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a LOC477476 hipotético (LOC477476); ARNm	XM 534 6 74	LOC4 77 476	LOC477476 hipotético
Cfa. 10288.1. S1 en	1.26E-04	8.90E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína DC2; variante transcripta 2 (LOC477512); ARNm	XM 846 2 00	LOC4 77 512	similar a la proteína DC2
Cfa. 242.1. S1 en	7.92E-04	1.10E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja X que enlaza la proteína 1 (LOC477532); ARNm	XM 849 5 40	LOC4 77 532	similar a la caja X que enlaza la proteína 1
Cfa Affx. 21661.1. S1 en	4.43E-03	1.70E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a glutationa S-transferasa; theta 3 (LOC477555); ARNm	XM 534 7 50	LOC4 77 555	similar a glutationa S-transferasa; theta 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11409.3.S1 s en	3.00E-03	1.51E-02	0.72	PREDICHO: LOC477569 hipotético (LOC477569); ARNm	XM 534 7 64	LOC4 77 569	LOC477569 hipotético
Cfa Afx. 20702.1. S1 s en	2.33E-02	3.37E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína A1 nuclear heterogénea (proteína que desestabiliza la hélice) proteína enlazante de cadena sencilla) (proteína A1 de núcleo de hnRNP) (HDP); variante transcripta 5 (LOC477654); ARNm	XM 859 7 05	LOC4 77 645	similar a ribonucleoproteína A1 nuclear heterogénea (proteína que desestabiliza la hélice) proteína enlazante de cadena sencilla) (proteína A1 de núcleo de hnRNP) (HDP)
Cfa. 10773.1.A1 en	4.12E-03	1.66E-02	1.3	PREDICHO: LOC477662 hipotético (LOC477662); ARNm	XM 534 8 56	LOC4 77 662	LOC477662 hipotético
Cfa. 504.1. S1 en	1.62E-02	2.85E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6454-PB; isoforma B; variante transcripta 1 (LOC477671); ARNm	XM 534 8 64	LOC4 77 671	similar a CG6454- PB; isoforma B
Cfa. 20341.1. S1 s en	5.30E-03	1.80E-02	0.64	PREDICHO: LOC477837 hipotético (LOC477837); ARNm	XM 535 0 29	LOC4 77 837	LOC477837 hipotético
Cfa. 19049.1. S1 en	1.07E-02	2.37E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a peróxido reductasa dependiente de Tiorredoxina; precursor mitocondrial (Peroxiredoxina 3) (proteína 1 antioxidante) (AOP-1) (homólogo de proteína MER5) (HBC189) PRX III); VARIANTE TRANSCRIPTA 1 (LOC477839); ARNm	XM 535 9 31	LOC 477 839	similar a peróxido reductasa dependiente de Tiorredoxina; precursor mitocondrial (Peroxiredoxina 3) (proteína 1 antioxidante) (AOP- 1) (homólogo de proteína MER5) (HBC189) PRX III)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 12259.1. S1 en	9.10E-04	1.15E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína s22 ribosomal mitocondrial 28S (S22mt) (MRP-S22) (LOC477924); ARNm	XM 535 1 13	LOC 477 924	similar a proteína s22 ribosomal mitocondrial 28S (S22mt) (MRP-S22)
Cfa Affx. 14881.1. S1 s en	5.72E-04	1.03E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína enlazante de ubiquinol-citocromo c reductasa (LOC477994); ARNm	XM 535 1 32	LOC 477 944	similar a proteína enlazante de ubiquinol-citocromo c reductasa
Cfa Affx. 6478.1. S1 s en	1.74E-02	2.95E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al supresor del alelo G2 de SKP1 (LOC477951); ARNm	XM 535 1 39	LOC 477 951	similar al supresor del alelo G2 de SKP1
Cfa. 11104.1. S1 en	9.05E-02	7.15E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de pitanoil-CoA hidroxilasa (LOC477800); ARNm	XM 535 1 84	LOC 478 000	similar al precursor de pitanoil-CoA hidroxilasa
Cfa. 11121.1. S1 en	5.80E-03	1.85E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 nuclear inducible por TGF beta (LNR42 relacionado con el nombre L); variante transcripta 1 (LOC478102); ARNm	XM 535 2 77	LOC 478 102	similar a proteína 1 nuclear inducible por TGF beta (LNR42 relacionado con el nombre L)
Cfa. 11121.3.S1 s en	5.23E-03	1.79E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 nuclear inducible por TGF beta (LNR42 relacionado con el nombre L); variante transcripta 1 (LOC478102); ARNm	XM 535 2 77	LOC4 78 102	similar a proteína 1 nuclear inducible por TGF beta (LNR42 relacionado con el nombre L)
Cfa Affx. 24175.1. S1 s en	1.42E-03	1.25E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de la histona H2A; miembro Z; variante transcripta 1 (LOC478215); ARNm	XM 535 3 90	LOC4 78 215	similar a la familia de la histona H2A; miembro Z

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2680.1.A1 s en	1.14E-03	1.20E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al ADNc de RIKEN 2900064A13; variante transcripta 1 (LOC478242); ARNm	XM 535 4 17	LOC4 78 242	similar al ADNc de RIKEN 2900064A13
Cfa Afx. 24638.1. S1 x en	7.34E-04	1.08E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a ATP sintasa; transportando H ⁺ ; complejo F0 mitocondrial; subunidad d isoforma a (LOC478252); ARNm	XM 535 4 26	LOC4 78 252	similar a ATP sintasa; transportando H ⁺ ; complejo F0 mitocondrial; subunidad d isoforma a
Cfa Afx. 3982.1. S1 x en	4.21E-05	7.55E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a ATP sintasa; transportando H ⁺ ; complejo F0 mitocondrial; subunidad d isoforma a (LOC478252); ARNm	XM 535 4 26	LOC4 78 252	similar a ATP sintasa; transportando H ⁺ ; complejo F0 mitocondrial; subunidad d isoforma a
Cfa Afx. 24384.1. S1 s en	4.24E-03	1.68E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína ribosomal similar a 24 (LOC478313); ARNm	XM 535 4 88	LOC4 78 313	similar a la proteína ribosomal similar a 24
Cfa. 9445.1.A1 en	1.19E-02	2.47E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a 4 similar a calmodulina (LOC478351); ARNm	XM 535 5 25	LOC4 78 351	similar a 4 similar a calmodulina
Cfa. 1395.1. S1 s en	1.06E-02	2.36E-02	0.74	PREDICHO: histona H2AF de Canis familiaris; variante transcripta 1 (LOC478493); ARNm	XM 535 6 71	LOC4 78 493	histona H2AF
Cfa. 8589.2.S1 a en	3.42E-04	9.36E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la enzima E2D 3 que conjuga la ubiquitina (homólogo UBC4/5; levadura); variante transcripta 3 (LOC478495); ARNm	XM 845 8 00	LOC4 78 495	similar a la enzima E2D 3 que conjuga la ubiquitina (homólogo UBC4/5; levadura)
Cfa. 12239.1. S1 en	3.30E-03	1.55E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína L34 ribosomal (LOC478509); ARNm	XM 535 6 88	LOC4 78 509	similar a la proteína L34 ribosomal

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8972.1. S1 en	5.84E-03	1.85E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína dependiente del crecimiento y la transformación (LOC478584); ARNm	XM 535 7 60	LOC4 78 584	similar a la proteína dependiente del crecimiento y la transformación
Cfa Affx. 18479.1. S1 s en	1.48E-04	8.97E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína dependiente del crecimiento y la transformación (LOC478584); ARNm	XM 535 7 60	LOC4 78 584	similar a la proteína dependiente del crecimiento y la transformación
Cfa. 12583.1.A1 en	5.39E-03	1.81E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a Y39A1A.21a (LOC478620); ARNm	XM 535 7 94	LOC4 78 620	similar a Y39A1A.21a
Cfa Affx. 683.1. S1 s en	1.50E-03	1.25E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 1; 5 (LOC478639); ARNm	XM 535 8 12	LOC4 78 639	similar al subcomplejo 1 beta de NADH deshidrogenasa (ubiquinona) 1; 5
Cfa. 6063.1.A1 s en	4.63E-03	1.72E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena 2 intermediaria de dineína; citosólica (DH IC-2) (cadena 2 intermediaria de dineína citoplásmica); variante transcrita 1 (LOC478797); ARNm	XM 535 9 61	LOC4 78 797	similar a la cadena 2 intermediaria de dineína; citosólica (DH IC-2) (cadena 2 intermediaria de dineína citoplásmica)
Cfa Affx. 19713.1. S1 s en	4.88E-04	1.00E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena 2 intermediaria de dineína; citosólica (DH IC-2) (cadena 2 intermediaria de dineína citoplásmica); variante transcrita 1 (LOC478797); ARNm	XM 535 9 61	LOC4 78 797	similar a la cadena 2 intermediaria de dineína; citosólica (DH IC-2) (cadena 2 intermediaria de dineína citoplásmica)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 19978.1. S1 en	6.65E-03	1.94E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a histona aminotransferasa 1 (predicha), variante transcripta 3 (LOC478799); ARNm	XM 844 9 87	LOC4 78 799	similar a histona aminotransferasa 1 (predicha)
Cfa. 20465.1. S1 s en	3.50E-03	1.58E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a CBF1 que interactúa la isoforma 2 correpresora; variante transcripta 2 (LOC478804); ARNm	XM 535 9 68	LOC4 78 804	similar a CBF1 que interactúa la isoforma 2 correpresora
Cfa. 3946.2.S1 a en	5.38E-04	1.02E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia 39 transportadora de soluto (transportador de zinc); miembro 10 (LOC478850); ARNm	XM 536 0 12	LOC4 78 850	similar a la familia 39 transportadora de soluto (transportador de zinc), miembro 10
Cfa Afx. 15878.1. S1 s en	6.45E-05	8.40E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia 39 transportadora de soluto (transportador de zinc); miembro 10 (LOC478850); ARNm	XM 536 0 12	LOC4 78 850	similar a la familia 39 transportadora de soluto (transportador de zinc), miembro 10
Cfa Afx. 16996.1. S1 x en	1.68E-02	2.91E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 de choque térmico 10kDa (chaperonina 10) (LOC478855); ARNm	XM 536 0 17	LOC4 78 855	similar a la proteína 1 de choque térmico 10kDa (chaperonina 10)
Cfa Afx. 20896.1. S1 en	6.02E-03	1.87E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a B0507.2 (LOC478996); ARNm	XM 536 1 51	LOC4 78 996	similar a B0507.2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 20436.1. S1 s en	1.76E-02	2.96E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 relacionada con el factor de crecimiento derivado de hepatoma (HRP-3) (factor 2 de crecimiento derivado de Hepatoma) (LOC479059); ARNm	XM 536 2 08	LOC4 79 059	similar a la proteína 3 relacionada con el factor de crecimiento derivado de hepatoma (HRP-3) (factor 2 de crecimiento derivado de Hepatoma)
Cfa. 8201.1.A1 en	4.26E-04	9.78E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la señal que reconoce la partícula 19kDa (LOC479138); ARNm	XM 536 2 84	LOC4 79 138	similar a la señal que reconoce la partícula 19kDa
Cfa Affx. 25557.1. S1 s en	2.50E-02	3.50E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al coactivador p15 de ARN polimerasa II activado (cofactor positivo 4) (PC4) (p14) (LOC479283); ARNm	XM 536 4 25	LOC4 79 283	similar al coactivador p15 de ARN polimerasa II activado (cofactor positivo 4) (PC4) (p14)
Cfa. 10268.1.A1 s en	4.63E-03	1.72E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio Brix que contiene la proteína 2 (proteína Brix de biogénesis de ribosoma) (LOC479365); ARNm	XM 536 5 04	LOC4 79 365	similar al dominio Brix que contiene la proteína 2 (proteína Brix de biogénesis de ribosoma)
Cfa. 1427.1.A1 s en	6.94E-02	6.13E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a Glucosa-6-fosfato isomerasa (GPI) fosfoglucosa isomerasa (PGI) Fosfohexosa isomerasa (PHI) (Neuroleucina) (NLK) (antígeno 36 de esperma) (SA-36) (LOC479379); ARNm	XM 850 4 13	LOC4 79 379	similar a Glucosa-6-fosfato isomerasa (GPI) fosfoglucosa isomerasa (PGI) Fosfohexosa isomerasa (PHI) (Neuroleucina) (NLK) (antígeno 36 de esperma) (SA-36)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 24477.1. S1 s en	3.19E-03	1.54E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG32955-PD; isoforma D; variante transcripta 1 (LOC479477); ARNm	XM 536 6 14	LOC4 79 477	similar a CG32955-PD; isoforma D
Cfa. 18024.1. S1 s en	5.23E-04	1.01E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar a MAK31 (LOC479488); ARNm	XM 536 6 26	LOC4 79 488	similar a proteína similar a MAK31
Cfa Affx. 29250.1. S1 s en	4.02E-06	6.68E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4646-PA (LOC479563); ARNm	XM 536 7 03	LOC4 79 563	similar a CG4646-PA
Cfa. 3121.2.S1 s en	1.28E-03	1.23E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a citocromo c oxidasa subunidad IV isoforma 1; precursor mitocondrial (COX IV-1) Citocromo c oxidasa polipéptido IV (LOC479623); ARNm	XM 536 7 59	LOC4 79 623	similar a citocromo c oxidasa subunidad IV isoforma 1; precursor mitocondrial (COX IV-1) Citocromo c oxidasa polipéptido IV)
Cfa Affx. 30964.1. S1 s en	1.13E-03	1.20E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína KIAA0174; variante transcripta 1 (LOC479667); ARNm	XM 536 7 98	LOC4 79 667	similar a la proteína KIAA0174
Cfa. 10833.1.A1 s en	1.26E-02	2.54E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG14977-PA; variante transcripta 2 (LOC479736); ARNm	XM 854 6 40	LOC4 79 736	similar a CG14977-PA
Cfa. 1043.1.A1 en	5.42E-03	1.81E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG14980-PB; variante transcripta 3 (LOC479750); ARNm	XM 856 1 70	LOC4 79 750	similar a CG14980-PB
Cfa. 3182.1.A1 en	4.84E-03	1.75E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a JTV1 (LOC479752); ARNm	XM 536 8 80	LOC4 79 752	similar a JTV1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 17019.1. S1 s en	6.23E-02	5.76E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar al sitio 5 de integración viral ecotrópica (LOC479950); ARNm	XM 537 0 75	LOC4 79 950	similar al sitio 5 de integración viral ecotrópica
Cfa Affx. 15893.1. S1 s en	1.12E-02	2.41E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad zeta (TCP-1-zeta) (CCT zeta) (CCT-zeta-1) (LOC480059); ARNm	XM 848 6 87	LOC4 80 059	similar a la proteína 1 del complejo T; subunidad zeta (TCP-1-zeta) (CCT zeta) (CCT-zeta-1)
Cfa. 1499.1.A1 en	1.21E-02	2.48E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína OXA1L de membrana interna; precursor mitocondrial (proteína similar al ensamble 1 de oxidasa) (OXA1Hs) (Hsa); variante transcripta 1 (LOC480239); ARNm	XM 537 3 62	LOC4 80 239	similar a la proteína OXA1L de membrana interna; precursor mitocondrial (proteína similar al ensamble 1 de oxidasa) (OXA1Hs) (Hsa)
Cfa. 16186.1.A1 en	4.39E-03	1.69E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fosfatasa 1 dependiente de magnesio (LOC480264); ARNm	XM 537 3 88	LOC4 80 264	similar a la fosfatasa 1 dependiente de magnesio
Cfa Affx. 27629.1. S1 s en	2.02E-04	9.06E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 de choque térmico; alfa; variante transcripta 1 (LOC480438); ARNm	XM 537 5 57	LOC4 80 438	similar a la proteína 1 de choque térmico; alfa
Cfa. 293.1.S2 en	3.80E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 de choque térmico; alfa; variante transcripta 3 (LOC480438); ARNm	XM 863 4 95	LOC4 80 438	similar a la proteína 1 de choque térmico; alfa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 18054.1. S1 s en	7.47E-03	2.03E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad alfa 2 de importina (subunidad alfa 2 de Carioferina) (SRP1-alfa) (proteína 1 de cohorte de RAG); variante transcripta 3 (LOC480469); ARNm	XM 856 9 28	LOC4 80 469	similar a la subunidad alfa 2 de importina (subunidad alfa 2 de Carioferina) (SRP1-alfa) (proteína 1 de cohorte de RAG)
Cfa. 1871.1. S1 s en	1.31E-02	2.58E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 de ribosilación de ADP; variante transcripta 1 (LOC480487); ARNm	XM 537 6 06	LOC4 80 487	similar al factor 2 de ribosilación de ADP
Cfa Afx. 25041.1. S1 s en	3.68E-03	1.61E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al cromosoma 17 de marco 37 de lectura abierta (LOC480532); ARNm	XM 537 6 53	LOC4 80 532	similar al cromosoma 17 de marco 37 de lectura abierta
Cfa. 10996.1.A1 s en	1.67E-05	7.55E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1835-PA (LOC480665); ARNm	XM 537 7 84	LOC4 80 665	similar a CG1835-PA
Cfa. 195.1.A1 s en	3.49E-02	4.19E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L12 ribosomal 60s; variante transcripta 4 (LOC480716); ARNm	XM 857 7 32	LOC4 80 716	similar a proteína L12 ribosomal 60s

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20174.1. S1 en	1.41E-02	2.68E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína reculada por glucosa 78 kDa (GRP 78) (Inmunoglobulina de cadena pesada que enlaza la proteína) (BiP) (lumenal Ca(2+) reticular endoplásmico que enlaza la proteína grp78); variante transcripta 1 (LOC480726); ARNm	XM 537 8 47	LOC4 80 726	similar al precursor de proteína reculada por glucosa 78 kDa (GRP 78) (Inmunoglobulina de cadena pesada que enlaza la proteína) (BiP) (lumenal Ca(2+) reticular endoplásmico que enlaza la proteína grp78)
Cfa Afx. 30936.1. S1 s en	4.68E-03	1.73E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína reculada por glucosa 78 kDa (GRP 78) (Inmunoglobulina de cadena pesada que enlaza la proteína) (BiP) (lumenal Ca(2+) reticular endoplásmico que enlaza la proteína grp78); variante transcripta 1 (LOC480726); ARNm	XM 537 8 47	LOC4 80 726	similar al precursor de proteína reculada por glucosa 78 kDa (GRP 78) (Inmunoglobulina de cadena pesada que enlaza la proteína) (BiP) (lumenal Ca(2+) reticular endoplásmico que enlaza la proteína grp78)
Cfa Afx. 18006.1. S1 s en	1.90E-03	1.32E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al Citocromo tipo c hemo liasa (CCHL) (Holocitocromo tipo c sintasa) (LOC480834); ARNm	XM 537 9 50	LOC4 80 834	similar al Citocromo tipo c hemo liasa (CCHL) (Holocitocromo tipo c sintasa)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 330.1. S1 en	9.55E-04	1.16E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH-ubiquinona oxidorreductasa subunidad MWFE (Complejo 1-MWFE) (CI-MWFE) (LOC481033); ARNm	XM 538 1 55	LOC4 81 033	similar a NADH-ubiquinona oxidorreductasa subunidad MWFE (Complejo 1-MWFE) (CI-MWFE)
Cfa Affx. 4869.1. S1 s en	2.13E-03	1.36E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al motivo 21 de nudix (nucleósido difosfato enlazado a la unidad estructural X) (LOC481880); ARNm	XM 539 0 01	LOC4 81 880	similar al motivo 21 de nudix (nucleósido difosfato enlazado a la unidad estructural X)
Cfa Affx. 7536.1. S1 s en	3.30E-04	9.28E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la ribonucleoproteína nuclear pequeña D2 (LOC481991); ARNm	XM 539 1 12	LOC4 81 991	similar a la ribonucleoproteína nuclear pequeña D2
Cfa Affx. 19604.1. S1 x en	1.54E-03	1.26E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG17059-PA (LOC482354); ARNm	XM 539 4 71	LOC4 82 354	similar a CG17059-PA
Cfa Affx. 4604.1. S1 en	1.88E-04	9.00E-03	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo Olf859 (LOC482435); ARNm	XM 539 5 52	LOC4 82 435	similar al receptor olfativo Olf859
Cfa Affx. 107751.1. S1 en	5.20E-03	1.79E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a IKK que interactúa con la proteína de isoforma 2; variante transcrita 3 (LOC482619); ARNm	XM 861 3 59	LOC4 82 619	similar a IKK que interactúa con la proteína de isoforma 2
Cfa Affx. 15171.1. S1 s en	4.36E-03	1.69E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al oncógeno asociado 2 de FGFR1; variante transcrita 5 (LOC483131); ARNm	XM 851 9 11	LOC4 83 131	similar al oncógeno asociado 2 de FGFR1
Cfa. 12195.11.A1 en	2.80E-02	3.71E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Histona H2B 291B (LOC483164); ARNm	XM 540 2 82	LOC4 83 164	similar a la Histona H2B 291B

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 17974.1. S1 en	1.15E-02	2.43E-02	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia de la histona H2B; miembro F (LOC483173); ARNm	XM 540 2 91	LOC4 83 173	similar a la familia de la histona H2B; miembro F
Cfa. Affx. 759.1. S1 en	8.43E-03	2.14E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la Histona-lisina N-metiltransferasa; H3 lisina-9 específica 4 (Histona H3-H9 metil transferasa 4) (H3-K9-HMTasa 4) Dominio SET bifurcado 1) (proteína asociada a ERG con el dominio SET) (ESET) (LOC483186); ARNm	XM 540 3 04	LOC4 83 186	similar a la Histona-lisina N-metiltransferasa; H3 lisina-9 específica 4 (Histona H3-H9 metil transferasa 4) (H3-K9-HMTasa 4) Dominio SET bifurcado 1) (proteína asociada a ERG con el dominio SET) (ESET)
Cfa Affx. 1324.1. S1 en	1.89E-02	3.07E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio DUF729 que contiene 1 (LOC483997); ARNm	XM 541 1 14	LOC4 83 997	similar al dominio DUF729 que contiene 1
Cfa Affx. 5095.1. S1 en	3.01E-04	9.25E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 432 de dedo de zinc; variante transcripta 8 (LOC484338); ARNm	XM 858 0 41	LOC4 84 338	similar a la proteína 432 de dedo de zinc
Cfa Affx. 7460.1. S1 s en	4.87E-04	1.00E-02	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 39 de motivo tripartita (LOC485144); ARNm	XM 542 2 59	LOC4 85 141	similar a la proteína 39 de motivo tripartita
Cfa. 11764.1.A1 en	4.57E-02	4.84E-02	0.76	PREDICHO: LOC55004 hipotético de Canis familiaris; variante transcripta 1 (LOC485211); ARNm	XM 542 3 29	LOC4 85 211	LOC55004 hipotético

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 10116.1. S1 en	4.62E-05	7.75E-03	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo, familia 51; subunidad E; miembro 1 (LOC485235); ARNm	XM 542 3 53	LOC4 85 235	similar al receptor olfativo, familia 51; subunidad E; miembro 1
Cfa Afx. 291.1. S1 s en	7.73E-04	1.10E-02	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo 56A4 (LOC485321); ARNm	XM 542 4 39	LOC4 85 321	similar al receptor olfativo 56A4
Cfa Afx. 11153.1. S1 en	9.17E-04	1.15E-02	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo Olr245 (LOC485372); ARNm	XM 848 9 53	LOC4 85 372	similar al receptor olfativo Olr245
Cfa Afx. 13549.1. S1 s en	2.05E-03	1.35E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma a de la proteína que interactúa con RAB5 (LOC485858); ARNm	XM 542 9 82	LOC4 85 858	similar a la isoforma a de la proteína que interactúa con RAB5
Cfa Afx. 631.1. S1 x en	1.73E-04	9.00E-03	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo Olr347 (LOC486190); ARNm	XM 543 3 15	LOC4 86 190	similar al receptor olfativo Olr347
Cfa Afx. 16438.1. S1 s en	1.86E-02	3.04E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfoglicerato quinasa (LOC486305); ARNm	XM 849 2 52	LOC4 86 305	similar a fosfoglicerato quinasa
Cfa Afx. 18115.1. S1 s en	2.45E-04	9.06E-03	0.73	PREDICHO: LOC486899 hipotético de Canis familiaris (LOC486899); ARNm	XM 544 0 29	LOC4 86 899	LOC486899 hipotético
Cfa Afx. 13504.1. S1 s en	2.40E-03	1.40E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de transcripción IIB (LOC487256); ARNm	XM 544 3 82	LOC4 87 256	similar al factor de transcripción IIB
Cfa Afx. 16112.1. S1 en	2.77E-03	1.48E-02	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 alfa 1 de elongación de translación eucariótica; variante transcripta 1 (LOC488054); ARNm	XM 545 1 77	LOC4 88 054	similar al factor 1 alfa 1 de elongación de translación eucariótica

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 641.1. S1 en	5.10E-04	1.00E-02	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo; familia 6; subfamilia C; miembro 2 (LOC488680); ARNm	XM 848 4 08	LOC4 88 680	similar al receptor olfativo; familia 6; subfamilia C; miembro 2
Cfa Affx. 14124.1. S1 s en	2.99E-03	1.51E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio WW que enlaza la proteína 1 (LOC488929); ARNm	XM 847 7 19	LOC4 88 929	similar al dominio WW que enlaza la proteína 1
Cfa. 8425.1. S1 a en	5.61E-03	1.83E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al regulador 1 del factor beta de crecimiento transformante; variante transcripta 3 (LOC489312); ARNm	XM 853 9 01	LOC4 89 312	similar al regulador 1 del factor beta de crecimiento transformante
Cfa Affx. 27443.1. S1 s en	1.32E-02	2.59E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a ADNC de RIKKEN 1810036124 (loc489517); ARNm	XM 546 6 36	LOC4 89 517	similar a ADNC de RIKKEN 1810036124
Cfa. 21283.1. S1 en	4.31E-04	9.78E-03	0.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína RS21-C6 (LOC489903); ARNm	XM 547 0 22	LOC4 89 903	similar a la proteína RS21-C6
Cfa Affx. 25383.1. S1 en	6.79E-04	1.07E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína RS21-C6 (LOC489903); ARNm	XM 547 0 22	LOC4 89 903	similar a la proteína RS21-C6
Cfa Affx. 2995.1S1 en	1.79E-02	2.99E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG3337-PA (LOC490089); ARNm	XM 547 2 10	LOC4 90 089	similar a CG3337-PA
Cfa Affx. 556.1. S1 s en	3.92E-03	1.64E-02	0.72	PREDICHO: LOC490542 hipotético de Canis familiaris (LOC490542); ARNm	XM 547 6 64	LOC4 90 542	LOC490542 hipotético de
Cfa Affx. 23440.1. S1 s en	1.71E-03	1.30E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de la proteína C14orf108; variante transcripta 1 (LOC490711); ARNm	XM 547 8 33	LOC4 90 711	similar al homólogo de la proteína C14orf108

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 23866.1. S1 s en	7.67E- 04	1.10E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG2126-PA (LOC490716); ARNm	XM 547 8 38	LOC4 91 716	similar a CG2126-PA
Cfa. 15165.1.A1 s en	3.78E- 03	1.62E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG77071-PC; isoforma C (LOC490810); ARNm	XM 547 9 32	LOC4 91 810	similar a CG77071-PC; isoforma C
Cfa Affx. 10966.1. S1 s en	1.31E- 02	2.58E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a LBP-9 (LOC491028); ARNm	XM 548 1 48	LOC4 91 028	similar a LBP-9
Cfa Affx. 22384.1. S1 s en	1.99E- 02	3.14E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Culin-3 (CUL-3) (LOC491522); ARNm	XM 548 6 43	LOC4 91 522	similar a Culin-3 (CUL-3)
Cfa Affx. 19338.1. S1 en	3.92E- 05	7.55E-03	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo 630 (LOC491639); ARNm	XM 847 6 95	LOC4 91 639	similar al receptor olfativo 630
Cfa Affx. 20561.1. S1 s en	9.61E- 04	1.16E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a Y106G6H.15 (LOC491691); ARNm	XM 548 8 12	LOC4 91 691	similar a Y106G6H.15
Cfa Affx. 22633.1. S1 en	4.21E- 04	9.75E-03	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a Nucleoplasmina 3 (LOC491846); ARNm	XM 850 1 98	LOC4 91 846	similar a Nucleoplasmina 3
Cfa. 10416.1. S1 en	4.00E- 03	1.64E-02	0.76	PREDICHO: LOC519155 hipotético de Bos taurus (LOC509155); ARNm	XM 586 0 57	LOC5 09 155	LOC519155 hipotético
Cfa Affx. 10408.1. S1 en	1.81E- 02	3.00E-02	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo Olr1002 (LOC606771); ARNm	XM 843 1 61	LOC6 06 771	similar al receptor olfativo Olr1002
Cfa Affx. 14005.1. S1 en	2.66E- 04	9.11E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la señal receptora de secuencia; gamma (LOC606868); ARNm	XM 843 3 38	LOC6 06 868	similar a la señal receptora de secuencia; gamma

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14458.1. S1 s en	5.74E-03	1.84E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a 5 similar a tioredoxina (LOC607009); ARNm	XM 843 5 22	LOC6 07 009	similar a 5 similar a tioredoxina
Cfa Affx. 265.1. S1 s en	2.86E-02	3.75E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la región BL2 de cadena V-1 Ig lambda (LOC607020); ARNm	XM 843 5 51	LOC6 07 020	similar al precursor de la región BL2 de cadena V-1 Ig lambda
Cfa. 17890.1. S1 en	4.37E-02	4.72E-02	0.77	PREDICHO: proteína hipotético de Canis familiaris LOC607161 (LOC607161); ARNm	XM 843 7 62	LOC6 07 161	proteína hipotético de LOC607161
Cfa. 729.1.A1 en	2.49E-02	3.49E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 5 de Prefoldina (C-mic que enlaza la proteína Mm-1) (Modulador Mic 1) (EIG-1); variante transcripta 3 (LOG607260); ARNm	XM 853 1 05	LOC6 07 260	similar a la subunidad 5 de Prefoldina (C-mic que enlaza la proteína Mm-1) (Modulador Mic 1) (EIG-1)
Cfa. 16324.1. S1s s en	7.02E-02	6.16E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidilpropil isomerasa A isoforma 1; variante transcripta 1 (LOC607390); ARNm	XM 844 2 47	LOC6 07 390	similar a peptidilpropil isomerasa A isoforma 1
Cfa Affx. 12195.1. S1 s en	3.84E-04	9.61E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al ciclo 42 de división celular; variante transcripta 2 (LOC607429); ARNm	XM 844 2 51	LOC6 07 429	similar al ciclo 42 de división celular
Cfa Affx. 22275.1. S1 en	1.15E-02	2.42E-02	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la región Bau de cadena V-IV ig lambda (LOC607441); ARNm	XM 844 1 12	LOC6 07 441	similar a la región Bau de cadena V-IV ig lambda
Cfa Affx. 11967.1. S1 en	5.24E-03	1.79E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al citocromo P450; familia v; subfamilia v; polipéptido 2 (LOC607548); ARNm	XM 844 2 71	LOC6 07 548	similar al citocromo P450; familia v; subfamilia v; polipéptido 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 15096.1. S1 s en	1.14E-03	1.20E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína nucleolar 5; variante transcripta 6 (LOC607667); ARNm	XM 854 0 35	LOC6 07 667	similar a la proteína nucleolar 5
Cfa. 3436.1. S1 en	2.58E-02	3.56E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína nucleolar 5; variante transcripta 6 (LOC607667); ARNm	XM 854 0 35	LOC6 07 667	similar a la proteína nucleolar 5
Cfa. 18525.1. S1 en	9.12E-02	7.18E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG-18675-PA; variante transcripta 1 (LOC607697); ARNm	XM 843 4 30	LOC6 07 697	similar a CG-18675-PA
Cfa Afx. 8671.1. S1 en	2.75E-02	3.68E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al cromosoma 3 de marco 10 de lectura abierta; variante transcripta 2)LOC607701); ARNm	XM 856 3 99	LOC6 07 701	similar al cromosoma 3 de marco 10 de lectura abierta
Cfa Afx. 8671.1. S1 s en	1.53E-02	2.77E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al cromosoma 3 de marco 10 de lectura abierta; variante transcripta 2)LOC607701); ARNm	XM 856 3 99	LOC6 07 701	similar al cromosoma 3 de marco 10 de lectura abierta
Cfa Afx. 3096.1. S1 x en	6.13E-02	5.71E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína L37a ribosomal 60S (LOC607732); ARNm	XM 843 6 18	LOC6 07 732	similar a la proteína L37a ribosomal 60S
Cfa Afx. 17330.1. S1 s en	8.43E-02	6.85E-02	0.76	PREDICHO: proteína hipotética LOC607913 de Canis familiaris (LOC607913); ARNm	XM 844 7 68	LOC6 07 913	proteína hipotética LOC607913
Cfa. 18383.1. S1 en	8.62E-03	2.17E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 4 del complejo THO (Tho4) (Ally de AML-1 y LEF-1) Coactivador transcripcional Aly/REF) bZIP que potencia el factor BEF) (LOC607948); ARNm	XM 844 8 18	LOC6 07 948	similar a la subunidad 4 del complejo THO (Tho4) (Ally de AML-1 y LEF-1) Coactivador transcripcional Aly/REF) bZIP que potencia el factor BEF)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 18383.1. S1 s en	1.40E-02	2.67E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 4 del complejo THO (Tho4) (Ally de AML-1 y LEF-1) Coactivador transcripcional Aly/REF) bZIP que potencia el factor BEF) (LOC607948); ARNm	XM 844 8 18	LOC6 07 948	similar a la subunidad 4 del complejo THO (Tho4) (Ally de AML-1 y LEF-1) Coactivador transcripcional Aly/REF) bZIP que potencia el factor BEF)
Cfa Afx. 9765.1. S1 en	3 20E-02	3.98E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 4 del complejo THO (Tho4) (Ally de AML-1 y LEF-1) Coactivador transcripcional Aly/REF) bZIP que potencia el factor BEF) (LOC607948); ARNm	XM 844 8 18	LOC6 07 948	similar a la subunidad 4 del complejo THO (Tho4) (Ally de AML-1 y LEF-1) Coactivador transcripcional Aly/REF) bZIP que potencia el factor BEF)
Cfa. 1050.1. S1 en	4.34E-04	9.78E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína enlazante de la proteína de choque térmico de 70 kda; variante transcripta 3 (LOC607960); ARNm	XM 844 4 01	LOC6 07 960	similar a la proteína enlazante de la proteína de choque térmico de 70 kda
Cfa Afx. 2582.1. S1s en	1.34E-02	2.61E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de choque térmico de 70 kda que enlaza la proteína; variante transcripta 3 E1651(LOC607960); ARNm	XM 853 8 27	LOC6 07 960	similar a la proteína de choque térmico de 70 kda que enlaza la proteína
Cfa Afx. 6738.1. S1 s en	1.51E-02	2.75E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la chaperonina que contiene TCP1; subunidad 2 (LOC607972); ARNm	XM 844 8 41	LOC6 07 972	similar a la chaperonina que contiene TCP1; subunidad 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3337.1.A1 en	8.70E-03	2.17E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de empalme 3A de la subunidad 3 (Espicesoma asociado a la proteína 61) (SAP 61) (SF3a60) (LOC607999); ARNm	XM 844 8 87	LOC6 07 999	similar al factor de empalme 3A de la subunidad 3 (Espicesoma asociado a la proteína 61) (SAP 61) (SF3a60)
Cfa Afx. 4578.1. S1 en	7.87E-03	2.07E-02	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína S2 ribosomal 40S (LOC608028); ARNm	XM 844 9 21	LOC6 08 028	similar a la proteína S2 ribosomal 40S
Cfa. 12239.1. S1 s en	9.53E-04	1.16E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína L34 ribosomal (LOC608033); ARNm	XM 845 0 40	LOC6 08 033	similar a la proteína L34 ribosomal
Cfa. 18980.1. S1 en	5.06E-03	1.77E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caldesmona no muscular (CDM) (L-caldesmona); variante transcripta 2 (LOC608135); ARNm	XM 854 7 87	LOC6 08 135	similar a la caldesmona no muscular (CDM) (L-caldesmona)
Cfa Afx. 747.1. S1 s en	3.15E-03	1.53E-02	0.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a diazepam que enlaza al inhibidor (LOC608150); ARNm	XM 845 0 72	LOC6 08 150	similar a diazepam que enlaza al inhibidor
Cfa Afx. 7581.1. S1 s en	2.77E-03	1.48E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al Ssu72 ARN polimerasa II CTD homólogo de fosfatasa (LOC608299); ARNm	XM 845 2 79	LOC6 08 299	similar al Ssu72 ARN polimerasa II CTD homólogo de fosfatasa
Cfa Afx. 19568.1. S1 x en	5.16E-03	1.79E-02	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo Olf1347 (LOC608416); ARNm	XM 534 6 23	LOC6 08 416	similar al receptor olfativo Olf1347
Cfa. 3342.1.A1 s en	2.16E-03	1.37E-02	0.74	PREDICHO: proteína hipotética LOC608597 de Canis familiaris (LOC608597); ARNm	XM 845 6 66	LOC6 08 597	proteína hipotética LOC608597

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 25281.1. S1 en	6.34E-03	1.91E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína del factor 12 similar a la ribosilación de ADP; variante transcripta 1 (LOC608600); ARNm	XM 846 5 51	LOC6 08 600	similar a la proteína del factor 12 similar a la ribosilación de ADP
Cfa Affx. 2814.1. S1 s en	1.38E-04	8.90E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 de terminación de translación eucariótica (predicho); variante transcripta 4 (LOC608717); ARNm	XM 858 3 85	LOC6 08 717	similar al factor 1 de terminación de translación eucariótica (predicho)
Cfa. 10101.1.A1 s en	3.25E-04	9.28E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 de la proteína 1 enlazante de ADN de cadena sencilla (LOC608722); ARNm	XM 845 8 39	LOC6 08 727	similar a la isoforma 1 de la proteína 1 enlazante de ADN de cadena sencilla
Cfa Affx. 11168.1. S1 en	4.23E-03	1.68E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína SA ribosomal 40S (P40) (receptor de laminina de 34/67 kDa) (proteína enlazante de laminina del carcinoma de colon) (NEM/1CHDA) (proteína MGr1-Ag asociada a la resistencia a multifármacos) (LOC608876); ARNm	XM 846 0 11	LOC6 08 876	similar a la proteína SA ribosomal 40S (P40) (receptor de laminina de 34/67 kDa) (proteína enlazante de laminina del carcinoma de colon) (NEM/1CHDA) (proteína MGr1-Ag asociada a la resistencia a multifármacos)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 322.1. S1 x en	2.37E-02	1.40E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína SA ribosomal 40S (P40) (receptor de laminina de 34/67 kDa) (proteína enlazante de laminina del carcinoma de colon) (NEM/1CHDA) (proteína MGr1-Ag asociada a la resistencia a multifármacos) (LOC608876); ARNm	XM 846 0 11	LOC6 08 876	similar a la proteína SA ribosomal 40S (P40) (receptor de laminina de 34/67 kDa) (proteína enlazante de laminina del carcinoma de colon) (NEM/1CHDA) (proteína MGr1-Ag asociada a la resistencia a multifármacos)
Cfa. 11306.1.A1 s en	1.09E-02	2.38E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína SET (inhibidor I2PP2A de la fosfatasa 2A) (Plantilla que activa el factor 1) (TAF-1) (HLA-DR asociada a la proteína II) (PHAPII) (Inhibidor de la DNasa activado por la granzima A) (IGAAD) (LOC608952); ARNm	XM 846 1 14	LOC6 08 952	similar a la proteína SET (inhibidor I2PP2A de la fosfatasa 2A) (Plantilla que activa el factor 1) (TAF-1) (HLA-DR asociada a la proteína II) (PHAPII) (Inhibidor de la DNasa activado por la granzima A) (IGAAD)
Cfa Affx. 14119.1. S1 s en	7.77E-04	1.10E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG18041-PA (LOC609028); ARNm	XM 846 2 08	LOC6 09 028	similar a CG18041-PA
Cfa Affx. 25848.1. S1 s en	1.33E-04	8.90E-03	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la prohibitina (LOC609045); ARNm	XM 846 2 32	LOC6 09 045	similar a la prohibitina
Cfa Affx. 26274.1. S1 en	2.36E-03	1.40E-02	1.33	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris LOC609090 (LOC609090); ARNm	XM 846 2 92	LOC6 09 090	proteína hipotética LOC609090

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 17614.1. S1 en	2.13E-02	3.24E-02	0.72	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris LOC609096 (LOC609096); ARNm	XM 846 3 01	LOC6 09 096	proteína hipotética LOC609096
Cfa Afx. 6287.1. S1 s en	3.17E.03	1.54E-03	0.76	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris LOC609096 (LOC609096); ARNm	XM 846 3 01	LOC6 09 096	proteína hipotética LOC609096
Cfa Afx. 3811.1. S1 en	1.78E-03	1.30E-02	1.33	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris LOC609117 (LOC609117); ARNm	XM 846 3 20	LOC6 09 117	proteína hipotética LOC609117
Cfa Afx. 23009.1. S1 s en	4.10E-02	4.57E-02	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de membrana integral Tipo II NKG2-F (NKG2-F que activa el receptor NK) (receptor F de células NK) (LOC609192); ARNm	XM 846 4 08	LOC6 09 192	similar a la proteína de membrana integral Tipo II NKG2-F (NKG2-F que activa el receptor NK) (receptor F de células NK)
Cfa. 594.1.A1 en	1.19E-03	1.21E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la familia con similitud de secuencia 32; miembro A; similar; variante transcripta 2 (LOC609217); ARNm	XM 858 0 65	LOC6 09 217	similar a la familia con similitud de secuencia 32; miembro A
Cfa. 19973.1. S1 en	1.91E-03	1.32E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína putativa 40-2-3 (LOC609238); ARNm	XM 846 4 57	LOC6 09 238	similar a la proteína putativa 40-2-3
Cfa Afx. 943.1. S1 en	9.87E-02	7.53E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína L17 ribosomal 60S (L23); variante transcripta 1 (LOC609261); ARNm	XM 847 1 40	LOC6 09 261	similar a la proteína L17 ribosomal 60S (L23)
Cfa. 13253-1-A1 en	9.00E-03	2.20E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la proteína KIAA0152; variante transcripta 1 (LOC609274); ARNm	XM 846 2 98	LOC6 09 274	similar al precursor de la proteína KIAA0152

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 9633.1. S1 s en	3.45E-03	1.57E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de choque térmico de 70kDa que enlaza la proteína (LOC609351); ARNm	XM 846 5 98	LOC6 09 351	similar a la proteína de choque térmico de 70kDa que enlaza la proteína
Cfa Afx. 20546.1. S1 s en	2.26E-02	3.33E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la clasificación nexin 6 (LOC609486); ARNm	XM 846 7 46	LOC6 09 486	similar a la clasificación nexin 6
Cfa. 19736.1. S1 s en	4.27E-03	1.68E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja TATA que enlaza la proteína 1 similar a la proteína (proteína 1 similar a TBP) (Caja TATA que enlaza el factor 2 relacionado con la proteína) (factor 2 relacionado con TBP) (proteína similar a TBP de 21 - kDa) (LOC609509); ar	XM 861 2 95	LOC6 0 509	similar a la caja TATA que enlaza la proteína 1 similar a la proteína (proteína 1 similar a TBP) (Caja TATA que enlaza el factor 2 relacionado con la proteína) (factor 2 relacionado con TBP) (proteína similar a TBP de 21 - kDa)
Cfa. 14095.1. S1 s en	2.95E-03	1.50E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG17680-PA (LOC609643); ARNm	XM 846 9 40	LOC6 09 643	similar a CG17680-PA
Cfa. 4311.1.A1 en	1.74E-03	1.30E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a MHC clase II región del gen expresado KE2 (LOC609675); ARNm	XM 846 4 63	LOC6 09 675	similar a MHC clase II región del gen expresado KE2
Cfa Afx. 313.1. S1 en	6.39E-04	1.05E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo del factor enlazante de ADN de la secuencia rica en GC (LOC609740); ARNm	XM 847 0 66	LOC6 09 740	similar al homólogo del factor enlazante de ADN de la secuencia rica en GC

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 3927.1. S1 s en	5.25E-03	1.79E-02	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 1 del complejo activador del proteasoma (subunidad 28-alfa activadora del proteasoma) (PA28alfa) (PA28a) (Activador de la proteasa multicatalítica subunidad 1) (subunidad alfa del complejo regulador 113) (REG-alfa) Interferón gamma sobrerregulado I5111 p... (LOC609736); ARNm	XM 847 0 95	LOC6 09 763	similar a la subunidad 1 del complejo activador del proteasoma (subunidad 28-alfa activadora del proteasoma) (PA28alfa) (PA28a) (Activador de la proteasa multicatalítica subunidad 1) (subunidad alfa del complejo regulador 113) (REG-alfa) interferón gamma sobrerregulado I5111 p...
Cfa. 10530.1.A1 en	6.05E-03	1.87E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a alcohol deshidrogenas clase III de cadena chi (formaldehído deshidrogenasa dependiente de clutationa) (FDH) (LOC609781); ARNm	XM 847 1 20	LOC6 09 781	similar al alcohol deshidrogenas clase III de cadena chi (formaldehído deshidrogenasa dependiente de clutationa) (FDH)
Cfa Affx. 6601.1. S1 x en	3.73E-04	9.61E-03	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena ligera 1 de Ferritina (subunidad 1 de Ferritina L) (LOC609811); ARNm	XM 847 1 50	LOC6 09 811	similar a la cadena ligera 1 de Ferritina (subunidad 1 de Ferritina L)
Cfa Affx. 27186.1. S1 en	1.34E-03	1.23E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 exportador de ARN nuclear (LOC609814); ARNm	XM 847 1 53	LOC6 09 814	similar al factor 2 exportador de ARN nuclear

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 26687.1. S1 en	3.09E-03	1.53E-02	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo 464 (LOC609961); ARNm	XM 847 3 16	LOC6 09 961	similar al receptor olfativo 464
Cfa Affx. 19061.1. S1 s en	3.78E-05	7.55E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido VIIc del citocromo c oxidasa; precursor mitocondrial (LOC609990); ARNm	XM 847 3 63	LOC6 09 990	similar al polipéptido VIIc del citocromo c oxidasa; precursor mitocondrial
Cfa. 10041.1. S1 s en	7.86E-03	2.07E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 12 del factor TFIID de iniciación de transcripción (subunidades de 20/15 kDa del factor TFIID de iniciación de transcripción) (TAFIID-2/TAFII15) (TAFII20/TAFII15); variante transcripta 2 (LOC609994); ARNm	XM 847 2 49	LOC6 09 994	similar a la subunidad 12 del factor TFIID de iniciación de transcripción (subunidades de 20/15 kDa del factor TFIID de iniciación de transcripción) (TAFIID-2/TAFII15) (TAFII20/TAFII15)
Cfa Affx. 29414.1. S1 en	2.44E-03	1.41E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7338-PA (LOC610048); ARNm	XM 847 4 38	LOC6 10 048	similar a CG7338-PA

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11083.1.A1 s en	2.17E-03	1.37E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al Proteasoma subunidad alfa tipo 1 (componente C2 de proteasoma) (subunidad C2 de macrodolor) (subunidad C2 del complejo de endopeptidasa multicatalítica) (Proteasoma de cadena nu) (proteína prosomal de 30 kDa) (PROS-30) (LOC610188); ARNm	XM 847 6 20	LOC6 10 188	similar al Proteasoma subunidad alfa tipo 1 (componente C2 de proteasoma) (subunidad C2 de macrodolor) (subunidad C2 del complejo de endopeptidasa multicatalítica) (Proteasoma de cadena nu) (proteína prosomal de 30 kDa) (PROS-30)
Cfa. 9169.1. S1 en	3.36E-03	1.56E-02	0.69	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris LOC610216 (LOC610216); ARNm	XM 847 6 55	LOC6 10 216	proteína hipotética de Canis familiaris LOC610216
Cfa Afx. 23970.1. S1 s en	1.64E-03	1.28E-02	0.74	PREDICHO: proteína hipotética LOC610216 de Canis familiaris (LOC610216); ARNm	XM 847 6 55	LOC6 10 216	proteína hipotética LOC610216
Cfa Afx. 17653.1. S1 s en	2.33E-04	9.06E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar al miembro 2 del factor 4E de iniciación de translación eucariótica (LOC610238); ARNm	XM 847 6 81	LOC6 10 238	similar al miembro 2 del factor 4E de iniciación de translación eucariótica
Cfa. 1293.1.A1 en	3.08E-03	1.52E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a D-3-fosfoglicerato deshidrogenasa (3-PGDH) (LOC610301); ARNm parcial	XM 847 7 71	LOC6 10 301	similar a D-3-fosfoglicerato deshidrogenasa (3-PGDH)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 4699.1.A1 en	5.39E-03	1.81E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al motivo 8 de la unidad estructural X enlazada al nucleósido difosfato; precursor mitocondrial (motivo 8 de Nudix); variante transcripta 1 (LOC610433); ARNm	XM 846 6 18	LOC6 10 433	similar al motivo 8 de la unidad estructural X enlazada al nucleósido difosfato; precursor mitocondrial (motivo 8 de Nudix)
Cfa. Affx. 17839.1. S1 en	2.21E-04	9.06E-03	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor olfativo 10T2 (LOC610659); ARNm	XM 848 1 98	LOC6 10 659	similar al receptor olfativo 10T2
Cfa. 19552.1. S1 en	4.59E-02	4.85E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 9 transactivada de HCV NS5A (L5) (LOC610710); ARNm	XM 848 2 53	LOC6 10 710	similar a la proteína 9 transactivada de HCV NS5A (L5)
Cfa Affx. 22590.1. S1 s en	5,96E-01	1.87E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína C14orf166 (LOC610819); ARNm	XM 848 3 73	LOC6 10 819	similar a la proteína C14orf166
Cfa. 4223.1. S1 en	2.73E-03	1.47E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de la proteína de 10 kDa del tumor de células de Leydig (LOG610870); ARNm	XM 848 4 32	LOC6 10 870	similar al homólogo de la proteína de 10 kDa del tumor de células de Leydig
Cfa Affx. 405.1. S1 s x en	1.96E-04	9.06E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína L632 ribosomal 605 (LOC610893); ARNm	XM 848 5 85	LOC6 10 983	similar a la proteína L632 ribosomal 605
Cfa. 20665.1. S1 en	9.20E-03	2.22E-02	0.72	PREDICHO: proteína hipotética LOC611035 de canis familiaris (LOC611035); ARNm	XM 862 7 72	LOC6 11 035	proteína hipotética LOC611035
Cfa Affx. 19320.1. S1 s en	8.30E-03	2.13E-02	0.75	PREDICHO: proteína hipotética LOC611035 de canis familiaris (LOC611035); ARNm	XM 862 7 72	LOC6 11 035	proteína hipotética LOC611035

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11431.1.A1 en	1.55E-03	1.26E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 4E tipo 3 de iniciación de translación eucariótica (eIF4E tipo 3) (proteína tipo 3 enlazante de cap de ARNm) (3 similar al factor 4E de iniciación de translación eucariótica) (proteína homóloga del factor 4E de iniciación de translación eucariótica) (mR... (LOC611215); ARNm	XM 534 6 06	LOC6 11 215	similar al factor 4E tipo 3 de iniciación de translación eucariótica (eIF4E tipo 3) (proteína tipo 3 enlazante de cap de ARNm) (3 similar al factor 4E de iniciación de translación eucariótica) (proteína homóloga del factor 4E de iniciación de translación eucariótica) (mR...
Cfa Afx. 18992.1. S1 s en	2.89E-02	3.77E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad sigma -1B del complejo 1 de la proteína relacionada con el adaptador (subunidad sigma-1B del complejo AP-1 de la proteína adaptadora) (subunidad sigma 1B de adaptina HA1/AP1 del adaptador Golgi) (cadena pequeña de sigma - 1B del complejo 1 de la pr de ensamble de Catrina) (Sigma 1B s... (LOC611468); ARNm	XM 849 1 37	LOC6 11 468	similar a la subunidad sigma - 1B del complejo 1 de la proteína relacionada con el adaptador (subunidad sigma-1B del complejo AP-1 de la proteína adaptadora) (subunidad sigma 1B de adaptina HA1/AP1 del adaptador Golgi) (cadena pequeña de sigma - 1B del complejo 1 de la pr de ensamble de Catrina) (Sigma 1B s...

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 28021.1. S1 en	6.60E-03	1.94E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 1 de la membrana expresada de células de mastocitos (LOC611542); ARNm	XM 849 2 22	LOC6 11 542	similar a la proteína 1 de la membrana expresada de células de mastocitos
Cfa Afx. 22588.1. S1 en	1.46E-02	2.72E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína enlazante de GTP relacionada con rab (LOC611576); ARNm	XM 849 2 60	LOC6 11 576	similar a la proteína enlazante de GTP relacionada con rab
Cfa Afx. 24327.1. S1 en	4.27E-05	7.55E-03	1.36	PREDICHO: proteína hipotética LOC611848 de Canis familiares (LOC611848); ARNm	XM 849 5 69	LOC6 11 848	proteína hipotética LOC611848
Cfa. 9152.2.A1 a en	3.16E-05	7.55E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la enzima E2N que conjuga la ubiquitina (LOC611865); ARNm	XM 849 5 88	LOC6 11 865	similar a la enzima E2N que conjuga la ubiquitina
Cfa. 12014.1.A1 a en	1.31E-03	1.23E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena ligera de dineína citoplásmica (complejo T del homólogo de la proteína 1 específica de testículo) (proteína CW-1) (LOC612201); ARNm	XM 849 9 38	LOC6 12 2 01	similar a la cadena ligera de dineína citoplásmica (complejo T del homólogo de la proteína 1 específica de testículo) (proteína CW-1)
Cfa Afx. 1907.1. S1 s en	4.14E-04	9.68E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a la cadena ligera de dineína citoplásmica (complejo T del homólogo de la proteína 1 específica de testículo) (proteína CW-1) (LOC612201); ARNm	XM 849 9 38	LOC6 12 201	similar a la cadena ligera de dineína citoplásmica (complejo T del homólogo de la proteína 1 específica de testículo) (proteína CW-1)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 30077.1. S1 en	9.96E-02	7.57E-02	1.32	PREDICHO: proteína hipotética LOC612376 de Canis familiares (LOC612376); ARNm	XM 850 1 07	LOC6 12 376	proteína hipotética LOC612376
Cfa Afx. 23117.1. S1 x en	1.22E-02	2.50E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la ATP sintasa; que transporta H+; complejo mitocondrial F0; subunidad f; isoforma 2 (LOC612408); ARNm	XM 850 1 42	LOC6 12 408	similar a la ATP sintasa; que transporta H+; complejo mitocondrial F0; subunidad f
Cfa. 11098.1.A1 en	3.71E-03	1.61E-02	0.69	PREDICHO: proteína hipotética LOC612531 de Canis familiaris (LOC612531); ARNm	XM 850 2 61	LOC6 12 531	proteína hipotética LOC612531
Cfa Afx. 6153.1. S1 s en	1.20E-03	1.22E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína C14orf111 (LOC612615); ARNm	XM 850 3 48	LOC6 12 615	similar a la proteína C14orf111
Cfa. 2516.1. S1 en	4.46E-03	1.70E-02	0.72	PREDICHO: LOC22889 hipotético de Canis familiaris; variante transcripta 4 (LOC612936); ARNm	XM 859 4 80	LOC6 12 936	LOC22889 hipotético
Cfa Afx. 13397.1. S1 en	5.53E-03	1.82E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo de NO transcripción CCR4; subunidad 1 isoforma a (LOC612978); ARNm	XM 848 7 22	LOC6 12 978	similar al complejo de NO transcripción CCR4
Cfa Afx. 465.1. S1 s en	2.34E-03	1.40E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 de la proteína-1 relacionada con MblK1 (LOC613008); ARNm	XM 849 9 55	LOC6 13 008	similar a la isoforma 1 de la proteína-1 relacionada con MblK1
Cfa. 17938.1. S1 en	2.81E-03	1.48E-02	0.74	PREDICHO: Macaca mulatta similar a CG8009 PA; isoforma A (LOC694061); ARNm	XM 001 0 829 01	LOC6 94 061	similar a CG8009 PA; isoforma A

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2406.1.A1 en	7.17E-04	1.08E-02	0.7	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la proteína S10 ribosomal mitocondrial (LOC695892); ARNm	XM001087232	LOC695892	similar a la proteína S10 ribosomal mitocondrial
Cfa. 8912.1.A1 en	9.89E-03	2.29E-02	0.69	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la proteína 11 relacionada con el receptor de lipoproteína de baja densidad (LOC697652); ARNm	XR010332	LOC697652	similar a la proteína 11 relacionada con el receptor de lipoproteína de baja densidad
Cfa. 11661.1.A1s en	1.44E-04	8.90E-03	0.69	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la enzima E2 que conjuga la ubiquitina; J1 (LOC701100); ARNm	XM001096217	LOC701100	similar a la enzima E2 que conjuga la ubiquitina; J1
Cfa. 10621.1.S1 en	9.64E-03	2.27E-02	0.74	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la proteína 11A que contiene el dominio tipo CCCH de dedo de zinc; variante transcripta 8 (LOC701537); ARNm	XM001100644	LOC701537	similar a la proteína 11A que contiene el dominio tipo CCCH de dedo de zinc
Cfa Afx. 14680.1. S1 en	1.15E-02	2.42E-02	0.73	PREDICHO: Macaca mulatta similar al factor de empalme; 2 rico en arginina/serina; interacción de proteínas; variante transcripta 2 (LOC701894); ARNm	XM001093433	LOC701894	similar al factor de empalme; 2 rico en arginina/serina; interacción de proteínas
Cfa. 18058.1.S1 en	8.81E-02	7.03E-02	0.73	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la proteína 2 transactivada de HBxAg; variante transcripta 4 (LOC704297); ARNm	XM001099296	LOC704297	similar a la proteína 2 transactivada de HBxAg
Cfa Afx. 7602.1. S1 en	9.20E-04	1.15E-02	0.74	PREDICHO: proteína hipotética LOC704974 de Macaca mulatta (LOC704974); ARNm	XM001100756	LOC704974	proteína hipotética LOC704974

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 931.1A1 en	1.17E-02	2.45E-02	0.74	PREDICHO: Macaca mulata similar a la isoforma 1 del cromosoma 1 de marco 9 de lectura abierta (LOC705776); ARNm	XM001100732	LOC705776	similar a la isoforma 1 del cromosoma 1 de marco 9 de lectura abierta
Cfa. 11241.1.A1 en	4.55E-03	1.72E-02	0.75	PREDICHO: Macaca mulata similar a la triple repetición 1 del transportador mitocondrial; variante transcripta 1 (LOC706278); ARNm	XM001099530	LOC706278	similar a la triple repetición 1 del transportador mitocondrial
Cfa Afx. 21952.1. S1 s en	1.57E-05	7.55E-03	0.7	PREDICHO: Macaca mulata similar a Adrenoxina; precursor mitocondrial (ferredoxina adrenal) (Ferredoxina-1) (Hepatorredoxina) (LOC709110); ARNm	XM001105034	LOC709110	similar a Adrenoxina; precursor mitocondrial (ferredoxina adrenal) (Ferredoxina-1) (Hepatorredoxina)
Cfa Afx. 24141.1. S1 en	2.46E-04	9.06E-03	0.73	PREDICHO: Macaca mulata similar a similar de RCC1 (LOC712305); ARNm	XR012607	LOC712305	similar a similar de RCC1
Cfa. 10226.1.A1 en	4.60E-02	4.86E-02	0.77	PREDICHO: Macaca mulata similar a egl nueve homólogo 1; variante transcripta 2 (LOC713410); ARNm	XM001104870	LOC713410	similar a egl nueve homólogo 1
Cfa. 14782.1. S1 a en	3.16E-02	3.96E-02	0.6	PREDICHO: proteína hipotética LOC714586 de Macaca mulata; variante transcripta 1 (LOC714586); ARNm	XM00111772	LOC714586	proteína hipotética LOC714586
Cfa. 10431.1.A1 a en	1.26E-02	2.54E-02	0.72	PREDICHO: Macaca mulata similar a glican de fosfatidilinositol clase V; variante transcripta 9 (LOC714898); ARNm	XM00110112	LOC714898	similar a glican de fosfatidilinositol clase V

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 26816.1. S1 sen	2.38E-03	1.40E-02	0.76	PREDICHO: Macaca mulata similar al homólogo de la proteína C1orf77; variante transcripta 3 (LOC715501); ARNm	XM00111616	LOC715501	similar al homólogo de la proteína C1orf77
Cfa. 19566.1. S1 en	1.84E-03	1.31E-02	0.75	PREDICHO: Macaca mulata similar al homólogo de levadura MON2 (LOC716872); ARNm	XR014521	LOC716872	similar al homólogo de levadura MON2
Cfa. 2344.1S1 en	2.10E-02	3.21E-02	0.74	PREDICHO: Homo sapiens similar a la proteína x 013; variante transcripta 3 (LOC727778); ARNm	XM001125757	LOC727778	similar a la proteína x 013
Cfa. 740.1. S1 en	1.62E-03	1.27E-02	0.62	ARNm del subcomplejo 6 beta de NADH deshidrogenasa de Suscrofa; cds completo	DQ372077	LOC733605	ARNm del subcomplejo 6 beta de NADH deshidrogenasa
Cfa. 2883.1.A1 en	5.63E-03	1.83E-02	0.75	PREDICHO: Pan troglodytes similar a la proteína FLJ31818 (LOC735339); ARNm	XM001134676	LOC735339	similar a la proteína FLJ31818
Cfa. 1695.1. S1 en	2.60E-03	1.44E-02	0.76	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de la proteína EURL; variante transcripta 2 (LOC743596); ARNm	XM001156300	LOC743596	similar al homólogo de la proteína EURL
Cfa. 20450.1. S1 en	2.30E-03	1.39E-02	0.72	PREDICHO: selenoproteína H de Pan troglodytes (LOC743806); ARNm	XR020651	LOC743806	selenoproteína H
Cfa Affx. 24974.1. S1 sen	3.24E-03	1.55E-02	0.77	PREDICHO: Pan troglodytes similar al receptor de glutamato; ionotrópico; 1A similar a N-metil D-aspartato (LOC744063); ARNm	XR021922	LOC744063	similar al receptor de glutamato; ionotrópico; 1A similar a N-metil D-aspartato

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 466.1. S1 en	3.94E-04	9.61E-03	1.32	PREDICHO: Bos taurus similar a la proteína 202 de la transmembrana (LOC787358); ARNm	XM001254778	LOC787358	similar a la proteína 202 de la transmembrana
Cfa. 896.1.A1 en	2.84E-03	1.48E-02	0.73	PREDICHO: Bos taurus similar al gen 4121402D02 de ADC de RIKEN (LOC787839); ARNm	XM001254563	LOC787839	similar al gen 4121402D02 de ADC de RIKEN
Cfa. 14833.1. S1 en	4.54E-03	1.71E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG32699-PA (LOC611330); ARNm	XM848987	LPCAT2	similar a CG32699-PA
Cfa. 15317.1.A1 en	8.92E-03	2.19E-02	0.77	PREDICHO: lisofosfatidilglicerol aciltransferasa de Macaca mulatta; variante transcripta 2 (LPGAT1); ARNm	XM001108590	LPGAT1	lisofosfatidilglicerol aciltransferasa
CfaAffx22529.1. S s en.	5.00E-02	5.10E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de proteína asociada al receptor de Alfa-2-macroglobulina (Alfa-2-MRAP) (proteína 1 asociada a la proteína relacionada con el receptor de lipoproteína de baja densidad) (RAP) (LOC479072); ARNm	XM536218	LRPA P1	similar al precursor de proteína asociada al receptor de Alfa-2-macroglobulina (Alfa-2-MRAP) (proteína 1 asociada a la proteína relacionada con el receptor de lipoproteína de baja densidad) (RAP)
Cfa Affx. 4662.1. S1 s en	3.92E-04	9.61E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína que contiene el motivo de PPR rico en leucina (LOC474575); ARNm	XM531800	LRPP RC	similar a la proteína que contiene el motivo de PPR rico en leucina

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 21185.1. S1 s en	1.20E-04	8.90E-03	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la repetición rica en leucina que contiene 2; variante transcripta 2 (LOC476647); ARNm	XM 859 3 31	LRRC 2	similar a la repetición rica en leucina que contiene 2
Cfa. 2068.1. S1 en	5.97E-03	1.87E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG3040-PA (LOC478269); ARNm	XM 535 4 43	LRRC 57	repetición rica en leucina que contiene 57
Cfa. 11684.1.A1 en	1.41E-03	1.24E-02	0.76	ARNm de Homo sapiens para la proteína KIAA1437; cds parcial	AB0 378 58	LRRC 8A	familia que contiene 8 de repetición rica en leucina
Cfa Affx. 10169.1. S1 s en	1.67E-03	1.29E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína LSM1 similar a Sm asociada a U6 snARN (núcleo pequeño de Casm ribonuclear) (similar a Sm asociado al cáncer) (LOC475587); ARNm	XM 532 8 06	LSM1	homólogo LSM1, ARN nuclear pequeño US asociado (S. cerevisiae)
Cfa. 19032.1. S1 s en	1.19E-03	1.21E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a sinucleína alfa que enlaza la proteína (LOC476492); ARNm	XM 533 7 01	LSM1 4A	LSM14A, homólogo A de SCD6 (S. cerevisiae)
Cfa. 2957.1.A1 s en	3.79E-03	1.63E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a sinucleína alfa que enlaza la proteína (LOC476492); ARNm	XM 533 7 01	LSM1 4A	LSM14A, homólogo A de SCD6 (S. cerevisiae)
Cfa. 3288.1.A1 en	7.92E-04	1.10E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a sinucleína alfa que enlaza la proteína (LOC476492); ARNm	XM 533 7 01	LSM1 4A	LSM14A, homólogo A de SCD6 (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 12446.1. S1 s en	6.35E-03	1.91E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína LSM6 similar a Sm asociada a U6 snARN (LOC612329); ARNm	XM 850 0 69	LSM6	homólogo de LSM6, ARN nuclear pequeño US asociado (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8071.2.S1 a en	1.66E-03	1.28E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína LSm7 similar a Sm asociada a U6 snARN (LOC612170); ARNm	XM 849 9 02	LSM7	homólogo de LSM7, ARN nuclear pequeño US asociado (S. cerevisiae)
Cfa. 20853.1. S1 s en	8.81E-03	2.18E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína LSm8 similar a Sm asociada a U6 snARN (LOC475298); ARNm	XM 861 1 26	LSM8	homólogo de LSM8, ARN nuclear pequeño US asociado (S. cerevisiae)
Cfa. 21629.2.S1 s en	2.57E-02	3.55E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma b similar a LUC7; variante transcripta 2 (LOC479898); ARNm	XM 860 4 39	LUC7 L	similar a LUC7 (S. cerevisiae)
Cfa. 816.1. S1 en	4.04E-03	1.65E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de antígeno de linfocitos 96 (proteína MD-2) (ESOP-1) (LOC610524); ARNm	XM 848 0 45	LY96	antígeno de linfocitos 96
Cfa. 3936.1.A1 en	3.75E-02	4.34E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a 6 similar al lisozoma; variante transcripta 2 (LOC480492); ARNm	XM 855 7 95	LYZL 6	6 similar al lisozoma
Cfa. 1844.1. S1 en	1.58E-02	2.82E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína MAD2A del punto de regulación de ensamble de huso mitótico (1 similar a MAD) (HsMAD2); variante transcripta 1 (LOC476070); ARNm	XM 533 2 78	MAD 2L1	1 similar al deficiente arresto mitótico de MAD2 (levadura)
Cfa. 11345.1.A1 s en	3.44E-03	1.57E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo de la proteína de Mago nashi; variante transcripta 1 (LOC479562); ARNm	XM 536 7 02	MAG OH	homólogo de mago-nashi, asociado a la proliferación (Drosophila)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 26407.1. S1 en	4.00E-05	7.55E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína asociada a la implantación; variante transcripta 1 (LOC491975); ARNm	XM 549 0 95	MAG T1	transportador de magnesio 1
Cfa. 9780.1.A1 en	7.21E-03	2.00E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína relacionada con la curación de heridas de la córnea; variante transcripta 4 (LOC476304); ARNm	XM 851 2 02	MAK1 0	homólogo de MAK10, subunidad aminoácido N-acetiltransferasa (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 1126.1. S1 s en	7.93E-03	2.08E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar al tejido linfóide de translocación de linfoma de la proteína 1 (translocación asociada al linfoma MALT) (Paracaspa) (LOC476188); ARNm	XM 533 3 92	MALT 1	mucosa asociada al tejido linfóide del gen 1de translocación de linfoma
Cfa. 10702.1.A1 en	5.96E-04	1.04E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a manosidasa; alfa; clase 1ª; miembro 1 (LOC476275); ARNm	XM 533 4 81	MAN 1A1	Manosidasa , alfa, clase 1A miembro 1
Cfa. 10702.2.A1 a en	1.21E-03	1.22E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a manosidasa; alfa; clase 1ª; miembro 1 (LOC476275); ARNm	XM 533 4 81	MAN 1A1	Manosidasa , alfa, clase 1A miembro 1
Cfa. 9537.1. S1 en	1.81E-03	1.31E-02	0.73	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZ686H1529 (origen clon DKFZ686H1529)	AL8 334 86	MAN 2A1	Manosidasa , alfa, clase 2A, miembro 1
Cfa. 16571.1. S1 s en	4.22E-03	1.67E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1B asociada a microtúbulos (MAP 1B); variante transcripta 1 (LOC478092); ARNm	XM 535 2 69	MAP1 B	Proteína 1B asociada Microtúbulos
Cfa. 3055.1.A1 en	1.08E-02	2.37E-2	0.73	PREDICHO: Pan troglodytes mitógeno activada proteína quinasa, quinasa, quinasa 2; variante transcripta (MAP3K2); ARNm	XM 001 1 372 66	MAP3 K2	mitógeno activada proteína quinasa, quinasa, quinasa 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 5642.1. S1 s en	5.51E-04	1.02E-02	0.69	PREDICHO: Equus caballus, mitógeno activada proteína quinasa, quinasa, quinasa 7, variante transcripta 4 (MAP3K7); ARNm	XM 001 5 037 86	MAP3 K7	mitógeno activada proteína quinasa, quinasa, quinasa 7
Cfa. 16190.1.A1 en	8.10E-03	2.10E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a mitógeno activada proteína quinasa, quinasa, quinasa 7, isoforma 1 interactuando proteína 2 (LOC484028); ARNm	XM 541 1 45	MAP3 K7 IP2	mitógeno activada proteína quinasa, quinasa, quinasa 7, interactuando proteína 2
Cfa Affx. 23699.1. S1 en	3.64E-03	1.61E-02	0.69	Canis lupus familiaris proteína quinasa 1 mitógeno activado (MAOK1); ARNm	XM 001 1 108 00	MAP K1	proteína quinasa 1 mitógeno activado
Cfa Affx. 23699.1. S1 s en	1.76E-03	1.30E-02	0.76	Canis lupus familiaris proteína quinasa 1 mitógeno activado (MAOK1); ARNm	XM 001 1 108 00	MAP K1	proteína quinasa 1 mitógeno activado
Cfa. 1239.1. S1 s en	1.82E-03	1.31E-02	0.75	Canis familiaris p38 proteína quinasa mitógeno activado; Cds completos	AF0 035 97	MAP K14	proteína quinasa 14 mitógeno activado
Cfa Affx. 23968.1. S1 s en	2.04E-03	1.35E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa 6 mitógeno activado (quinasa 3 señal regulada extracelular) (EPK-3) (MAP quinasa isoforma p97) (p97-MAPK); variante transcripta 4 (LOC478311); ARNm	XM 858 0 91	MAP K6	proteína quinasa 6 mitógeno activado
Cfa Affx. 11823.1. S1 s en	1.34E-03	1.23E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a microtúbulos proteína asociada RP/EB miembro de la familia 1 (proteína EB1 unión APC) (proteína 1 unión final) (EB1) (LOC608797); ARNm	XM 845 9 32	MAP RE 1	microtúbulos proteína asociada RP/EB miembro de la familia 1
Cfa. 15713.1.A1 en	4,83E+00	5.00E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a MARCO receptor de macrófagos (receptor de macrófagos con estructura de colágeno) (LOC476117); ARNm	XM 533 3 24	MAR CO	receptor de macrófagos con estructura de colágeno

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 13953.1.A1 s en	2.67E-03	1.46E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenosiltransferasa II metionina ; alfa; variante transcripta 7 (LOC475770); ARNm	XM 530 4 99	MAT2 A	adenosiltransferasa II metionina ; alfa
Cfa Affx. 26280.1. S1 s en	1.28E-03	1.23E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenosiltransferasa II metionina ; isoforma beta 1 (LOC479301); ARNm	XM 536 4 39	MAT2 8	adenosiltransferasa II metionina; beta 1
Cfa Affx. 18288.1. S1 en	1.74E-04	9.00E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris a metilcrotonoilo coenzima A carboxilasa 1 (alfa); variante transcripta 1 (LOC478645); ARNm	XM 535 8 17	MCC C1	metilcrotonoilo coenzima A carboxilasa 1 (alfa);
Cfa. 4015.2.A1 s en	1.82E-02	3.01E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a epimerasa metilcrotonoil -CoA; precursor mitocondrial (racemasa DL-metilcrotonoil-CoA) (LOC479018); ARNm	XM 536 1 70	MCE E	epimerasa metilcrotonoil-CoA
Cfa. 2489.1. S1 en	3.94E-03	1.64E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a la replicación del ADN del factor de licencias MCM6 (P105MCM) (LOC476131); ARNm	XM 533 3 38	MCM 6	mantenimiento del mini-cromosoma del componente complejo 6
Cfa Affx. 8672.1. S1 s en	1.28E-03	1.23E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la replicación del ADN del factor de licencias MCM6 (P105MCM) (LOC476131); ARNm	XM 533 3 38	MCM 6	mantenimiento del mini-cromosoma del componente complejo 6
Cfa. 2296.1.A1 s en	2.42E-03	1.41E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a célula maligna T ampliada en secuencia 1, variante transcripta 3 (LOC481038); ARNm	XM 859 5 81	MCT S1	célula maligna T ampliada en secuencia 1
Cfa. 3262.1.A1 en	1.84E-03	1.31E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa de malato, citoplasmática, variante transcripta 2 (LOC474614); ARNm	XM 860 8 17	MDH 1	deshidrogenasa 1 de malato, NAD (soluble)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3262.1.A1 s en	6.81E-04	1,07E+00	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa de malato, citoplasmática, variante transcrita 2 (LOC474614); ARNm	XM 860 8 17	MDH 1	deshidrogenasa 1 de malato, NAD (soluble)
Cfa. 702.2.S1 en	7.06E-03	1.99E-02	0.72	Felis catus ARNm para proteína MDM2 doble minutos 2; Cds completos	AB0 997 09	MDM 2	MdM2 p53 proteína de unión homóloga (mouse)
Cfa Affx. 1587.1. S1 en	1.50E-03	1.25E-02	0.67	Felis catus ARNm para proteína MDM2 doble minutos 2; Cds completos	AB0 997 09	MDM 2	MdM2 p53 proteína de unión homóloga (mouse)
Cfa Affx. 1587.1. S1 s en	4.33E-02	4.70E-02	0.76	Canis familiaris MDM2 alfa ARNm; Cds completos	AF3 224 17	MDM 2	MdM2 p53 proteína de unión homóloga (mouse)
Cfa Affx. 13482.1. S1 s en	1.49E-03	1.25E-02	1.39	PREDICHO: Equus caballus subunidad similar a 12- complejo mediador (MED12L); ARNm	XM 001 9 177 28	MED 12L	caballus subunidad similar a 12- complejo mediador
Cfa Affx. 18384.1. S1 s en	9.33E-04	1.16E-02	0.75	Familiaris similar a transcripción de polimerasa II con mediador de ARN; subunidad 18 homóloga, variante transcrita 2 (LOC487334); ARNm	XM 860 5 82	MED 18	Complejo mediador subunidad 18
Cfa. 4136.1. S1 en	1.48E-02	2.73E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a SRB7 polimerasa B homóloga supresor de ARN; variante de transcrita 2 (LOC477664); ARNm	XM 847 2 25	MED 21	Complejo mediador subunidad 21
Cfa Affx. 17422.1. S1 s en	3.54E-03	1.59E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a SRB7 polimerasa B homóloga supresor de ARN; variante de transcrita 2 (LOC477664); ARNm	XM 847 2 25	MED 21	Complejo mediador subunidad 21
Cfa. 15341.1. S1 s en	4.38E-03	1.69E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar al similar a la intersexualidad (LOC612535); ARNm	XM 850 2 65	MED 29	Complejo mediador subunidad 29

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3244.1.A1 en	7.57E-05	8.57E-03	0.7	Familiaris similar a transcripción de polimerasa II con mediador de ARN; subunidad 31 (Subunidad SOH1 complejo mediador) (hSOH1) (LOC607000); ARNm	XM 843 5 04	MED 31	Complejo mediador subunidad 31
Cfa. 3124.1. S1 en	1.06E-02	2.35E-02	0.74	Bos Taurus subunidad 6 complejo medidor, ARNm (ADNc clon MGC:127713 imagen:7955413); Cds completos	BC1 026 48	MED 6	Complejo mediador subunidad 6
Cfa Affx. 25501.1. S1 en	5.15E-03	1.79E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a polimerasa ARN mediador regulador transcripcional, subunidad 6 homóloga (componente kDA cofactor 33 activador reclutado) (ARC33) (antígeno NY-REN-28) (LOC490763); ARNm	XM 547 8 85	MED 6	Complejo mediador subunidad 6
Cfa Affx. 26895.1. S1 s en	3.81E-04	9.61E-03	0.71	Homo sapiens subunidad 7 complejo mediador (MED7)I variante transcripta 1, ARNm	NM 001 1 008 16	MED 7	Complejo mediador subunidad 7
Cfa. 9519.1.A1 en	3.42E-05	7.55E-03	0.63	Homo sapiens factor 2C potenciador de miocitos (MEF2C); variante transcripta 2; ARNm	NM 001 1 310 05	MEF2 C	Factor 2C potenciador de miocitos
Cfa. 16795.1. S1 en	1.68E-03	1.29E-02	0.71	PREDICHO: Pan troglodytes proteína LOC461760 hipotética; variante transcripta 4 (LOC461760); ARNm	XM 001 1 426 58	MEF2 C	Factor 2C potenciador de miocitos
Cfa. 9073.1.A1 s en	1.34E-04	8.90E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a potenciador del factor 2 por transcripción de la casilla MADS; polipéptido C (factor 2C potencializador de miocitos); variante transcripta 30 (LOC479155); ARNm	XM 853 7 34	MEF2 C	Factor 2C potenciador de miocitos

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 13186.1. S1 s en	1.34E-02	2.61E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a potenciador del factor 2 por transcripción de la casilla MADS; polipéptido C (factor 2C potencializador de miocitos); variante transcripta 30 (LOC479155); ARNm	XM 853 7 34	MEF2 C	Factor 2C potenciador de miocitos
Cfa Affx. 6283.1. S1 en	2.67E-02	3.62E-02	0.75	Familiaris similar a precursor de la proteína 5 múltiple dominio similar a EGF- (dominio 9 similar al factor de crecimiento epidérmico múltiple) (LOC481698); ARNm	XM 538 8 19	MEG F9	múltiple similar a EGF dominio 9
Cfa Affx. 10510.1. S1 s en	1.87E-03	1.32E-02	0.73	Familiaris similar a metionina aminopeptidasa 2 (MetAP2) (Peptidasa M 2) (glicoproteína asociada a 67 kDA factor 2 de iniciación) (p67) (p67eIF2); variante transcripta 1 (LOC475429); ARNm	XM 847 5 59	MET AP2	metionina aminopeptidasa 2
Cfa. 10266.1.A1 en	7.08E-04	1.08E-02	0.73	Familiaris similar a hipotético UPF0049 proteína ZK1128.2 en cromosoma III; variante transcripta 2 (LOC480655); ARNm	XM 863 4 12	METT 10 D	metiltransferasa dominio que contiene 10
Cfa. 2303.1.A1 s en	2.02E-02	3.16E-02	0.73	PREDICHO: Equus caballus homólogo C mex-3 (C. elegans) (MEX3C); ARNm	XM 001 9 167 73	MEX3 C	homólogo C mex-3 (C. elegans)
Cfa Affx. 20742.1. S1 s en	3.44E-03	1.57E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 asociada a microfibrilar, variante transcripta 2 (LOC478281); ARNm	XM 855 3 67	MFA P1	proteína 1 asociada a microfibrilar
Cfa Affx. 17646.1. S1 en	6.49E-04	1.05E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Transmembrana GTPase MFN1 (mitofusina-1) (LOC488086); ARNm	XM 545 2 10	MFN1	mitofusina-1
Cfa. 5250.1.A1 en	9.15E-04	1.15E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a Cg18549-PA; variante transcripta 1 (LOC483336); ARNm	XM 540 4 55	MFS D11	Dominio de Supe familia contiene 11 moderador principal

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 21875.1. S1 s en	2.61E-03	1.44E-02	0.77	Familiaris similar a alfa 1; 6-manosilo glicoproteína 2-beta-N-acetilglucosaminiltransferasa (Manosilo acetilglucosaminiltransferasa 2) (N- glicosil-oligosacáridos-glicoproteína N-acetilglucosaminiltransferasa II) (Beta-1; 2-N-acetilglucosaminiltransferasa II) ... (LOC480312); ARNm	XM 537 4 34	MGA T2	alfa 1; 6-manosilo glicoproteína 1, 2-beta-N-acetilglucosaminiltransferasa
Cfa. 12884.1. S1 en	4.77E-03	1.74E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno 5 expresa meningioma (hialuronidasa); variante transcripta 12 (LOC477802); ARNm	XM 857 2 66	MGE A5	antígeno 5 expresa meningioma (hialuronidasa)
Cfa Affx. 15618.1. S1 s en	4.49E-03	1.71E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno 5 expresa meningioma (hialuronidasa); variante transcripta 14 (LOC477802); ARNm	XM 857 3 26	MEG A5	antígeno 5 expresa meningioma (hialuronidasa)
Cfa Affx. 4313.1. S1 en	1.19E-02	2.47E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG14985-PA (LOC474559); ARNm	XM 531 7 87	MITD 1	MIT micro tubular interactuando y transporte del dominio contiene 1
Cfa. 13251.1. S1 s en	3.01E-04	9.25E-03	0.74	Homo sapiens ADNc FLI7B507 Cds completos	AK2 919 25	MKK S	Síndrome McKusick Kaufman
Cfa Affx. 14107.1. S1 en	5.99E-04	1.04E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 matriz de metaloproteínasa 16 (LOC487036); ARNm	XM 544 1 65	MMP 16	matriz de metaloproteínasa 16 (membrana insertada)
Cfa. 16589.1. S1 en	1.56E-02	2.79E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris a antígeno de diferenciación nuclear célula mielóide (LOC488622); ARNm	XM 545 7 39	MND A	antígeno de diferenciación nuclear célula mielóide

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa20723.1. S1 en	1.58E-02	2.81E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris a antígeno de diferenciación nuclear célula mielóide (LOC488622); ARNm	XM 545 7 39	MND A	antígeno de diferenciación nuclear célula mielóide
Cfa. 3008.1.A1 en	2.04E-03	1.35E-02	0.7	PREDICHO: Pan troglodytes MOB1; similar al activador de quinasa 1A aglutinante Mps Uno, variante transcripta 2 (MOBKL1A), ARNm	XM 001 1 591 88	MOB KL 1A	MOB1; similar al activador de quinasa 1A aglutinante Mps Uno (levadura)
Cfa. 2714.1.A1 en	7.14E-03	1.99E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a pre implantación de proteína 3; variante transcripta 1 (LOC478856); ARNm	XM 536 0 18	MOB KL 3	MOB1; similar al activador 3 de quinasa 1A aglutinante Uno (levadura)
Cfa Afx. 1442.1. S1 s en	1.33E-03	1.23E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a cG31756-PA; variante transcripta 3 (LOC481141); ARNm	XM 845 0 15	MON 2	MON2 homólogo (S. cerevisiae)
Cfa Afx. 16142.1. S1 en	2.66E-03	1.45E-02	1.37	Homo sapiens MORC familia CW-tipo dedo de zinc 1(MORC1); ARNm	NM 011 442 9	MOR C1	MORC familia CW-tipo dedo de zinc 1
Cfa. 9449.1.A1 en	6.14E-03	1.89E-02	0.75	Bos Taurus MORC familia CW-tipo dedo de zinc 3; ARNm (ADNc clon imagen:8163086); Cds parciales	BC1 517 85	MOR C3	MORC familia CW-tipo dedo de zinc 3
Cfa Afx. 18481.1. S1 s en	4.06E-03	1.65E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio 2 que contiene espermatozoides móviles (LOC491747); ARNm	XM 548 8 67	MOS PD 2	Dominio 2 que contiene espermatozoides móviles
Cfa Afx. 12147.1. S1 s en	1.01E-03	1.17E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfoproteína 9 fase-M (LOC477453); ARNm	XM 534 6 51	MPH OS PH9	fosfoproteína 9 fase-M
Cfa. 19439.1. S1 s en	3.92E-03	1.64E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de membrana; palmitoilado 6; variante transcripta 2 (LOC482362); ARNm	XM 846 2 49	MPP6	proteína de membrana; palmitoilado 6 (MAGUK p55 miembro de subfamilia 6)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11680.1.A1 en	2.36E-03	1.40E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiares similar a proteína L17 de ribosomas mitocondriales; variante transcripta 1 (LOC610200); ARNm	XM 534 1 01	MRP L16	proteína L17 de ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 10831.1. S1 en	6.02E-04	1.04E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L17 ribosomas mitocondriales; variante transcripta 1 (LOC610200); ARNm	XM 536 0 34	MRP L17	proteína L17 ribosomas mitocondriales
Cfa. 10307.1.A1 s en	3.97E-05	7.55E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L18 ribosomas mitocondriales; (LOC476260); ARNm	XM 533 4 65	MRP L18	proteína L18 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 744.1. S1 en	2.49E-04	9.06E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L18 ribosomas mitocondriales; (LOC476260); ARNm	XM 533 4 65	MRP L18	proteína L18 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 29394.1. S1 s en	3.72E-05	7.55E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L20 ribosomas mitocondriales; (LOC479569); ARNm	XM 536 7 09	MRP L20	proteína L20 ribosomas mitocondriales
Cfa. 5875.3.A1 s en	5.83E-03	1.85E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a proteína L22 ribosomas mitocondriales; (LOC479320); ARNm	XM 536 4 58	MRP L22	a proteína L22 ribosomas mitocondriales
Cfa. 15082.1. S1 en	1.37E-04	8.90E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L27 ribosomas mitocondriales; variante transcripta 4 (LOC610200); ARNm	XM 860 5 18	MRP L27	proteína L27 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 913.1. S1 s en	1.05E-03	1.19E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a proteína L30 ribosomas mitocondriales; (LOC474558); ARNm	XM 531 7 86	MRP L30	proteína L30 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 23692.1. S1 s en	6.59E-03	1.94E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L36 ribosomas mitocondriales; (LOC479569); ARNm	XM 537 5 52	MRP L34	proteína L36 ribosomas mitocondriales
Cfa. 16020.1. S1 s en	3.69E-05	7.55E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L36 ribosomas mitocondriales; (LOC488065); ARNm	XM 545 1 88	MRP L36	proteína L36 ribosomas mitocondriales

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa11000.1. S1 s en	8.64E-04	1.13E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a proteína L39 ribosomas mitocondriales; (LOC487709); ARNm	XM 544 8 33	MRP L39	proteína L39 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 22522.1. S1 s en	3.26E-03	1.55E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L40 ribosomal 39S; precursor mitocondrial (L40mt) (MRP-40) (localización de señal nuclear conteniendo proteína borrada en síndrome de velocardiofacial) (UP regulado en metástasis) (LOC477567); ARNm	XM 534 7 62	MRP L40	proteína L40 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 29659.1. S1 en	1.59E-04	9.00E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L41 ribosomas mitocondriales (predicho); (LOC491225); ARNm	XM 548 3 46	MRP L41	proteína L41 ribosomas mitocondriales
Cfa. 1786.2.S1 a en	4.46E-02	4.77E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S32 mitocondrial 28S ribosomal (S32mt) (MRP-S32); variante transcripta 1 (LOC475426); ARNm	XM 532 6 51	MRP L42	proteína L42 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 703.1. S1 s en	3.83E-03	1.63E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S32 mitocondrial 28S ribosomal (S32mt) (MRP-S32); variante transcripta 1 (LOC475426); ARNm	XM 532 6 51	MRP L42	proteína L42 ribosomas mitocondriales
Cfa. 2797.1.A1 en	6.15E-04	1.05E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L46 ribosomas mitocondriales; (LOC479035); ARNm	XM 536 1 85	MRP L46	proteína L46 ribosomas mitocondriales
Cfa. 2797.1.A1 s en	1.95E-04	9.06E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 proteína L48 ribosomas mitocondriales; (LOC4476812); ARNm	XM 536 1 85	MRP L46	proteína L46 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 9326.1. S1 s en	9.94E-05	8.90E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 proteína L48 ribosomas mitocondriales; (LOC4476812); ARNm	XM 534 0 16	MRP L48	proteína L48 ribosomas mitocondriales

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 23288.1. S1 s en	9.46E-04	1.16E-02	0.77	Homo sapiens CDA09 ARNm; Cds completos	AF2 122 48	MRP L51	proteína L51 ribosomas mitocondriales
Cfa. 11655.1.A1 en	1.85E-03	1.31E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L9 ribosomas mitocondriales; (LOC609109); ARNm	XM 846 3 11	MRP L9	proteína L9 ribosomas mitocondriales
Cfa. 21309.1. S1 en	2.22E-05	7.55E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S10 ribosomas mitocondriales; (LOC474902); ARNm	XM 532 1 37	MRP S1 0	proteína S10 ribosomas mitocondriales
Cfa. 4020.1. S1 a en	4.13E-02	4.58E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S16 ribosomas mitocondriales; (LOC609906); ARNm	XM 847 2 54	MRP S1 6	proteína S16 ribosomas mitocondriales
Cfa. 1496.1.A1 en	8.95E-03	2.20E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S26 ribosomas mitocondriales; (LOC477175); ARNm	XM 534 3 65	MRP S26	proteína S26 ribosomas mitocondriales
Cfa. 5262.1.A1 en	5.85E-05	8.40E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S28 ribosomas mitocondriales 28S; (S28mt) (MRP-S28) (MRP-S35) (LOC477919); ARNm	XM 535 1 09	MRP S28	proteína S28 ribosomas mitocondriales
Cfa. 10909.1.A1 s en	4.68E-03	1.73E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S30 ribosomas mitocondriales 28S (S30mt) (MRP-S30) (proteína 9 muerte de célula programada de) (LOC479341); ARNm1	XM 536 4 80	MRP S30	proteína S30 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 12433.1. S1 s en	2.33E-03	1.40E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S36 ribosomas mitocondriales; (LOC478085); ARNm	XM 535 2 62	MRP S36	proteína S36 ribosomas mitocondriales
Cfa Affx. 11447.1. S1 s en	3.36E-03	1.56E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S5 ribosomas mitocondriales; (LOC478085); ARNm	XM 532 9 53	MRP S5	proteína S5 ribosomas mitocondriales

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14269.1. S1 a en	1.36E-03	1.23E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S9 ribosomas mitocondriales; variante transcripta 2 (LOC474545); ARNm	XM 858 1 01	MRP S9	proteína S9 ribosomas mitocondriales
Cfa Afx. 4090.1. S1 s en	2.28E-03	1.39E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S9 ribosomas mitocondriales; variante transcripta 2 (LOC474545); ARNm	XM 858 1 01	MRP S9	proteína S9 ribosomas mitocondriales
Cfa Afx. 4865.1. S1 s en	4.30E-03	1.68E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a mutS homólogo 6 (LOC474585); ARNm	XM 531 8 14	MSH 6	mutS homólogo 6 (E. Coli)
Cfa Afx. 17154.1. S1 en	2.74E-03	1.47E-02	1.31	Canis familiaris receptor de la tirosina quinasa ARNm rom; Cds parciales	AY6 461 95	MST1 R	Receptor estimulante de macrófagos 1 (c-met relacionado a tirosina quinasa
Cfa. 3664.1. S1 s en	3.16E-02	3.96E-02	0.58	Canis lupus familiaris ARNm para metalotioneína I; Cds completos	D84 397	MT1F	Metalotioneína 1F
Cfa. 3542.1. S1 en	5.62E-02	5.43E-02	0.58	Canis lupus familiaris ARNm para metalotioneína II; Cds completos	AB0 280 42	MT2A	Metalotioneína 2A
Cfa. 15125.1. S1 en	1.14E-02	2.42E-02	0.76	Familiaris similar a S-metilo-5- tioadenosina fosforilasa (5-metiloadenosina fosforilasa) MTA fosforilasa) (MTApase) (LOC474729); ARNm	XM 531 9 59	MTA P	metiloadenosina fosforilasa
Cfa. 9192.1.A1 en	1.84E-04	9.00E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo 2 portador mitocondrial (proteína mitocondrial inducida-Met); variante transcripta 6 (LOC475977); ARNm	XM 855 2 49	MTC H2	homólogo 2 portador mitocondrial (C. elegans)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1889.2.S1 s en	5.94E-03	1.86E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción 2 del elemento de unión de la respuesta-metal (DNA proteína de unión M96 elemento de respuesta al metal); variante de transcripta 1 (LOC479948); ARNm	XM 537 0 73	MTF2	factor de transcripción 2 del elemento de unión de la respuesta-metal
Cfa. 30853.1. S1 en	7.49E-04	1.09E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción 2 del elemento de unión de la respuesta-metal (DNA proteína de unión M96 elemento de respuesta al metal); variante de transcripta 3 (LOC479948); ARNm	XM 861 8 36	MTF2	factor de transcripción 2 del elemento de unión de la respuesta-metal
Cfa. 1889.1.A1 s en	2.00E-04	9.06E-03	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción 2 del elemento de unión de la respuesta-metal (DNA proteína de unión M96 elemento de respuesta al metal); variante de transcripta 8 (LOC479948); ARNm	XM 861 8 99	MTF2	factor de transcripción 2 del elemento de unión de la respuesta-metal
Cfa Affx. 24531.1. S1 s en	3.38E-03	1.56E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a C-1-sintasa tetrahidrolato; citoplasmática (C1-THF sintetasa) (LOC480352); ARNm	XM 537 4 76	MTH FD 1	deshidrogenasa metileno tetrahidrolato (NADP+dependiente) similar a 1, metileno tetrahidrolato ciclohidrolasa, formiltetrahidrolato o sintetasa
Cfa. 19689.1. S1 en	1.23E-03	1.23E-02	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa metileno tetrahidrolato (NADP+dependiente) similar a 1- (LOC476245); ARNm	XM 533 4 50	MTH FD 1L	deshidrogenasa metileno tetrahidrolato (NADP+dependiente) similar a 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20403.1. S1 a en	1.66E-02	2.89E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a C01G5.8; variante transcripta 4 (LOC479017); ARNm	XM 851 6 34	MTM R1 5	proteína 15 relacionada a miotubularina
Cfa. 18355.1. S1 en	5.42E-04	1-02E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 6 relacionada a miotubularina (LOC477336); ARNm	XM 534 5 30	MTM R6	proteína 6 relacionada a miotubularina
Cfa. 18355.1. S1 s en	1.52E-03	1.25E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 6 relacionada a miotubularina (LOC477336); ARNm	XM 534 5 30	MTM R6	proteína 6 relacionada a miotubularina
Cfa. 20047.1. S1 s en	1.03E-03	1.18E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 6 relacionada a miotubularina (LOC477336); ARNm	XM 534 5 30	MTM R6	proteína 6 relacionada a miotubularina
Cfa Affx. 11496.1. S1 en	1.91E-03	1.32E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 6 relacionada a miotubularina (LOC477336); ARNm	XM 534 5 30	MTM R6	proteína 6 relacionada a miotubularina
Cfa. 19419.1. S1 s en	1.15E-03	1.21E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor similar a 1- de transcripción de liberación mitocondrial (LOC484040); ARNm	XM 541 1 57	MTR F1L	factor similar a 1- de transcripción de liberación mitocondrial
Cfa. 11299.1. S1 s en	2.84E-04	9.15E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Metaxin 2 (LOC478811); ARNm	XM 535 9 74	MTX2	Metaxin 2
Cfa. 19576.1. S1 s en	4.49E-03	1.71E-02	0.76	Familiaris similar a metilmalonil-CoA-mutasa; precursor mitocondrial (MCM) metilmalonil-CoA isomerasa) (LOC474930); ARNm	XM 532 1 64	MUT	Metilmalonil Coenzima a mutasa
Cfa. 10384.1. S1 en	1.28E-04	8.90E-03	0.73	Bos taurus homólogo silenciado (mouse); ARNm (ADNc clon MGC:159907 imagen: 8493721); Cds completos	BC1 460 91	MUT ED	homólogo silenciado (mouse)
Cfa. 13565.1.A1 en	2.12E-02	3.24E-02	0.76	Canis familiaris GTP-proteína Mx2 ARNm; Cds completos	AF2 398 24	MX2	Mixovirus (virus de influenza) resistencia 2 (ratón)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 24234.1. S1 s en	5.01E-03	1.76E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Miosina 5A (Miosina Va) (diluir la pesada cadena de miosina; no muscular) (LOC478312); ARNm	XM 535 4 87	MYO 5A	Miosina VA (cadena pesada 12, miosina)
Cfa. 11535.1.A1 en	6.24E-03	1.89E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 42 dedo de zinc (Mieloide dedos de zinc 1) (MZF-1) (dedo de zinc y SCAN dominio que contiene la proteína 6) (LOC48220); ARNm	XM 531 3 36	MZF1	Mieloide dedos de zinc 1
Cfa. 24408.1. S1 s en	6.01E-03	1.87E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a Nedd4 proteína 2 de unión (LOC479101), ARNm	XM 536 2 48	N4BP 2	NEDD4 proteína 2 de unión
Cfa Afx. 10528.1. S1 en	6.42E-03	1.92E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7139-PA; isoforma A (LOC477316); ARNm	XM 534 5 08	N4BP 2L2	NEDD4 proteína similar a 2- 2 de unión
Cfa Afx. 29324.1. S1 en	1.29E-02	2.56E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a putativo de polifosfato inorgánico/ATP-NAD quinasa (poli(p)/ATP NAD quinasa); variante transcripta 2 (LOC489589); ARNm	XM 843 7 40	NAD K	NAD quinasa
Cfa Afx. 31239.1. S1 s en	2.43E-02	3.45E-02	0.75	Familiaris similar a isoforma a proteína 1 proteína de unión precursora de amiloide beta; variante transcripta 3 (LOC610026); ARNm	XM 859 7 43	NAE1	Subunidad 1 NEDD8 activando enzima E1
Cfa Afx. 6906.1. S1 en	1.60E-02	2.84E-02	0.72	Homo sapiens nicotinamida fosforibosiltransferasa (NAMPT); ARNm	NM 005 7 46	NAM PT	nicotinamida fosforibosiltransferasa
Cfa. 604.1.A1 en	1.64E-02	2.87E-02	0.74	PREDICHO: Bos Taurus colonia de células pre-B mejorando el factor 1; variante transcripta 4 (PBEF1); ARNm	XM 878 4 44	NAM PT	nicotinamida fosforibosiltransferasa
Cfa. 1585.1.A1 s en	1.16E-02	2.44E-02	0.74	PEDICHO: Canis familiaris similar a NMDA receptor regulado 1 (LOC483817); ARNm	XM 540 9 37	NAR G1	NMDA receptor regulado 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 16719.1. S1 s en	5.63E-05	8.24E-03	0.73	Acetiltransferasa 13; ARNm (ADNc clon MGC:54829 imagen: 6438976); Cds completos	BC046283	Nat13	N-acetiltransferasa 13
Cfa. 13620.2.A1 s en	3.04E-04	9.25E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a acetiltransferasa 5; variante transcripta 1 (LOC477138); ARNm	XM534329	Nat5	N-acetiltransferasa 5
Cfa. 13620.1. S1 en	3.13E-03	1.53E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a N-acetiltransferasa 5; variante transcripta 2 (LOC477138); ARNm	XM851508	Nat5	N-acetiltransferasa 5
Cfa. 861.1. S1 en	5.85E-03	1.85E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a nibrina isoforma 1 (LOC611315); ARNm	XM848973	NBN	nibrina
Cfa Afx. 14194.1. S1 s en	4.16E-03	1.67E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a nibrina isoforma 1 (LOC611315); ARNm	XM848973	NBN	nibrina
Cfa. 6001.1.A1 en	2.48E-04	9.06E-03	0.71	Familiaris similar a subunidad 2 de la proteína de unión de la tapa nuclear (20 kDa proteína de unión de la tapa nuclear) (subunidad CCBP 20kDa) (CBP20) (Proteína 1 interactiva NCBP) (N1P1) (LOC478603); ARNm	XM535779	NCB P2	Subunidad 2 proteína de unión de la tapa nuclear, 20kDa
Cfa Afx. 17748.1. S1 en	4.62E-02	4.87E-02	0.76	PREDICHO: Canis lupus familiaris ncf1 ARNm para factor 1 predicho citosólico de neutrófilos	BR000287	NCF1	factor 1 citosólico de neutrófilos
Cfa Afx. 17297.1. S1 s en	8.42E-03	2.14E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína relacionada con nucleolina; variante transcripta 4 (LOC608445); ARNm	XM856520	NCL	nucleolina
Cfa. 9842.1.A1 s en	1.45E-02	2.71E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor nuclear coactivador 1 isoforma 2; variante transcripta 3 (LOC475684); ARNm	XM853439	NCO A1	receptor nuclear coactivador 1
Cfa Afx. 27681.1. S1 en	6.81E-03	1.96E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor nuclear co-represor 1; variante transcripta 5 (LOC479515); ARNm	XM858680	NCO R1	receptor nuclear co-represor 1;

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3066.1. S1 en	2.46E-02	3.47E-02	0.76	PREDICHO; Canis familiaris similar a cinetocoro asociado 2 (LOC480190); ARNm	XM 537 3 13	NDC80	NDC80 Homólogo. Cinetocoro componente complejo (S. cerevisiae)
Cfa. 865.1. S1 en	2.39E-02	3.42E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 de interacción familiar Nedd4 (LOC476956); ARNm	XM 534 1 56	NDFI P2	proteína 2 de interacción familiar Nedd4
Cfa. 10289.1. S1 en	4.24E-03	1.68E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa NADH (ubiquinona) subcomplejo alfa 1; 10; precursor 42kDa (LOC608244); ARNm	XM 845 2 10	NDU FA 10	deshidrogenasa NADH (ubiquinona) subcomplejo alfa 1; 10; precursor 42kDa
Cfa Afx. 19535.1. S1 s en	4.09E-04	9.68E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa NADH (ubiquinona) subcomplejo alfa 1; 10; precursor 42kDa (LOC608244); ARNm	XM 845 2 10	NDU FA 10	deshidrogenasa NADH (ubiquinona) subcomplejo alfa 1; 10; precursor 42kDa
Cfa. 4375.1. S1 a en	9.78E-04	1.16E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 13kDa asociada a la diferenciación (LOC475428); ARNm	XM 532 6 52	NDU FA 12	deshidrogenasa NADH (ubiquinona) subcomplejo alfa 1; 12
Cfa. 18026.1. S1 s en	1.84E-04	9.00E-03	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH- ubiquinona oxirreductasa subunidad B16.6 (Complejo I-B16.6) (CI-B16.6) (Gen asociado con retinoico-interferón- mortalidad inducida proteína 19 (GRIM-19) (proteína GRIM-19 reguladora de muerte celular); variante transcripta 1 (LOC476659); ARNm.	XM 533 8 63	NDU FA 13	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 7; 13
Cfa Afx. 9746.1. S1 s en	4.09E-04	9.68E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 2; 8kDa (LOC478032); ARNm	XM 535 2 11	NDU FA 2	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 2 alfa; 8kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 4415.1. S1 en	1.38E-04	8.90E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH-ubiquinona oxirreductasa MLRQ subunidad (Complejo I-MLRQ) (CI-MLRQ) (LOC477682); ARNm	XM 534 8 77	NDU FA 4	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa. 4, 9kDa
Cfa Afx. 4275.1. S1 s en	1.09E-03	1.20E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH- ubiquinona oxirreductasa MLRQ subunidad (Complejo I-MLRQ) (CI-MLRQ) (LOC477682); ARNm	XM 534 8 77	NDU FA 4	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa. 4, 9kDa
Cfa Afx. 764.1. S1 en	6.81E-02	6.06E-02	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH- ubiquinona oxirreductasa MLRQ subunidad (Complejo I-MLRQ) (CI-MLRQ) (LOC477682); ARNm	XM 534 8 77	NDU FA 4	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa. 4, 9kDa
Cfa. 11777.1. S1 en	4.67E-05	7.75E-03	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH- deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 6; 14kDa (LOC474483); ARNm	XM 531 7 12	NDU FA 6	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa. 6, 14kDa
Cfa. 11777.2.A1 s en	2.05E-05	7.55E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH- deshidrogenasa (ubiquinona) alfa; 6; 14kDa (LOC474483); ARNm	XM 531 7 12	NDU FA 6	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa. 6, 14kDa
Cfa. 16755.1. S1 s en	4.04E-05	7.55E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 7; 14.5kDa (LOC476722); ARNm	XM 533 9 26	NDU FA 7	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 7; 14.5kDa
Cfa. 714.1.A1 s en	1.12E-03	1.20E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 8; 19kDa (LOC480741); ARNm	XM 537 8 61	NDU FA 8	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo 1 alfa; 8; 19kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10920.1. S1 s en	1.51E-03	1.25E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína portadora de Acil; precursores mitocondriales (ACP) (NADH-ubiquinona oxidoreductasa subunidad 9.6kDa) (CI-SDAP) (LOC479805); ARNm	XM 536 9 32	NDU FA B1	NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1, subcomplejo 1 alfa/beta 8kDa
Cfa Affx. 26929.1. S1 s en	3.29E-02	4.05E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína portadora de Acil; precursores mitocondriales (ACP) (NADH-ubiquinona oxidoreductasa subunidad 9.6kDa) (CI-SDAP) (LOC479805); ARNm	XM 536 9 32	NDU FA B1	NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1, subcomplejo 1 alfa/beta 8kDa
Cfa. 2918.1. S1 s en	4.01E-03	1.65E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 30 asociada a Complejo I; precursores mitocondriales (LOC487505); ARNm	XM 544 6 29	NDU FA F1	NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1 alfa, ensamble subcomplejo 1
Cfa. 15483.1.A1 s en	2-10E-04	9.06E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1 beta, ensamble subcomplejo; 3; 12kDa (LOC478869); ARNm	XM 536 0 29	NDU FB 3	NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1 beta, ensamble subcomplejo; 3; 12kDa
Cfa. 273.3.A1 s en	1.26E-06	6.68E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1 beta, ensamble subcomplejo; 8; 19kDa (LOC477798); ARNm	XM 534 9 92	NDU FB 8	NADH deshidrogenasa (ubiquinona)1 beta, ensamble subcomplejo; 8; 19kDa
Cfa. 10947.1. S1 en	4.86E-03	1.75E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo beta 1; 9; 22kDa (LOC475094); ARNm	XM 532 3 26	NDU FB 9	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) subcomplejo beta 1; 9; 22kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 17764.1. S1 s en	4.13E-03	1.66E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) FE-S proteína 1; precursor 75kDa; variante transcrita 7 (LOC478880); ARNm	XM 854 6 04	NDU FS 1	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) FE-S proteína 1; precursor 75kDa (NADH-coenzima Q reductasa.
Cfa. 9529.1.A1 s en	2.26E-03	1.38E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH- ubiquinona oxirreductasa subunidad 18 kDa; precursor mitocondrial (complejo I-18 kDa) (CI-18 kDa) (complejo I-AQDQ) (CI-AQDQ) (LOC479335); ARNm	XM 536 4 74	NDU FS 4	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) FE-S proteína 4; precursor 18kDa (NADH-coenzima Q reductasa.
Cfa Affx. 15952.1. S1 s en	9.10E-04	1.15E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH-ubiquinona oxirreductasa subunidad 18 kDa; precursores mitocondriales (Complejo I-18 kda) (CI.18 kda) (Complejo I-AQDQ) (CI.AQDQ) (LOC479335); ARNm	XM 536 4 74	NDU FS 4	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) FE-S proteína 4; precursor 18kDa (NADH-coenzima Q reductasa.
Cfa. 4245.1. S1 s en	3.88E-05	7.55E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) FE-S proteína 6; precursor 13kDa (NADH-coenzima Q reductasa) (LOC478629); ARNm	XM 535 8 02	NDU FS 6	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) FE-S proteína 6; precursor 13kDa (NADH-coenzima Q reductasa.
Cfa Affx. 28547.1. S1 en	1.87E-03	1.32E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a NADH deshidrogenasa (ubiquinona) flavoproteína 2; 24kDa (LOC4800204); ARNm	XM 537 3 28	NDU FV 2	NADH deshidrogenasa (ubiquinona) flavoproteína 2; 24kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 734.1.A1 s en	2.89E-04	9.23E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a presencia de células precursoras neuronales; desarrollo regulado subregulado gene 8 (LOC480265); ARNm	XM 537 3 89	NED D8	presencia de células precursoras neuronales; desarrollo subregulado gene 8
Cfa. 16364.1.A1 en	8.04E-04	1-10E-02	0.45	Bos taurus células neuroepiteliales transformadas en gen 1; ARNm (clon ADNc clon MGC: 127767 IMAGEN: 7956312); Cds completo	BC1 028 58	NET1	células neuroepiteliales transformadas en gen 1
Cfa. 19790.1. S1 en	6.47E-03	1.93E-02	0.75	PREDICHO: Equus caballus factor nuclear activado de células T5; tonicidad sensible (NFAT5); ARNm	XM 001 4 972 95	NFAT 5	factor nuclear activado de células T5; tonicidad sensible
Cfa Affx. 31027.1. S1 s en	2.25E-02	3.32E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor nuclear activado de células T5 isoforma b; variante transcripta 1 (LOC489734); ARNm	XM 546 8 54	NFAT 5	factor nuclear activado de células T5; tonicidad sensible
Cfa. 219.1. S1 s en	8.43E-04	1.12E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C14orf120 (LOC490612); ARNm	XM 547 7 34	NGD N	Neuroquidina. EIF4E enlace de proteína
Cfa Affx. 22448.1. S1 s en	1.93E-02	3.10E-02	0.74	Nineína de Homo sapiens (GSK3B interacción de proteína) (NIN); variante transcripta 2; ARNm	NM 020 9 21	NIN	nineína (GSK3B interacción de proteína)
Cfa. 466.2.S1 a en	8.88E-03	2.19E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la biogénesis de la subunidad del ribosoma 60S homólogo proteína NIP7 (KD93); variante transcripta 2 (LOC479673); ARNm	XM 536 8 04	NIP7	Homólogo de la importación nuclear 7 (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 15298.1. S1 s en	3.84E-04	9.61E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 2 del síndrome 2 de Prader-Willi/ Angelman no impreso en los genes (LOC479002)	XM 536 1 57	NIPA 2	síndrome 2 de Prader-Willi/ Angelman no impreso en los genes
Cfa. 26479.1. S1 x en	1.72E-03	1.30E-02	0.71	Canis lupus familiaris nm23-C1 ARNm para NM23-C1; Cds completo	AB2 070 44	NME 1	Células 1 no metastásico, expresado en proteína (NM23A)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 5818.2.S1 se n	3.37E-05	7.55E-03	0.73	Sus scrofa para C.myc factor transcripta; Cds completo	AB2 928 46	NME 2	Células 2 no mestastásico, expresado en proteína (NM23B)
Cfa. 7425.1. S1 x en	8.76E-02	7.01E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a nucleósido difosfato quinasa; precursor mitocondrial (NDP quinasa; mitocondrial) (NDK) (nm23-H4) (nucleósido difosfato quinasa D) (NDPKD) (LOC 476911); ARNm	XM 534 1 14	NME 4	Células 4 no metastásicas, proteína expresadas en
Cfa. 15049.1. S1 s en	9.37E-02	7.30E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a N-myc interactor (Nmi) (N-myc y STAT interactor). (LOC 476146); ARNm	XM 533 3 53	NMI	N-myc y STAT interactor).
Cfa. 17031.1. S1 en	3.09E-04	9.27E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a N-miristoiltransferasa 1; variante transcripta 6 (LOC480494); ARNm	XM 850 7 85	NMT1	N-miristoiltransferasa 1
Cfa. 377.1. S1 en	2.50E-02	3.50E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a: NAD(p) transhidrogenasa; precursor mitocondrial (piridina nucleótido transhidrogenasa) (Nicotinamida nucleótido transhidrogenasa); variante transcripta 5 (LOC479342); ARNm	XM 862 8 35	NNT	Nicotinamida nucleótido transhidrogenasa
Cfa Affx. 15451.1. S1 s en	2.12E-03	1.36E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 7 nucleolar; 27kDa (LOC478727); ARNm.	XM 535 8 92	NOL7	Proteína 7 nucleolar. 27kDa
Cfa. 4420.1.A1 en	1.66E-03	1.28E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína familiar A nucleolar; miembro 3 (LOC607299); ARNm	XM 843 9 24	NOLA 3	Proteína familiar A nucleolar; miembro 3 (H/ACA , RNPs pequeños nucleolares.
Cfa Affx. 26405.1. S1 en	6.29E-02	5.79E-02	1.32	Mus musculus neurexin III (Nrxn3); ARNm	NM 172 5 44	Nrxn3	neurexin III

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 20857.1. S1 s en	7.07E-04	1.08E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de N-etil-maleimida – sensible; variante transcripta 1 (LOC490921); ARNm	XM 548 0 44	NSF	Factor de N-etil-maleimida – sensible.
Cfa Affx. 19270.1. S1 en	4.73E-03	1.74E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C10orf86 (LOC477849); ARNm	XM 535 0 41	NSMCE 4A	No-SMC elemento 4 homólogo A (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 16214.1. S1 s en	7.55E-03	2.04E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a citosólica purina 5 nucleotidasa (5-nucleotidasa citosólica II); variante transcripta 1 (LOC477809); ARNm	XM 535 0 02	NT5C 2	5-nucleotidasa citosólica II
Cfa. 7187.1.A1 a en	7.48E-04	1.09E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris a N-terminal Asn amidasa (LOC609485); ARNm	XM 846 7 45	NTAN 1	N-terminal asparagina amidasa
Cfa Affx. 28683.1. S1 s en	9.86E-03	2.29E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a: N-terminal Asn amidasa (LOC609485); ARNm	XM 846 7 45	NTAN 1	N-terminal asparagina amidasa
Cfa. 12389.1.A1 en	5.04E-03	1.77E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 de unión a nucleótido (NBP1); variante transcripta 3 (LOC479850); ARNm	XM 858 5 30	NUB P1	proteína 1 de unión a nucleótido (MIND homólogo E.Coli)
CfaAffx13803.1. S1 en	5.15E-03	1.79E-02	0.74	Familiaris similar a precursor de la unión de núcleo 2 (ADN-vinculante a proteína NEFA) (Cáncer gástrico antígeno Zg4); variante transcripta 7 (LOC476876); ARNm	XM 859 9 96	NUC B2	unión de núcleo 2
Cfa. 16462.1. S1 s en	2.68E-04	9.11E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma p 22 motivo 1 de tipo nudix (LOC489894); ARNm.	XM 547 0 12	NUD T1	Motivo 1 tipo Nudix (nucleosidodifosfato enlazado a la unidad estructural X)
Cfa. 10274.1. S1 s en	4.39E-04	9.78E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a pirofosfatasa ADP-azúcar. (Nucleósido difosfato como fracción X motivo 5 (motivo Nudix 5) (YSA1H); variante transcripta 1 (LOC 478006); ARNm	XM 535 1 90	NUD T5	Motivo 5 tipo Nudix (nucleosidodifosfato enlazado a la unidad estructural X)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 923.1.A1 s en	1.11E-03	1.20E-02	0.72	Familiaris similar a proteína de complejo del poro nuclear Nup107 (Nucleoporin Nup107) (107 kDa nucleoporin); variante transcripta 2 (LOC 474440); ARNm	XM 855 8 93	NUP1 07	Nucleoporin 107kDa
Cfa. 13055.1. S1 en	2.65E-03	1.45E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Nucleoporin Nup37 (p37) (LOC475445); ARNm	XM 532 6 69	NUP3 7	Nucleoporin 37kDa
Cfa Affx. 13595.1. S1 s en	1.44E-02	2.70E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a nucleoporin p54 (54kDa nucleoporin); Variante transcripta 3 (LOC487813)	XM 843 5 45	NUP5 4	Nucleoporin 54kDa
Cfa Affx. 4788.1. S1 en	6.17E-04	1.05E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor-1 del factor de crecimiento opioide (LOC481876); ARNm	XM 538 9 97	OGF RL 1	receptor-1 del factor de crecimiento opioide
Cfa. 15244.1. S1 en	1.89E-02	3.06E-02	0.76	PREDICHO. Canis familiaris similar a O-vinculado GlcNac isoforma 1 transferasa; variante transcripta 1 (LOC480955); ARNm	XM 538 0 75	OGT	O –vinculado N-acetilglucosamina (GlcNAc) transferasa (UDP-N-acetilglucosamina: polipéptido- N-acetilglucosamina transferasa)
Cfa. 874.2.S1 s en	2.78E-03	1.48E-02	0.72	PREDICHO. Canis familiaris similar a O-vinculado GlcNac isoforma 1 transferasa; variante transcripta 1 (LOC480955); ARNm	XM 538 0 75	OGT	O –vinculado N-acetilglucosamina (GlcNAc) transferasa (UDP-N-acetilglucosamina: polipéptido- N-acetilglucosamina transferasa)

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 18574.1. S1 s en	1.80E-03	1.30E-02	0.69	Canis familiaris similar a O-vinculado GlcNac isoforma 1 transferasa; variante transcripta 3 (LOC480955); ARNm	XM 853 4 69	OGT	O –vinculado N-acetilglucosamina (GlcNac) transferasa (UDP-N-acetilglucosamina: polipeptido- N-acetilglucosamina transferasa)
Cfa. 20843.1. S1 s en	5.51E-04	1.02E-02	0.7	Canis familiaris similar a O-vinculado GlcNac isoforma 1 transferasa; variante transcripta 8 (LOC480955); ARNm	XM 853 7 15	OGT	O –vinculado N-acetilglucosamina (GlcNac) transferasa (UDP-N-acetilglucosamina: polipeptido- N-acetilglucosamina transferasa)
Cfa. 19273.1. S1 en	9.34E-04	1.16E-02	0.74	PREDICHO: Canis Familiaris similar a putativo GTP-vinculante, proteína PTD004; variante transcripta 2 (LOC 478803); ARNm	XM 845 2 27	OLA1	ATPasa 1 como Obg
Cfa. 1129.1. S1 en	4.45E-03	1.70E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la atrofia óptica 1 isoforma 8 (LOC477129); ARNm	XM 534 3 21	OPA1	Atrofia óptica 1 (autosómica dominante)
Cfa. 1129.1. S1 s en	3.96E-02	4.48E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a atrofia óptica 1 isoforma 8 (LOC477129); ARNm	XM 534 3 21	OPA1	Atrofia óptica 1 (autosómica dominante)
Cfa Affx. 128891. S1 en	4.14E-04	9.68E-03	1.41	PREDICHO: receptor olfativo de Canis familiaris (OR04a01); ARNm	XM 540 6 54	ORO 4A0 1	receptor olfativo

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20932.1. S1 s en	1.27E-04	8.90E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo subunidad de reconocimiento de origen 4(LOC476141); ARNm	XM 533 3 48	ORC 4L	complejo reconocimiento de origen, subunidad 4-como (levadura)
Cfa Affx. 9239.1. S1 en	1.53E-03	1.26E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo subunidad de reconocimiento de origen 4(LOC476141); ARNm	XM 533 3 48	ORC 4L	complejo reconocimiento de origen, subunidad 4-como (levadura)
Cfa. 1563.1. S1 en	1.65E-03	1.28E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína oxisterol vinculante como proteína 11; vt 2 (LOC478596) ARNm	XM 844 0 91	OSB PL1 1	Oxisterol vinculante como proteína 11
Cfa. 1061.2.A1 a en	2.10E-02	3.22E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión oxisterol como 9 isoforma b; vt 5 (LOC475355); ARNm	XM 854 3 94	OSM PL9	Oxisterol vinculante como proteína 9
Cfa Affx. 14794.1. S1 en	3.14E-03	1.53E-02	0.75	Hs ARNm para sialoglicoproteasa putativa tipo 2	AJ2 951 48	OSG EP L1	O-sialoglicoproteína endopeptidasa como 1
Cfa. 10153.1. S1 en	2.38E-03	1.40E-02	0.69	Felis catus 3-oxoácido CoA transferasa 1 (OXCT1) ARNm; cds parciales	EU6 530 70	OXC T1	3-oxoácido CoA transferasa 1
Cfa. 16830.1. S1 en	5.36E-02	5.30E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-oxoácido CoA transferasa 1 (LOC479347) ARNm	XM 536 4 87	OXC T1	3-oxoácido CoA transferasa 1
Cfa Affx. 28412.1. S1 s en	1.50E-02	2.75E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-oxoácido CoA transferasa 1 (LOC479347) ARNm	XM 536 4 87	OXC T1	3-oxoácido CoA transferasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

CfaAffx28373.1. S1 s en	1.72E-02	2.93E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la poli (A) proteína 1 de unión a proteína de interacción; vt 1(LOC479343); ARNm	XM 536 4 82	PAIP 1	poli (A) proteína de unión a la proteína de interacción 1
Cfa Affx. 15220.1. S1 en	5.48E-02	5.36E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a PAK 1 proteína de interacción 1 (LOC478719); ARNm	XM 535 8 84	PAK1 IP 1	PAK 1 proteína de interacción 1
Cfa Affx. 11016.1. S1 en	1.06E-02	2.35E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a PABP 1 dependiente de poli-A de la subunidad específica ribonucleasa PAN 3 (LOC486024); ARNm	XM 543 1 50	PAN3	PAN 3 poli A homólogo de la subunidad específica de ribonucleasa (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 26074.1. S1 en	7-76E-03	2.06E-02	0.65	PREDICHO: hipotético LOC462250 de Pan troglodytes (LOC462250); ARNm	XM 518 0 87	PANK 3	Pantotenato quinasa 3
Cfa. 19159.1.A1 en	1.14E-02	2.42E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a pantotenato quinasa 4 (LOC479579); ARNm	XM 536 7 18	PANK 4	Pantotenato quinasa 4
Cfa Affx. 14274.1. S1 s en	2.11E-03	1.36E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a PAP que contiene dominio 4 asociado; vt 2 (LOC607764); ARNm	XM 844 6 05	PAPD 4	PAP que contiene dominio 4 asociado
Cfa Affx. 27222.1. S1 en	1.95E-03	1.33E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a poli(A) alfa polimerasa (LOC480430); ARNm	XM 537 5 51	PAP OL A	Poli(A) alfa polimerasa
Cfa Affx. 30092.1. S1 s en	1.05E-04	8.90E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína DJ-1; vt 6 (LOC479595); ARNm	XM 853 9 38	PARK 7	Enfermedad de Parkinson (recesivo autosomal, inicio temprano)7

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 18610.1. S1 s en	8.08E-03	2.10E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a presenilina asociada, como romboide; vt 2 (LOC488100); ARNm	XM 545 2 24	PARL	Presenilina asociada, como romboide
Cfa Affx. 2476.1. S1 en	1.49E-05	7.55E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a cofactor de dimerización del hepatocito nuclear factor 1 (HNF1) de músculo (LOC609970); ARNm	XM 847 3 32	PCB D2	pterina-4 carbinolamina deshidratasa alfa / cofactor de dimerización del hepatocito nuclear factor 1 alfa (TCF1)2
Cfa Affx. 2476.1. S1 s en	2.01E-03	1.35E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a cofactor de dimerización del hepatocito nuclear factor 1 (HNF1) de músculo (LOC609970); ARNm	XM 847 3 32	PCB D2	pterina-4 carbinolamina deshidratasa alfa / cofactor de dimerización del hepatocito nuclear factor 1 alfa (TCF1)2
Cfa Affx. 9732.1. S1 en	3.52E-03	1.59E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a propionil- coenzima A carboxilasa; precursor polipéptido alfa; vt2 (LOC476975); ARNm	XM 534 1 75	PCC A	Propioil coenzima A carboxilasa, polipéptido alfa
Cfa Affx. 11739.1. S1 s en	1.57E-03	1.26E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a propionil-CoA carboxilasa cadena beta; precursor mitocondrial (subunidad beta PCCase) (propionil CoA; subunidad beta de carbón dióxido ligasa); vt 3 (LOC477076) ARNm	XM 859 6 11	PCC B	Propionil Coenzima A carboxilasa, beta polipéptido
Cfa Affx. 1550.1. S1 en	5.04E-03	1.77E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína-L-isoaspartato (D aspartato) O-metiltransferasa (Proteína-beta-aspartato metiltransferasa) (PIMT) (Proteína L-isoaspartil/D-aspartil metiltransferasa) (L-proteína isoaspartil carboxil metiltransferasa); vt 9 (LOC476242); ARNm	XM 856 7 39	PCM T1	Proteína-L-isoaspartato (D-aspartato) O-metiltransferasa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3996.1.A1 s en	1.01E-03	1.17E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína-L-isoaspartato (D aspartato) O-metiltransferasa (Proteína-beta-aspartato metiltransferasa) (PIMT) (Proteína L-isoaspartil/D-aspartil metiltransferasa) (L-proteína isoaspartil carboxil metiltransferasa); vt 10(LOC476242); ARNm	XM 856 7 69	PCM T1	Proteína-L-isoaspartato (D-aspartato) O-metiltransferasa
Cfa. 525.1. S1 en	3.67E-03	1.61E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno nuclear de células proliferantes (LOC477166); ARNm	XM 534 3 55	PCN A	Antígeno nuclear de células proliferantes
Cfa. 14096.1. S1 en	7.46E-03	2.03E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a PEST- contiene proteína nuclear (PCNP);vt 1 (LOC478546); ARNm	XM 535 7 23	PCN P	PEST señal proteolítica que contiene proteína nuclear
Cfa. 14096.1. S1 s en	1.53E-04	9.00E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a PEST- contiene proteína nuclear (PCNP); vt 1 (LOC478546); ARNm	XM 535 7 23	PCN P	PEST señal proteolítica que contiene proteína nuclear
Cfa. 2417.1. S1 en	7.80E-02	6.54E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de transferencia de fosfatidilcolina (PC-TP) (proteína 2 de transferencia de lípidos relacionados con STAR) (STARD2)(START dominio que contiene la proteína 2) (LOC480563);ARNm	XM 537 6 85	PCTP	Proteína de transferencia de fosfatidilcolina
Cfa. 2830.1. S1 s en	1.35E-02	2.62E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a muerte celular programada 10; vt 3 (LOC488145); ARNm	XM 856 6 42	PDC D10	Muerte celular programada 10

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 4486.5.A1 en	1.35E-03	1.23E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a la muerte celular programada 2 isoforma 1; vt 1 (LOC475041); ARNm	XM 532 2 76	PDC D2	Muerte celular programada 2
Cfa. 20446.1.A1 s en	1.59E-02	2.82E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a muerte celular programada 5 (LOC476499); ARNm	XM 533 7 08	PDC D5	Muerte celular programada 5
Cfa. 13057.1.A1 s en	1.17E-03	1.21E-02	0.75	fragmento de GMP de Canis familiaris cíclico de ARNm de la subunidad delta fosfodiesterasa; cds completas	AY0 291 86	PDE6 D	Fosofodiesterasa 6D cGMP-subunidad rod específica delta
Cfa. 723.1.A1 s en	3.38E-03	1.56E-02	0.76	fragmento de GMP de Canis familiaris cíclico de ARNm de la subunidad delta fosfodiesterasa; cds completas	AY0 291 86	PDE6 D	Fosofodiesterasa 6D cGMP-subunidad rod específica delta
Cfa. 10618.1.S1 en	2.02E-03	1.35E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a piruvato deshidrogenasa E1 componente subunidad alfa; forma somática; precursor mitocondrial (PDHE1-A tipo1); vt 4 (LOC480858); ARNm	XM 853 4 68	PDH A1	Piruvato deshidrogenasa (lipoamida) alfa 1
Cfa. 10618.1.S2 en	2.05E-03	1.35E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a piruvato deshidrogenasa E1 componente subunidad alfa; forma somática; precursor mitocondrial (PDHE1-A tipo1); vt 4 (LOC480858); ARNm	XM 853 4 68	PDH A1	Piruvato deshidrogenasa (lipoamida) alfa 1
Cfa. 21639.1.S1 s en	2.25E-02	3.32E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína disulfuro isomerasa-asociada precursor 3 (LOC478279); ARNm	XM 535 4 53	PDIA 3	proteína disulfuro isomerasa familia A, miembro 3
Cfa. 4275.2.S1 en	1.50E-03	1.25E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteína disulfuro-isomerasa A4 precursor (Proteína ERp-72) (ERp72) vt 1 (LOC482715); ARNm	XM 539 8 31	PDIA 4	proteína disulfuro isomerasa familia A, miembro 4

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 6054.1. S1 s en	2.44E-03	1.41E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteína disulfuro-isomerasa A4 precursor (Proteína ERp-72) (ERp72) vt 3 (LOC482715); ARNm	XM 843 1 45	PDIA 4	proteína disulfuro isomerasa familia A, miembro 4
Cfa. 20823.1. S1 s en	1.47E-03	1.25E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteína disulfuro-isomerasa A6 precursor (dominio tiorredoxina contiene proteína 7) (LOC475668); ARNm	XM 532 8 76	PDIA 6	proteína disulfuro isomerasa familia A, miembro 6
Cfa Afx. 6163.1. S1 s en	2.52E-03	1.43E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteína disulfuro-isomerasa A6 precursor (dominio tiorredoxina contiene proteína 7) (LOC475668); ARNm	XM 532 8 76	PDIA 6	proteína disulfuro isomerasa familia A, miembro 6
Cfa Afx. 20244.1. S1 en	5.18E-05	7.92E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a (piruvato deshidrogenasa (lipoamida)) quinasa lisosima 1; precursor mitocondrial (piruvato deshidrogenasa quinasa isoforma 1) (LOC476828); ARNm	XM 534 0 32	PDK1	piruvato deshidrogenasa quinasa, lisisosima 1
Cfa Afx. 25687.1. S1 en	9.52E-03	2.25E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio PDZ contiene 11 (LOC491940); ARNm	XM 549 0 60	PDZD 11	Dominio PDZ que contiene 11
Cfa Afx. 18596.1. S1 en	1.70E-02	2.91E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio PDZ contiene 8 (LOC486909); ARNm	XM 544 0 39	PDZD 8	Dominio PDZ que contiene 8
Cfa Afx. 5699.1. S1 s en	1.33E-03	1.23E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína pellino (LOC481388); ARNm	XM 538 5 08	PEL11	pellino homólogo 1 (Drosophila)
Cfa Afx. 1404.1. S1 en	1.52E-03	1.25E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de la biogénesis peroximal 3 (peroxin-3) (montaje peroximal proteínas PEX 3) (LOC484015); ARNm	XM 541 1 32	PEX3	biogénesis peroximal factor 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 17565.1. S1 s en	1.59E-03	1.26E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a plegado previo 2 (LOC488648); ARNm	XM 545 7 65	PFDN 2	plegado previo subunidad 2
Cfa. 13766.1.A1 en	1.17E-02	2.45E-02	0.63	Bos taurus 6-fosofrufructo-2-quinasa/fructosa-2,6-bifosfatasa 2; ARNm (ADNc clon MGC: 152496 IMAGEN:842256); cds completo	BC1 478 89	PFKF B2	6-fosofrufructo 2-quinasa / fructosa-2,6-bifosfatasa 2
Cfa Afx. 9225.1. S1 s en	1.44E-02	2.70E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosofoglucomutasa 2-como 1(LOC485198); ARNm	XM 542 3 16	PGM 2L1	fosofoglucomutasa 2-como 1
Cfa. 20228.1. S1 en	8.42E-03	2.14E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfoacetilglucosamina mutasa (PAGM) (Acetilglucosamina fosfomutasa) (N-acetilglucosamina-fosfato mutasa) (fosofoglucomutasa 3);vt 6 (LOC474981); ARNm	XM 862 6 38	PGM 3	fosofoglucomutasa 3
Cfa. 17766.1. S1 s en	2.39E-02	3.42E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a piridoxal (piridoxina; vitamina B6) fosfatasa (LOC610926); ARNm	XM 848 5 09	PGP	fosfoglicolato fosfatasa
Cfa. 10525.1.A1 s en	1.85E-03	1.31E-02	0.75	proteína hipotética de Canis familiaris FU10975 (PHF10) gene exons 11 12 y;vt 3 (PHF10); ARNm	XM 863 4 44	PHF1 0	PHD proteína dedo 10
Cfa. 2718.1.A1 en	4.53E-04	9.86E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción INI (LOC474489); ARNm	XM 531 7 18	PHF5 A	PHD proteína dedo 5A
Cfa Afx. 2508.1. S1 s en	5.26E-04	1.01E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción INI (LOC474489); ARNm	XM 531 7 18	PHF5 A	PHD proteína de dedo 5A

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 31211.1. S1 s en	8.13E-04	1.10E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a GPI-precursor anclaje transamidasa (GPI transamidasa) (fosfatidilinositol-biosíntesis de glicanos; proteína clase k) (PIG-K) (hGP18); vt 3 (LOC479985); ARNm	XM 862 8 03	PIGK	biosíntesis anclaje fosfatidilinositol glicano, clase K
Cfa. 1783.1.A1 en	1.19E-02	2.47E-02	0.74	PREDICHO: fosfoinositol-3-quinasa de Pan troglodytes; clase 2; alfa polipéptido; vt 1 (PIK3C2A); ARNm	XM 001 1 725 09	PIK3 C2 A	fosfoinositol-3-quinasa, clase 2, alfa polipéptido
Cfa Affx. 27145.1. S1 s en	5.59E-03	1.83E-02	0.72	PREDICHO: fosfoinositol-3-quinasa de Equus caballus; clase 3 (PIK3C3); ARNm	XM 001 4 977 68	PIK3 C3	fosfoinositol-3-quinasa, clase 3
Cfa. 8254.1.A1 en	3.68E-02	4.30E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfoinositol-3-quinasa; subunidad reguladora 4; p150; vt 1 (LOC477064); ARNm	XM 534 2 60	PIK3 R4	fosfoinositol-3-quinasa, subunidad reguladora 4
Cfa Affx. 7375.1. S1 en	4.47E-03	1.70E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG10739-PA (LOC475903); ARNm	XM 533 1 10	PION	homólogo paloma (Drosophila)
Cfa. 871.1. S1 en	8.49E-02	6.88E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Pirin (LOC480846); ARNm	XM 537 9 63	PIR	pirin (hierro unido a proteínas nucleares)
Cfa20719.1. S1 s en	2.89E-03	1.49E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a transferencia proteína isoforma beta fosfatidilinositol (PtdIns proteína beta de transferencia) (PtdInsTP) (PI-TP-beta); vt 2 (LOC609712); ARNm	XM 859 6 66	PITP NB	proteína de transferencia fosfatidilinositol, beta
Cfa Affx. 12014.1. S1 s en	1.51E-02	2.75E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a praja 2; RING-H2 que contiene un motivo; vt 2 (LOC479143); ARNm	XM 850 7 32	PJA2	praja 2, RING-H2 que contiene un motivo

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14230.1.A1 en	5.72E-04	1.03E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a transmembrana de próstata andrógeno inducida (proteína sólida asociada al tumor 1) (LOC485945); ARNm	XM 543 0 70	PME PA1	transmembrana de próstata andrógeno inducida 1
Cfa. 290.1.A1 en	2.96E-03	1.51E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad mitocondrial de procesamiento beta peptidasa; precursor mitocondrial (Beta-MPP) (P-52) (LOC475897); ARNm	XM 533 1 04	PMP CB	peptidasa (procesamiento mitocondrial) beta
Cfa Afx. 14811.1. S1 s en	2.99E-03	1.51E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a PMS1 proteína homóloga 1 (ADN proteína de reparación de genes PMS1); vt 2 (LOC478840); ARNm	XM 850 5 87	PMS1	PMS1 aumento de la segregación postmeiotica 1 (S. cerevisiae)
Cfa Afx. 21428.1. S1 s en	2.36E-02	3.40E-02	0.75	Pinin de Canis lupus familiaris; desmosoma asociado a proteína (PNN); ARNm	XM 001 0 032 31	PNN	pinin, desmosoma asociado a proteína
Cfa. 9261.1. S1 en	7.96E-04	1.10E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad épsilon de ADN polimerasa (LOC483096); ARNm	XM 540 2 12	POLE 4	polimerasa (ADN-dirigida), épsilon 4 (subunidad p 12)
Cfa Afx. 13023.1. S1 s en	4.70E-05	7.75E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 4 de ADN polimerasa épsilon (LOC483096); ARNm	XM 540 2 12	POLE 4	polimerasa (ADN-dirigido) épsilon 4 (subunidad p12)
Cfa. 19321.1. S1 en	4.98E-04	1.00E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a ADN-dirigido ARN polimerasa I 40 kDa polipéptido (RPA40)(RPA39); vt 1 (LOC474912); ARNm	XM 532 1 47	POLR 1 C	polimerasa (ARN)I polipéptido C 30kDa
Cfa Afx. 23745.1. S1 s en	8.87E-04	1.14E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a polimerasa (ARN) II (ADN dirigido) polipéptido G (LOC476052); ARNm	XM 533 2 60	POLR 2 G	polimerasa (ARN)II (ADN dirigido) polipéptido G

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 30155.1. S1 en	1.11E-03	1.20E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a ADN- dirigido ARN polimerasa; precursor mitocondrial (MtrPOL) (LOC485102); ARNm	XM 542 2 20	POLR MT	polimerasa (ARN) mitocondrial (ADN dirigido)
Cfa Affx. 21675.1. S1 s en	3.27E-03	1.55E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a pirofosfatasa inorgánica (LOC479238); ARNm	XM 536 3 80	PPA1	pirofosfatasa (inorgánica) 1
Cfa. 20890.1. S1 en	9.14E-03	2.22E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a pirofosfatasa inorgánica 2 isoforma 1 (LOC478500); ARNm	XM 535 6 79	PPA2	pirofosfatasa (inorgánica) 2
Cfa. 9458.1.A1 en	3.09E-03	1.53E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfo pantotenato cisteína ligasa (fosofopantotenol cisteína sintetasa) (PPC sintetasa); vt 1 (LOC475309); ARNm	XM 532 5 39	PPCS	fosfopantotenol cisteína sintetasa
Cfa Affx. 26086.1. S1 s en	1.88E-02	3.06E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidil-prolil cis-trans isomerasa B precursor (PPIasa) (rotamasa) (ciclofilina B) (S-ciclofilina) (SCYLP) (CYP-S1) vt 2 (LOC478337); ARNm	XM 847 2 96	PIIB	peptidilprolil isomerasa B (ciclofilina B)
Cfa. 7275.1.A1 s en	3.70E-03	1.61E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidil-prolil cis-trans isomerasa B precursor (PPIasa) (rotamasa) (ciclofilina B) (S-ciclofilina) (SCYLP) (CYP-S1) vt 3 (LOC478337); ARNm	XM 860 5 03	PIIB	peptidilprolil isomerasa B (ciclofilina B)
Cfa Affx. 13745.1. S1 s en	1.35E-04	8.90E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidilprolil isomerasa D; vt 1 (LOC475481); ARNm	XM 532 7 04	PPID	peptidilprolil isomerasa D (ciclofilina D)
Cfa. 16705.1. S1 en	8.39E-04	1.12E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidil-prolil cis-trans isomerasa; precursor mitocondrial (PPIasa) (Rotamasa) (ciclofilina F) (LOC610502); ARNm	XM 848 0 21	PIIF	peptidilprolil isomerasa F (ciclofilina F)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 4685.1. S1 s en	3.24E-03	1.55E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidil prolil isomerasa H; vt 1 (LOC606899); ARNm	XM 843 1 44	PIIH	peptidil prolil isomerasa H (ciclofilina H)
Cfa Affx. 19929.1. S1 s en	7.02E-03	1.99E-02	0.76	proteína fosfatasa 1 de homo sapiens; subunidad 7 regulatoria ARNm; cds completas	BT0 201 34	PPP1 R7	proteína fosfatasa 1, reguladora (inhibidor) subunidad 7
Cfa. 1403.1. S1 s en	1.15E-03	1.21E-02	0.76	tipo 2A subunidad proteína fosfatasa de Canis familiaris catalítica ARNm; cds completas	AF4 484 99	PPP2 CA	fosfatasa 2 proteína, (anteriormente 2A) catalítica subunidad, isoforma alfa
Cfa. 8744.1.A1 s en	1.51E-03	1.25E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma beta de la subunidad regulatoria A; proteína fosfatasa 2 isoforma b; vt 1 (LOC479444); ARNm	XM 536 5 79	PPP2 R1 B	fosfatasa 2 proteína, (anteriormente 2A) subunidad regulatoria A, isoforma beta
Cfa. 8744.2.S1 en	5.84E-04	1.03E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma beta de la subunidad regulatoria A; proteína fosfatasa 2 isoforma b; vt 8 (LOC479444); ARNm	XM 857 4 35	PPP2 R1 B	fosfatasa 2 proteína, (anteriormente 2A) subunidad regulatoria A, isoforma beta
Cfa. 1163.1.A1 s en	4.38E-04	9.78E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma alfa de la subunidad regulatoria B55; proteína fosfatasa 2 ; vt 8 (LOC477374); ARNm	XM 853 3 04	PPP2 R2 A	fosfatasa 2 proteína, (anteriormente 2A) subunidad regulatoria B, isoforma alfa
Cfa. 10581.1. S1 s en	1.09E-02	2.38E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidil prolil isomerasa dominio y repetición WD que contiene 1; vt 1 (LOC478078); ARNm	XM 535 2 56	PPW D1	peptidil prolil isomerasa dominio y repetición WD que contiene 1
Cfa. 4507.1.A1 en	3.42E-03	1.57E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a peroxiredoxina 1 (LOC475375); ARNm	XM 532 5 99	PRD X1	peroxiredoxina 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 7806.1. S1 s en	8.08E-04	1.10E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a peroxiredoxina 1 (LOC475375); ARNm	XM 532 5 99	PRD X1	peroxiredoxina 1
Cfa. 3121.4.S1 en	3.51E-02	4.20E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a peroxiredoxina 6 (proteína antioxidante 2)(1-Cys peroxiredoxin) (1-cisPRX) (fosofolipasa acida independiente del calcio A2) (AiPLA2) (no selenio glutatión peroxidasa) (NSGPx) (proteína 24kDa)(hígado 2D pagina punto 40) (glóbulos rojos pagina.. (LOC480069); ARNm	XM 537 1 90	PRD X6	peroxiredoxina 6
Cfa. 12159.1.A1 en	7.59E-03	2.04E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Px19-como proteína (25 kDa proteína de interés evolutivo y linfoide relevante) (PRELI); vt 1 (LOC479276); ARNm	XM 536 4 19	PREL ID1	dominio PRELI contiene 1
Cfa Affx. 10207.1. S1 s en	9.84E-03	2.29E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína quinasa C; ningún tipo (NPKC-nu) (Proteína quinasa EPK2) (LOC483036); ARNm	XM 540 1 51	PRK D3	proteína quinasa D3
Cfa Affx. 15427.1. S1 s en	7.93E-04	1.10E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a HMT1 hnRNP metil transferasa-como 3; vt 1 (LOC476887); ARNm	XM 534 0 89	PRM T3	proteína arginina metiltransferasa 3
Cfa. 2377.1. S1 en	1.19E-02	2.47E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a PRP39 pre ARNm factor de elaboración 39 homólogo; vt1 (LOC480305); ARNm	XM 537 4 27	PRPF 39	PRP39 pre-ARNm factor de elaboración 39 homólogo (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 5780.1. S1 s en	1.70E-04	9.00E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a PRP4 pre-ARNm factor de elaboración 4 homólogo (LOC474807); ARNm	XM 532 0 38	PRPF 4	PRP4 pre-ARNm factor de elaboración 4 homólogo (levadura)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3344.1. S1 en	4.54E-04	9.86E-03	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteínas formin vinculantes 3 (Huntingtina socio levadura A) (Huntingtina-proteína interactiva HYP A/FB11) (ligando fas asociado al factor 1) (NY-Ren-6 antígeno); vt 1 (LOC476152); ARNm	XM 533 3 59	PRPF 40 A	PRP40 pre-ARNm factor de elaboración 40 homólogo A (S. cerevisiae)
Cfa Afx. 9716.1. S1 s en	9.62E-04	1.16E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteínas formin vinculantes 3 (Huntingtina socio levadura A) (Huntingtina-proteína interactiva HYP A/FB11) (ligando fas asociado al factor 1) (NY-Ren-6 antígeno); vt 6 (LOC476152); ARNm	XM 852 9 76	PRPF 40 A	PRP40 pre-ARNm factor de elaboración 40 homólogo A (S. cerevisiae)
Cfa. 1509.3.A1 s en	4.19E-03	1.67E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a serina/treonina-proteína quinasa PRP4K; vt 6 (LOC488199); ARNm	XM 851 4 39	PRPF 4 B	PRP40 pre-ARNm factor de elaboración 4 homólogo B (levadura)
Cfa. 9362.1. S1 en	2.20E-03	1.37E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfoserina aminotransferasa isoforma 1 (LOC476318); ARNm	XM 533 5 20	PSAT 1	fosfoserina aminotransferasa 1
Cfa. 4666.1.A1 s en	7.26E-04	1.08E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a promotor 2 de presenilina (LOC476479); ARNm	XM 533 6 89	PSEN E N	promotor 2 homólogo de la presenilina (C. elegans)
Cfa. 6307.1.A1 s en	9.21E-06	6.68E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a promotor 2 de presenilina (LOC476479); ARNm	XM 533 6 89	PSEN E N	promotor 2 homólogo de la presenilina (C. elegans)
Cfa. 1804.1. S1 en	1.65E-02	2.88E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a PC4 y SFRS1 proteína de interacción 1 isoforma 2; vt 1 (LOC474712); ARNm	XM 531 9 39	PSIP 1	PC4 y SFRS1 proteína de interacción 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19196.1. S1 x en	9.79E-04	1.16E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad proteasoma alfa tipo 1 (componente C2 Proteasoma)(subunidad macrodolor 2)(endopeptidasa multicatalítica subunidad complejo C2)(cadena de proteasoma)(30 kDa proteína prosomal)(PROS-30)(LOC476867); ARNm	XM 534 0 70	PSM A1	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo 1
Cfa. Afx. 29177.1. S1 s en	3.17E-04	9.28E-03	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad de proteasoma alfa tipo 2 (componente de proteasoma C3) (endopeptidasa multicatalítica complejo subunidad C3); vt 1 (LOC475870); ARNm	XM 533 0 78	PSM A2	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo 2
Cfa. 4336.1. S1 s en	5.83E-04	1.03E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma subunidad alfa 3 isoforma 2; vt 1 (LOC480338); ARNm	XM 537 4 60	PSM A3	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo 3
Cfa. 10406.1. S1 en	5.71E-03	1.84E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma subunidad alfa tipo 4 (componente proteasoma C9)(subunidad macropain C9) (complejo endopeptidasa multicatalítica C9) (proteasoma subunidad L) (LOC475132); ARNm	XM 532 3 62	PSM A4	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo 4
Cfa Afx. 3522.1. S1 s en	7.49E-03	2.03E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma subunidad alfa tipo 4 (componente proteasoma C9)(subunidad macropain C9) (complejo endopeptidasa multicatalítica C9) (proteasoma subunidad L) (LOC475132); ARNm	XM 532 3 62	PSM A4	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo 4

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12672.1.A1 s en	6.93E-03	1.98E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma subunidad alfa tipo 5 (cadena proteasoma zeta)(complejo multicatalítica endopeptidasa cadena zeta); vt 2 (LOC490123); ARNm	XM 860 9 92	PSM A5	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo, 5
Cfa. 9709.1. S1 s en	1.42E-03	1.25E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma subunidad alfa tipo 5 (cadena proteasoma zeta)(complejo multicatalítica endopeptidasa cadena zeta); vt 2 (LOC490123); ARNm	XM 860 9 92	PSM A5	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo, 5
Cfa. 9494.1. S1 s en	3.21E-05	7.55E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad proteasoma alfa tipo 6 (proteasoma cadena ápice)(endopeptidasa multicatalítica complejo cadena ápice) vt 2 (LOC480290); ARNm	XM 537 4 12	PSM A6	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad alfa tipo, 6
Cfa Affx. 7079.1. S1 en	7.93E-06	6.68E-03	0.71	proteína de unión de caja TATA de canis familiaris (LOC475040); ARNm	XM 532 2 75	PSM B1	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad beta tipo, 1
Cfa. 4329.1. S1 s en	2.59E-03	1.44E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad beta proteasoma tipo 4 precursor (proteasoma cadena beta)(cadena macropain beta) (complejo cadena beta endopeptidasa multicatalítica)(proteasoma cadena 3) (LOC475848); ARNm	XM 533 0 57	PSM B4	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad beta tipo, 4
Cfa. 2649.1. S1 s en	4.63E-04	9.88E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad beta proteosoma tipo 6 precursor (proteasoma cadena delta)(cadena macropain delta) (complejo cadena delta endopeptidasa multicatalítica)(proteasoma subunidad y) (LOC607466); ARNm	XM 844 1 48	PSM B6	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad beta tipo, 6

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 26768.1. S1 en	5.68E-02	5.46E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a peptidasa (prosoma; macropain) subunidad 26S; ATPasa 1; vt 2 (LOC478703); ARNm	XM 843 4 31	PSM C1	proteasoma (prosoma, macropain) 26S subunidad ATPasa, 1
Cfa. 281.1. S1 s en	3.83E-04	9.61E-03	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma (prosoma; macropain) subunidad 26S; ATPasa 2; (LOC475896); ARNm	XM 533 1 03	PSM C2	proteasoma (prosoma, macropain) 26S subunidad ATPasa, 2
Cfa. 3960.1.A1 s en	9.11E-04	1.15E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 6A proteasa regulatoria 26S (TAT-proteína de unión 1)(TBP-1)(subunidad proteasoma PSO); vt 2 (LOC475980); ARNm	XM 855 5 82	PSM C3	proteasoma (prosoma, macropain) 26S subunidad ATPasa, 3
Cfa Afx. 19069.1. S1 s en	1.84E-03	1.31E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma 26S ATPasa subunidad 6 (LOC478522); ARNm	XM 535 7 01	PSM C6	proteasoma (prosoma, macropain) 26S subunidad ATPasa, 6
Cfa Afx. 15655.1. S1 s en	4.12E-04	9.68E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma (prosoma; macropain) subunidad 26S; no-ATPasa; 14; vt 2 (LOC478765); ARNm	XM 535 9 31	PSM D1 4	proteasoma (prosoma, macropain) 26S subunidad no-ATPasa, 14
Cfa. 2102.1.A1 s en	5.98E-04	1.04E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad complejo2 activadora de proteasa(subunidad 28-beta activador del proteasoma)(PA28beta) (PA28b)(activador de la proteasa muscatalítica subunidad 2)(complejo regulador 115 subunidad beta)(REG-beta);vt 3 (LOC480258); ARNm	XM 855 0 30	PSM E2	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad activador 2 (PA28beta)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14895.1.A1 s en	1.43E-02	2.69E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad complejo2 activadora de proteasa(subunidad 28-beta activador del proteasoma)(PA28beta) (PA28b)(activador de la proteasa muscatalítica subunidad 2)(complejo regulador 115 subunidad beta)(REG-beta);vt 5 (LOC480258); ARNm	XM 855 1 06	PSM E2	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad activador 2 (PA28beta)
Cfa. 7938.1.A1 s en	3.48E-05	7.55E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma (prosoma; macropain) subunidad 28; 3 (previsto); vt 6 (LOC480512); ARNm	XM 852 7 57	PSM E3	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad activador 2 (PA28 gama; K i)
Cfa. 552.1.A1 en	6.07E-03	1.87E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasoma (prosoma; macropain) subunidad activadora 4; (LOC474594); ARNm	XM 531 8 23	PSM E4	proteasoma (prosoma, macropain) subunidad activadora 4
Cfa. 16358.1. S1 en	3.65E-02	4.28E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a superfamilia de factor de necrosis tumoral; miembro 5-inducido por la proteína 1 (LOC480215); ARNm	XM 537 3 40	PSM G2	proteasoma (prosoma, macropain) chaperona montaje 2
Cfa Affx. 28795.1. S1 s en	4.16E-02	4.60E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a superfamilia de factor de necrosis tumoral; miembro 5-inducido por la proteína 1 (LOC480215); ARNm	XM 537 3 40	PSM G2	proteasoma (prosoma, macropain) chaperona montaje 2
Cfa. 2529.1. S1 en	3.69E-02	4.31E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de unión del tracto de polipirimidina 2; vt 4 (LOC490149); ARNm	XM 861 7 27	PTBP 2	proteína de unión tracto polipirimidina 2
Cfa. 3452.1. S1 s en	1.30E-02	2.57E-02	0.74	prostaglandina E2 de canis familiaris de subtipo EP4 receptor ARNm; cds completos	XM AF1 7 793 4	PTGE R 4	prostaglandina E receptor 4 (subtipo EP4)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 5983.1. S1 en	9.36E-03	2.23E-02	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de pleiotrofina (PTN)(el crecimiento de unión a heparina asociada molecular)(HB-GAM)(factor B de crecimiento de unión a heparina)(HBGF-8)(factor específico de osteoblastos 1)(OSF-1)(factor neutrófico de unión a heparina)(HBNF)(mitógeno cerebral de unión a heparina.. (LOC475509); ARNm	XM 532 7 32	PTN	Pleiotrofina
Cfa. 4403.1. S1 s en	1.05E-02	2.34E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 pumilio 1; vt 9 (LOC478158); ARNm	XM 860 1 24	PUM 1	pumilio homólogo 1 (Drosophila)
Cfa. 6493.1.A1 en	8.64E-02	6.96E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARNt pseudouridina sintasa A (ARNt pseudouridilato sintasa I)(LOC609867); ARNm	XM 847 2 14	PUS1	pseudouridilato sintasa 1
Cfa. 14845.1.A1 en	1.14E-03	1.20E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio que contiene 2 PWWP; vt 1 (LOC479310); ARNm	XM 536 4 48	PWW P2 A	dominio que contiene 2A PWWP
Cfa Affx. 25782.1. S1 s en	3.84E-02	4.40E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio PYD y CARD que contiene una isoforma a; vt 3 (LOC489925); ARNm	XM 843 5 15	PYCA R D	dominio que contiene PYD y CARD
Cfa Affx. 22488.1. S1 en	6.72E-02	6.02E-02	0.76	Fosforilasa de canis familiaris; glucógeno; hígado; vt 1 (PYGL); ARNm	XM 537 4 43	PYGL	fosforilasa glucógeno, hígado
Cfa. 1325.1. S1 s en	5.97E-03	1.87E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a glutaminil-ARNt sintetasa; vt 1 (LOC476628); ARNm	XM 533 8 33	QAR S	glutaminil-ARNt sintetasa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11172.1.A1 en	3.74E-02	4.34E-02	0.76	PREDICHO: Pan troglodytes similar a QKI; vt 2 (LOC472181); ARNm	XM001154802	QKI	Homólogo temblante, KH dominio de unión ARN (ratón)
Cfa Affx. 6542.1. S1 s en	2.09E-03	1.35E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a glutaminil-ARNt sintasa (glutamina hidrolizante) como 1 (LOC475014); ARNm	XM532250	QRSL1	glutaminil-ARNt sintasa (glutamina-hidrolizante) como 1
Cfa. 2882.1. S1 en	7.33E-02	6.32E-02	0.75	familia de Macaca mulatta RAB11 interacción de proteína 2 (clase1)(RAB11F1P2); ARNm	XM001100265	RAB11F1P2	familia RAB11 interacción de proteína 2 (clase 1)
Cfa. 10588.1.A1 en	5.56E-03	1.82E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 que interacciona con la familia rab11 (Rab11-FIP2)(NRip11) (LOC477834); ARNm	XM535026	RAB11F1P2	familia RAB11 interacción de proteína 2 (clase 1)
Cfa Affx. 18629.1. S1 s en	2.03E-02	3.17E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 que interacciona con la familia rab11 (Rab11-FIP2)(NRip11) (LOC477834); ARNm	XM535026	RAB11F1P2	familia RAB11 interacción de proteína 2 (clase 1)
Cfa. 1842.1. S1 en	3.89E-03	1.63E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ras-relacionado con la proteína Rab -18; vt 2 (LOC491408); ARNm	XM843676	RAB18	RAB 18, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa Affx. 21132.1. S1 s en	2.78E-03	1.48E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ras-relacionado con la proteína Rab -18; vt 6 (LOC491408); ARNm	XM852130	RAB18	RAB 18, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa. 5163.1.A1 en	6.67E-02	5.99E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ras-relacionado con la proteína Rab -20; (LOC485549); ARNm	XM542668	RAB20	RAB 20, RAS miembro de la familia oncogén

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3880.1.A2 en	3.97E-03	1.64E-02	0.72	PREDICHO: Pan troglodytes similar a la proteína de unión GTP; vt 2 (LOC464197); ARNm	XM001158192	RAB2A	RAB 2A, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa. 3879.1. S1 s en	5.17E-03	1.79E-02	0.72	Proteína enlazante de GTP de C. familiaris (rab5) ARNm; cds completas	M35520	RAB5A	RAB 5A, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa Affx. 9333.1. S1 s en	1.29E-03	1.23E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína relacionada con Ras Rab-6A (Rab-6); vt 2 (LOC608330); ARNm	XM856012	RAB6A	RAB 6A, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa. 3637.1. S1 s en	1.18E-02	2.45E-02	0.72	PREDICHO: RABBA de canis familiaris; RAS miembro de la familia oncogénico (RABBA); ARNm	XM850476	RAB8A	RAB 8A, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa. 15215.1.A1 en	4.32E-04	9.78E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a RABBA; RAS miembro de la familia oncogén (LOC610601); ARNm	XM848135	RAB8B	RAB 8A, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa Affx. 18264.1. S1 s en	1.29E-03	1.23E-02	0.73	PREDICHO: rab9 proteína de unión GTP (RAB9) canis familiaris; ARNm	XM537956	RAB9A	RAB 9A, RAS miembro de la familia
Cfa Affx. 31221.1. S1 en	2.07E-03	1.35E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a geranilgeranil transferasa Rab; subunidad beta (LOC612683); ARNm	XM850411	RABGGTB	Rab geranilgeranil transferasa subunidad beta
Cfa Affx. 31221.1. S1 s en	3.62E-03	1.60E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a geranilgeranil transferasa Rab; subunidad beta (LOC612683); ARNm	XM850411	RABGGTB	Rab geranilgeranil transferasa subunidad beta

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12356.1.A1 en	3.00E-03	1.51E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a RAD17 isoforma homóloga 2 (LOC478088); ARNm	XM 535 2 65	RAD1 7	RAD17 homólogo (S.pombe)
Cfa. 1703.1.A1 en	1.04E-02	2.34E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína rad21 homóloga de reparación de ruptura de de doble hélice (hHR21)(proteína de matriz nuclear 1)(NXP-1)(SCC1 homólogo); vt 3 (LOC482021); ARNm	XM 855 9 24	RAD2 1	RAD21 homólogo (S. pombe)
Cfa. 507.1.A1 s en	1.06E-04	8.90E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a RAD50 isoforma homóloga 1 (LOC474674); ARNm	XM 531 9 01	RAD5 0	RAD50 homólogo (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 18719.1. S1 s en	3.10E-03	1.53E-02	0.77	PREDICHO: proteína de exportación ARNm de Homo sapiens (RAE1); cds completas	U84 720	RAE1	RAE1 ARN exportación 1 homóloga (s.pombe)
Cfa. 16557.1. S1 en	9.39E-03	2.24E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARN- proteína de unión Raly (hnRNP asociada con proteína letal amarilla)(expresión maternal hnRPN relacionados con la proteína C)(LOC485845); ARNm	XM 542 9 69	RALY	proteína de unión ARN, autogénica (hnRNP- asociada con la homóloga letal amarilla (ratón)
Cfa. 550.1. S1 s en	1.96E-02	3.12E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión 2 RAN como 1 isoforma 1 (LOC474539); ARNm	XM 531 7 68	RAN BP 2	proteína de unión 2 RAN
Cfa Affx. 15465.1. S1 en	1.01E-02	2.31E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de unión 9 RAN (LOC478728); ARNm	XM 535 8 93	RAN BP 9	proteína de unión 9 RAN
Cfa. 1011.1. S1 s en	1.18E-03	1.21E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a RAS proteína relacionada 1b (LOC608981); ARNm	XM 846 1 57	RAP1 B	RAP1B,RAS miembro de la familia oncogén

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 21068.1. S1 s en	2.32E-03	1.39E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína RAS relacionada 1b (LOC608981); ARNm	XM 846 1 57	RAP1 B	RAP1B, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa Affx. 28755.1. S1 en	1.48E-02	2.73E-02	0.76	bos taurus RAP2C; RAS miembro de la familia oncogén; ARNm (ADNc clon MGC: 143331 IMAGEN: 8137531); cds completas	BC1 237 30	RAP2 C	RAP2C, RAS miembro de la familia oncogén
Cfa Affx. 26106.1. S1 s en	4.81E-04	1.00E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARNt arginil transferasa sintetasa; vt 1 (LOC609803); ARNm	XM 848 0 09	RAR S	ARNt-arginil sintetasa
Cfa Affx. 6591.1. S1 s en	2.28E-03	1.39E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARNt arginil sintetasa; vt 4 (LOC609803); ARNm	XM 861 8 45	RAR S	ARNt-arginil sintetasa
Cfa Affx. 5556.1. S1 en	1.41E-03	1.24E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARNt como arginil sintetasa; vt 1 (LOC481911); ARNm	XM 539 0 32	RAR S2	ARNt-arginil sintetasa 2, mitocondrial
Cfa Affx. 11155.1. S1 s en	3.26E-03	1.55E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Rb1-proteína 1 inducible alambre enrollado ; vt 3(LOC477876); ARNm	XM 851 6 78	RB1C C1	RB1- alambre enrollado inducible 1
Cfa Affx. 26877.1. S1 en	1.75E-02	2.96E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión de retinoblastoma 6 isoforma 3; vt 4 (LOC479802); ARNm	XM 855 8 57	RBBP 6	proteína de unión retinoblastoma 6
Cfa. 15259.1.A1 en	1.44E-03	1.25E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión de ARN putativo 15(ARN proteína motivo de unión 15)(proteína uno-veintidós); vt 2 (LOC479909); ARNm	XM 860 7 99	RBM 15	proteína motivo de unión de ARN 15

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2814.1.A1 en	3.73E-03	1.62E-02	0.73	PREDICHO: proteína motivo de unión ARN de Bos taurus 25; vt 5 (RBM25); ARNm	XM 879 6 44	RBM 25	proteína motivo de unión ARN 25
Cfa Affx. 8829.1. S1 s en	1.93E-02	3.10E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno de tumor de linfoma de células T cutáneo se70-2; vt 5 (LOC476955); ARNm	XM 853 0 24	RBM 26	proteína motivo de unión ARN 26
Cfa Affx. 23773.1. S1 en	3.41E-02	4.13E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 motivo de unión ARN isoforma b; vt 3 (LOC609457); ARNm	XM 858 0 97	RBM 3	ARN proteína motivo de unión 3 (RNP1,RRM)
Cfa. 2425.1. S1 s en	3.17E-03	1.55E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 34 motivo de unión ARN (LOC479199); ARNm	XM 536 3 41	RBM 34	ARN proteína motivo de unión 34
Cfa. 15731.1. S1 en	4.27E-03	1.68E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a la región de unión a ARN que contiene la proteína 2 (proteína 1 carcinoma hepatocelular)(factor de empalme HCC1); vt 22 (LOC477216); ARNm	XM 860 2 30	RBM 39	ARN proteína motivo de unión 39
Cfa. 15731.3.S1 s en	5.26E-03	1.79E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a la región de unión a ARN que contiene la proteína 2 (proteína 1 carcinoma hepatocelular)(factor de empalme HCC1); vt 22 (LOC477216); ARNm	XM 860 2 30	RBM 39	ARN proteína motivo de unión 39
Cfa Affx. 16999.1. S1 s en	1.00E-02	2.30E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión al ARN 5 (ARN proteína motivo de unión 5)(supresor de tumor putativo LUCA15)(G15protein); vt 1 (LOC476618); ARNm	XM 533 8 21	RBM 5	ARN proteína motivo de unión 5

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 17487.1. S1 s en	7.25E-04	1.08E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína de unión al ARN 8A(ARN proteína motivo de unión 8A)(ribonucleoproteína RMBA) (LOC475827); ARNm	XM 533 0 35	RBM 8A	ARN proteína motivo de unión 8A
Cfa. 10176.1.A1 en	4.94E-03	1.76E-02	0.76	PREDICHO: Similar a RCC1 de Pan troglodytes (RCC2); ARNm	XM 513 1 17	RCC2	regulador de la condensación cromosoma 2
Cfa. 17021.1. S1 en	2.46E-03	1.41E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio 1 isoforma 3 que contiene dedo anular y CHY de dedo de zinc; vt3(LOC612746); ARNm	XM 850 6 88	RCH Y1	dedo anular y la CHY dominio de dedos de cinc que contiene 1
Cfa Afx. 23665.1. S1 en	1.39E-02	2.66E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a sustrato de proteína quinasa MK2S4 (LOC480089); ARNm	XM 537 2 12	RCS D1	RCSD contiene dominio 1
Cfa. 9131.1. S1 en	2.24E-02	3.32E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a retinol deshidrogenasa 14(todos los trans y 9-cis); vt 4 (LOC482983); ARNm	XM 852 4 89	RDH1 4	retinol deshidrogenasa 14 (todos los trans/9-cis/11-cis)
Cfa. 1742.1. S1 en	1.97E-02	3.13E-02	1.31	PREDICHO: ARNm de Canis lupus familiaris para pancreatitis asociada a proteínas; cds completos	AB0 987 08	REG3 G	islotes de regeneración derivado 3 gama
Cfa. 18363.1. S1 s en	4.90E-03	1.75E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de replicación C2 (40kD) isoforma 2; vt 1 (LOC489798); ARNm	XM 546 9 16	RFC2	factor C de replicación (activador 1) 2, \$=kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14188.1.A1 a en	8.24E-03	2.12E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad de activador 1 38 kDa (factor de replicación subunidad C38 kDa) (A1 38 subunidad kDa) (RF-C38 subunidad kDa) (RFC 38) (factor de replicación C subunidad 3) (LOC477308);ARNm	XM 534 5 00	RFC3	factor de replicación C (activador 1) 3, 38kDa
Cfa. 14188.2.A1 s en	2.05E-03	1.35E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad de activador 1 38 kDa (factor de replicación subunidad C38 kDa) (A1 38 subunidad kDa) (RF-C38 subunidad kDa) (RFC 38) (factor de replicación C subunidad 3) (LOC477308);ARNm	XM 534 5 00	RFC3	factor de replicación C (activador 1) 3, 38kDa
Cfa. 17148.1. S1 s en	6.04E-02	5.66E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad activador 1 37 kDa (factor de replicación C 37 subunidad kDa) (A1 37 subunidad kDa) (RF-C37 subunidad kDa)(RFC37) (LOC478667); ARNm	XM 535 8 37	RFC4	factor de replicación C (activador 1) 4, 37kDa
Cfa Affx. 22037.1. S1 s en	1.09E-03	1.20E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína constitutiva fotomorfogénico 1 (LOC480060); ARNm	XM 537 1 81	RFW D2	dedo anular y WD repetición de dominio 2
Cfa. 577.1.A1 en	1.09E-03	1.20E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Rho 1 mitocondrial; vt 1 (LOC480613); ARNm	XM 537 7 33	RHO T1	familia de genes ras homólogo, miembro T1
Cfa Affx. 1320.1. S1 en	1.18E-02	2.46E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG3295-PA (LOC474643); ARNm	XM 531 8 73	RMN D5 B	requerido para división celular meiotica 5 homólogo B (S.cerevisiae)
Cfa. 17844.1.A1 en	5.32E-02	5.28E-02	0.75	ribonucleasa L de Canis lupus familiaris (RNASEL) ARNm; cds completos	DQ 497 16 3	RNA SE L	ribonucleasa L (2',5'-oligoisoadenilato sintetasa dependiente)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1781.1. S1 en	1.41E-02	2.68E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 111 dedo anular; vt 5 (LOC478323); ARNm	XM 859 2 56	RNF1 11	proteína 111 dedo anular
Cfa Affx. 17475.1. S1 s en	4.43E-04	9.78E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína dedo de zinc 364 (Rabring 7) (LOC612818); ARNm	XM 845 2 09	RNF1 15	proteína 115 dedo anular
Cfa Affx. 2449.1. S1 s en	2.91E-03	1.49E-02	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína dedo de anillo 139 (LOC609422); ARNm	XM 536 6 79	RNF1 39	proteína de anillo de dedo 139
Cfa Affx. 2480.1. S1 en	1.25E-02	2.53E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de anillo de dedo 146 (LOC609422); ARNm	XM 533 4 93	RNF1 46	proteína de anillo de dedo 146
Cfa Affx. 9057.1. S1 en	1.86E-03	1.32E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de anillo de dedo 170 (LOC609422); ARNm	XM 532 7 88	RNF1 70	proteína de anillo de dedo 170
Cfa. 10928.1.A1 en	1.22E-02	2.50E-02	0.76	Bos Taurus proteína de anillo de dedo 4; ARNm 9ADNc clone:137906 imahen:8087140); Cds. completos	BC1 146 80	RNF4	proteína de anillo de dedo 4
Cfa. 15117.1. S1 en	6.10E-03	1.88E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris proteína 2 de caja-de anillo (Rbx2) (Proteína 7 de anillo de dedo) sensible a la proteína del gen apoptosis (LOC477097); ARNm	XM 534 2 91	RNF7	Proteína 7 de anillo de dedo
Cfa. 15117.1. S1 s en	1.57E-03	1.26E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 caja de anillo, (Rbx2) (proteína 7 anillo de dedo) (proteína sensible al gen de apoptosis) (LOC477097); ARNm	XM 534 2 91	RNF7	proteína 7 anillo de dedo

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa1316.1. S1 en	6.56E-03	1.94E-02	074.	PREDICHO: Canis familiaris similar a U RNA, adaptador exportador de pequeño RNA nuclear) (fosforilación regulada) (LOC479305); ARNm	XM 846 2 66	RNU XA	U RNA, adaptador exportador de pequeño RNA nuclear) (fosforilación regulada)
Cfa Affx. 18623.1. S1 s en	2.41E-03	1.41E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad Kda replica de proteína A 32 (RP-A) (RF-A) (proteína 2 factor de replicación A) (P34) (LOC487339); ARNm	XM 544 4 65	RPA2	Replicación de proteína A2 32kDa
Cfa. 10828.2.S1 a en	2.12E-02	3.23E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a epimerasa fosfato-3 ribulosa-5; variante transcripta 1 (LOC478893); ARNm	XM 536 0 51	RPE	epimerasa fosfato-3 ribulosa-5
Cfa. 335.1.A1 en	6.38E-04	1.05E-02	0.75	PREDICHO: Pan troglodytes fosfato de isomerasa A ribosa	XM 525 8 09	RPIA	fosfato de isomerasa A ribosa 5
Cfa. 10645.1. S1 en	1.36E-02	2.64E-02	0.77	PREDICHO; Canis familiaris similar a proteína L18a ribosomal; variante transcripta 2 (LOC476672); ARNm	XM 860 4 67	RPL1 8A	proteína L18a ribosomal
Cfa Affx. 19688.1. S1 s en	4.05E-04	9.68E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína L35a ribosomal; variante transcripta 1 (LOC478597); ARNm	XM 535 7 73	RPL3 5A	proteína L35a ribosomal
Cfa. 3214.1. S1 a en	4.99E-04	1.00E-02	0.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a larga subunidad de proteína t36a ribosomal (LOC480311); ARNm	XM 537 4 33	RPL3 6A L	proteína t36a similar a ribosomal
Cfa. 3214.1. S1 s en	3.28E-04	9.28E-03	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a larga subunidad de proteína l36a ribosomal (LOC480311); ARNm	XM 537 4 33	RPL3 6A L	proteína l36a ribosomal

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 30225.1. S1 s en	1.32E-03	1.23E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris proteína L7a Ribosomal (RL7A); ARNm	XM 537 8 00	RPL7 A	proteína L7a Ribosomal
Cfa. 9914.1. S1 s en	2.38E-03	1.40E-02	0.74	Familiaris similar a subunidad precursora de dolcil proteína difosfooligosacárido glicosil transferasa 67kDA (Ribophorin 1) (RPN-1); variante transcripta 1 (LOC476516); ARNm	XM 533 7 22	RPN1	Ribophorin I
Cfa. 9914.2.A1 s en	2.78E-03	1.48E-02	0.74	Familiaris similar a subunidad precursora de dolcil proteína difosfooligosacárido glicosil transferasa 67kDA (Ribophorin 1) (RPN-1); variante transcripta 3 (LOC476516); ARNm	XM 843 7 37	RPN1	Ribophorin I
Cfa. 1364.1.A1 en	9.00E-02	7.13E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de Ribophorin II, variante transcripta 3 (LOC477223); ARNm	XM 860 5 86	RPN2	Ribophorin II
Cfa. 21586.1. S1 s en	4.46E-04	9.79E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de Ribophorin II, variante transcripta 3 (LOC477223); ARNm	XM 860 5 86	RPN2	Ribophorin II
Cfa Affx. 27347.1. S1 en	2.50E-02	3.50E-02	0.74	PREDICHO: Pan troglodytes similar a proteína P15RS; variante transcripta 1 (LOC468522); ARNm	XM 001 1 362 95	RPR D1 A	Regulación de dominio 1 ^a que contiene preARNm nuclear
Cfa. 1201.1. S1 s en	3.26E-03	1.55E-02	0.73	Canis familiaris ARNm para proteína S17 ribosomal (gen rpS17)	AJ3 885 23	RPS1 7	proteína S17 ribosomal
Cfa. 6966.1.A1 en	1.41E-04	8.90E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar hipotético LOC474502 (LOC474502); ARNm	XM 531 7 30	RPS1 9B P1	Proteína 1 de unión con proteína S19 ribosomal

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 2877.1. S1 s en	2.54E-03	1.44E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar hipotético LOC474502 (LOC474502); ARNm	XM 531 7 30	RPS1 9B P1	Proteína 1 de unión con proteína S19 ribosomal
Cfa. 732.1. S1 s en	2.50E-04	9.06E-03	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S20 ribosomal 40S (LOC477887); ARNm	XM 535 0 79	RPS2 0	proteína S20 ribosomal
Cfa. 732.1. S1 x en	4.52E-03	1.71E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S20 ribosomal 40S (LOC477887); ARNm	XM 535 0 79	RPS2 0	proteína S20 ribosomal
Cfa Affx. 386.1. S1 s en	3.67E-03	1.61E-02	0.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S20 ribosomal 40S (LOC477887); ARNm	XM 535 0 79	RPS2 0	proteína S20 ribosomal
Cfa Affx. 8139.1. S1 x en	1.22E-03	1.22E-02	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S20 ribosomal 40S (LOC477887); ARNm	XM 535 0 79	RPS2 0	proteína S20 ribosomal
Cfa. 311.2.A1 x en	3.06E-04	9.25E-03	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína S27a de ubiquitina y ribosomal (LOC474599); ARNm	XM 531 8 29	RPS2 7 A	proteína S27a ribosomal
Cfa. 311.6.A1 x en	2.00E-04	9.06E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína S27a de ubiquitina y ribosomal (LOC474599); ARNm	XM 531 8 29	RPS2 7 A	proteína S27a ribosomal
Cfa. 5249.2.S1 a en	1.35E-04	8.90E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar a S27-ribosomal 40S (LOC610569); ARNm	XM 848 0 98	RPS2 7L	proteína similar a S27- ribosomal

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 240.1. S1 s en	3.58E-03	1.59E-02	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar a S27-ribosomal 40S (LOC610569); ARNm	XM 848 0 98	RPS2 7L	proteína similar a S27- ribosomal
Cfa Affx. 20420.1. S1 en	1.19E-02	2.47E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa polipéptido 3 de proteína S6 ribosomal; variante transcripta 3 (LOC491768); ARNm	XM 548 8 88	RPS6 KA 3	quinasa 90kDA polipéptido 3 de proteína S6 ribosomal
Cfa. 13383.1.A1 s en	1.17E-03	1.21E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa de proteína S6 ribosomal; polipéptido 1; variante transcripta 1 (LOC480580); ARNm	XM 537 7 02	RPS6 KB 1	quinasa de proteína S6 ribosomal; 70kDa, polipéptido 1
Cfa. 297.2.A1 s en	5.19E-03	1.79E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína S9 ribosomal 40S (LOC610569); ARNm	XM 533 5 90	RPS9	Proteína ribosomal S9
Cfa. 10840.1. S1 s en	5.49E-03	1.82E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SA ribosomal 40S (p40) (34/67 kDa receptor de laminina) (proteína carcinoma de colon laminina vinculante) (NEM/1CHD4) (proteína MGr-1Ag asociada a la resistencia a multifármacos); variante transcripta 14 (LOC477029); ARNm	XM 855 6 91	RPSA	Proteína ribosomal SA
Cfa. 1831.1.A1 en	1.87E-02	3.05E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar oncogén homólogo 2 relacionado con RAS viral (r-ras) (predicho) (LOC476865); ARNm	XM 534 0 68	RRA S2	oncogén homólogo 2 relacionado con RAS
Cfa. 3413.1.A1 en	8.95E-03	2.20E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a gran subunidad reductasa difosfato ribonucleósido (subunidad de reductasa M1 difosfato ribonucleósido) (Cadena larga de reductasa ribonucleósido); variante transcripta 1 (LOC4762823); ARNm	XM 534 0 27	RRM 1	ribonucleótido reductasa M1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 9942.1. S1 s en	5.08E-3	1.77E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a gran subunidad de reductasa difosfato ribonucleósido (subunidad de reductasa M1 difosfato ribonucleósido) (Cadena larga de reductasa ribonucleósido); variante transcripta 5 (LOC4762823); ARNm	XM 857 1 30	RRM 1	ribonucleótido reductasa M1
Cfa Affx. 6059.1. S1 en	2.32E-02	3.37E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a cadena reductasa M2 difosfato ribonucleósido (Cadena reducida de reductasa ribonucleósido); variante transcripta 1 (LOC482963); ARNm	XM 540 0 76	RRM 2	polipéptido M2 ribonucleótido reductasa
Cfa Affx. 14564.1. S1 en	2.27E-02	3.33E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar proteína básica espermátide ronda 1; variante transcripta 1 (LOC475802); ARNm	XM 533 0 11	RSB N1	proteína básica espermátide ronda 1
Cfa. 13506.1.A1 s en	3.82E-03	1.63E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 interactuando con rediculón 4; variante transcripta 4 (LOC475013); ARNm	XM 863 2 77	RTN4 IP 1	proteína 1 interactuando con rediculón 4
Cfa. 10177.1. S1 en	6.44E-02	5.87E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína x interactuando con rap2; variante transcripta 1 (LOC475168); ARNm	XM 532 4 00	RUFY 3	Dominio RUN y Tyve contiene 3
Cfa. 1681.1. S1 en	3.48E-03	1.58E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a gran subunidad reductasa difosfato ribonucleósido (subunidad reductasa difosfato ribonucleósido) (Cadena larga de reductasa ribonucleósido); variante transcripta 1 (LOC476823); ARNm	XM 851 9 56	RUV BL1	1 similar a RuvB (E. Coli)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 22128.1. S1 en	6.76E-02	6.04E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a RuvB- (proteína interactiva 49kDa TATA proteína de unión) (proteína interactiva 49kDa TMP) (TIP49a) (Portin 52) (proteína 238 matriz nuclear) (NMP 238) (proteína citosólica eritrocito 54 kDa) (ECP-54) (Proteína 54- a asociada a TIP60); variante transcripta 6 (LOC476512); ARNm	XM 847 7 63	S100 P	proteína p vinculante a S100 calcio
Cfa Affx. 3929.1. S1 en	1.56E-02	2.80E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio motivo alfa estéril que contiene similar a 9- (LOC482305); ARNm	XM 539 4 22	SAM D9 L	dominio motivo alfa estéril que contiene 9-similar
Cfa. 11724.1.A1 s en	1.81E-04	9.00E-03	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína CGI-51 como SAM50 (LOC474473); ARNm	XM 531 7 02	SAM M50	Componente 50 homólogo clasificado y montaje de maquinaria (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 12896.1. S1 s en	4.70E-03	1.73E-02	0.74	PREDICHO: Macaca mulatta dominio SAM; localización de señales nucleares y dominio SH3; 1; variante transcripta 3 (SAMS1); ARNm	XM 001 0 827 77	SAM SN1	Dominio SAM, localización de señales nucleares y dominio SH3
Cfa. 4066.1.A1 s en	1.78E-05	7.55E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a poli péptido p18 asociado a sin3 (LOC609404); ARNm	XM 534 5 36	SAP1 8	Proteína asociada a Sin3A; 18kDa
Cfa Affx. 12592.1. S1 en	3.99E-02	4.49E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a poli péptido p30 asociado a sin3 (LOC607359); ARNm	XM 843 9 90	SAP3 0	Proteína asociada a Sin3A; 30kDa
Cfa. 3394.1.A1 en	5.13E-03	1.78E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SAR1b vinculando GTP (GTBPB) (LOC481509); ARNm	XM 538 6 30	SAR1 B	Gen SAR1 homólogo B (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 2433.1. S1 en	2.46E-03	1.41E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SAR1b vinculando GTP (GTBPB) (LOC481509); ARNm	XM 538 6 30	SAR1 B	Gen SAR1 homólogo B (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 2433.1. S1 s en	1.08E-03	1.20E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SAR1b vinculando GTP (GTBPB) (LOC481509); ARNm	XM 538 6 30	SAR1 B	Gen SAR1 homólogo B (S. cerevisiae)
Cfa. 17197.1. S1 en	5.22E-03	1.79E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de síndrome de diamante Bodian Shwachman (LOC607017); ARNm	XM 843 5 39	SBDS	síndrome de diamante Bodian Shwachman
Cfa Affx. 16922.1. S1 en	8.76E-04	1.13E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de síndrome de diamante Bodian Shwachman (LOC607017); ARNm	XM 843 5 39	SBDS	síndrome de diamante Bodian Shwachman
Cfa Affx. 12131.1. S1 s en	3.27E-04	9.28E-03	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a sno; homólogo 1 de muesca de fresa; (variante transcrita 1 (LOC477451); ARNm	XM 534 6 49	SABN O1	homólogo 1 de muesca de fresa;
Cfa. 18687.1. S1 en	3.64E-03	1.61E-01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteína 5 asociada a la membrana portadora de secretor (proteína 5 membrana portadora de secretor); variante transcrita 2; (LOC478371); ARNm	XM 862 0 73	SCA MP5	Proteína 5 membrana portadora de secretor
Cfa Affx. 17216.1. S1 s en	1.69E-02	2.91E-02	1.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad alfa proteína tipo III del canal de sodio (subunidad alfa Nav1.3 de los canales de sodio operadas con voltaje) (proteína del canal de sodio; subunidad alfa cerebro III) subunidad III de los canales de sodio operadas con voltaje); variante transcrita 6 (LOC478772); ARNm	XM 852 8 24	SCN3 A	subunidad III alfa de los canales de sodio operadas con voltaje

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 362.1.A1 en	2.57E-02	3.56E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a deficiencia de citocromo oxidasa homólogo 1 (LOC489505); ARNm	XM 546 6 24	SCO1	SCO deficiencia de citocromo oxidasa homólogo 1 (levadura)
Cfa. 21262.1. S1 en	1.05E-02	2.34E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína corta de alambre enrollado; variante transcripta 1 (LOC606862); ARNm	XM 843 2 74	SCO C	proteína corta de alambre enrollados
Cfa. 391.1. S1 en	1.06E-03	1.19E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SCY1-similar 2; variante transcripta 1 (LOC482622); ARNm	XM 539 7 39	SCYL 2	2 similar a SCY1 (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 6509.1. S1 s en	3.30E-02	4.05E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 3 sintenina; variante transcripta 1 (LOC482977); ARNm	XM 540 0 90	SDC BP	Proteína de unión sindecán (sintenina)
Cfa. 10434.1.A1 en	1.44E-03	1.25E-02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor del factor 2 derivado de célula estromal (SDF-2); variante transcripta 1 (LOC480626); ARNm	XM 537 7 46	SDF2	factor 2 derivado de célula estromal
Cfa Affx. 28636.1. S1 s en	1.12E-03	1.20E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor del factor 2 derivado de célula estromal (SDF-2); variante transcripta 1 (LOC480626); ARNm	XM 537 7 46	SDF2	factor 2 derivado de célula estromal
Cfa. 8688.1.A1 en	2.35E-03	1.40E-02	0.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor proteína 1 similar al factor 2 derivado de célula estromal (proteína 1 similar a 2 SDF-) (PWP1 proteína 8 interactiva) (LOC608633); ARNm	XM 845 7 17	SDF2 L1	1 Similar al factor 2 derivado de célula estromal
Cfa. 8688.1.A1 s en	4.89E-03	1.75E-03	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor proteína 1 similar al factor 2 derivado de célula estromal (proteína 1 similar a SDF-2) (PWP1 proteína 8 interactiva) (LOC608633); ARNm	XM 845 7 17	SDF2 L1	1 similar al factor 2 derivado de célula estromal

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 23546.1. S1 en	1.85E-03	1.31E-02	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor proteína 1 del factor 2-similar derivado de célula estromal (proteína 1 similar a SDF-2) (PWP1 proteína 8 interactiva) (LOC608633); ARNm	XM 845 7 17	SDF2 L1	factor 2-similar1 derivado de célula estromal
Cfa. 18281.1. S1 en	4.59E-02	4.86E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad de flavoproteína de succinato deshidrogenasa (ubiquinona); precursor mitocondrial (Fp) (complejo II subunidad de flavoproteína); variante de transcripta 6 (LOC478634); ARNm	XM 851 8 44	SDH A	Complejo deshidrogenasa de succinato, flavoproteína subunidad A (Fp)
Cfa Afx. 24257.1. S1 s en	7.29E-04	1.08E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de hierro-azufre succinato deshidrogenasa (ubiquinona); precursor mitocondrial (IP) (complejo II subunidad de hierro-azufre); variante transcripta 1; (LOC478217); ARNm	XM 535 3 92	SDH B	Complejo de succinato deshidrogenasa, subunidad B; hierro azufre (Ip)
Cfa Afx. 3371.1. S1 s en	5.52E.04	1.02E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de hierro-azufre succinato deshidrogenasa (ubiquinona); precursor mitocondrial (IP) (complejo II subunidad de hierro-azufre); (LOC608210); ARNm	XM 845 1 69	SDH B	Complejo de succinato deshidrogenasa, subunidad B; hierro azufre (Ip)
Cfa Afx. 16788.1. S1 en	1.88E-03	1.32E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a proteína para trafico vesicular SEC22 (LOC475816); ARNm	XM 533 0 25	SEC2 2B	Proteína para trafico vesicular SEC22 homóloga B (S. cerevisiae)
Cfa Afx. 16788.1. S1 s en	3.05E-03	1.51E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a proteína para trafico vesicular SEC22 (LOC475816); ARNm	XM 533 0 25	SEC2 2B	Proteína para trafico vesicular SEC22 homóloga B (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 319.1.A1 en	6.51E-03	1.93E-02	0.76	Pongo abelii ARNm, ADNc DKFZp469DO613 (origen clon DKFZp469DO613)	CR 859 634	SEC2 3IP	Proteína interactiva SEC23
Cfa. 585.1. S1 s en	2.04E-02	3.17E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína Sec24B transportando proteína (SEC24 relaciona a proteína B) (LOC487898); ARNm	XM 545 0 21	SEC2 4B	Gen familiar relacionado a SEC24, miembro B (S cerevisiae)
Cfa Affx. 3895.1.A1 s en	5.79E-04	1.03E-02	0.71	Canis familiaris subunidad beta ARNm complejo de translocación de proteína; Cds. Completos	L25 052	Sec6 1b	Subunidad beta Sec61
Cfa Affx. 6574.1. S1 s en	1.63E-04	9.00E-03	0.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SEC63 translocación homóloga (LOC475016); ARNm	XM 532 2 52	SEC6 3	SEC63 homólogo (S cerevisiae)
Cfa. 18769.1. S1 s en	7.15E-03	1.99E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a sel-1 supresor de lin-12-similar (LOC480409); ARNm	XM 537 5 30	SEL1 L	sel-1 supresor de lin-12-similar (S cerevisiae)
Cfa. 4366.2.A1 en	8.32E-04	1.11E-02	0.68	Canis lupus familiaris selenoproteína K (SELK); ARNm	NM 001 1 148 78	SELK	Selenoproteína K
CfaAffx,955.1. S1 s en	3.85E-04	9.61E-03	0.66	Canis lupus familiaris selenoproteína K (SELK); ARNm	NM 001 1 148 78	SELK	Selenoproteína K
Cfa Affx. 4164.1. S1 s en	2.32E-03	1,39E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a semaforina 4D (LOC476350); ARNm	XM 533 5 51	SEM A4D	Dominio sema, dominio inmunoglobulina (Ig), dominio transmembrana (TM) y dominio corto citoplasmática (semaforina 4D)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 20279.1. S1 en	7.72E-04	1.10E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a SUMO1/sentrina proteasa 5 específica (LOC488033); ARNm	XM 545 1 56	SENP 5	SUMO1/sentrina peptidasa específica
Cfa Affx. 8046.1. S1 en	1.90E-05	7.75E-03	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintetasa selenofosfato, variante transcrita 1 (LOC477999); ARNm	XM 535 1 83	SEPH S1	sintetasa selenofosfato 1
Cfa. 408.1.A1 en	3.46E-04	9.40E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintetasa selenofosfato, variante transcrita 1 (LOC477999); ARNm	XM 852 3 72	SEPH S1	sintetasa selenofosfato 1
Cfa. 1706.1.A1 en	3.51E-03	1.59E-02	0.74	Canis lupus familiaris selenofosfato sintetasa 2 (SEPHS2); ARNm	NM 001 1 147 36	SEPH S2	selenofosfato sintetasa 2
Cfa. 4458.1.A1 en	1.75E-03	1.30E-02	0.76	Homo sapiens ARNm para proteína KIAA1253; cds. parcial	AB0 330 79	SERI NC1	Serina incorporador 1
Cfa. 14118.2.A1 s en	3.70E-04	9.61E-03	0.7	PREDICHO: canis familiaris similar a tumor 2 expresado diferencialmente; variante transcrita 2 (LOC476277); ARNm	XM 858 6 63	SERI NC1	Serina incorporado 1
Cfa Affx. 2388.1. S1 s en	1.55E-03	1.26E-02	0.71	PREDICHO: canis familiaris similar a tumor 2 expresado diferencialmente; variante transcrita 5 (LOC476277); ARNm	XM 858 7 32	SERI NC1	Serina incorporado 1
Cfa. 6665.1.A1 s en	7.92E-03	2.08E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a: factor de empalme 38 subunidad 2 (esplíceosoma asociado 145)(SAP 145) (SF3b150) (pre-ARNm factor de empalme SF3b subunidad 145kDa); variante transcrita 7 (LOC476015), ARNm	XM 860 9 84	SF3B 2	Factor de empalme 3b, subunidad 2. 145kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 12208.1.A1 en	4.62E-03	1.72E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a SF3b10 (LOC611736); ARNm	XM 849 4 42	SF3B 5	Factor de empalme 3b, subunidad 5, 10kDa
Cfa Afx. 1424.1. S1 s en	3.72E-04	9.61E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a SF3b10 (LOC611736); ARNm	XM 849 4 42	SF3B 5	Factor de empalme 3b, subunidad 5, 10kDa
Cfa. 21121.1. S1 en	7.58E-05	8.57E-03	0.73	Familiaris similar a factor de empalme arginina/rica en serina 1 (AFS/SF2); Variante transcripta 1 (LOC609693);m ARN	XM 847 9 64	SFRS 1	Factor de empalme, arginina/rico en serina1
Cfa. 20238.1. S1 en	9.95E-03	2.30E-02	0.74	Familiaris similar a factor de empalme arginina/rica en serina 1 (AFS/SF2); Variante transcripta 1 (LOC609693);m ARN	XM 861 7 05	SFRS 1	Factor de empalme, arginina/rico en serina1
Cfa. 21298.1. S1 s en	1.39E-03	1.24E-02	0.74	PREDICHO: canis familiaris similar a factor de empalme; arginina/rico en serina 10 (transformador 2 homólogo Drosophila)(LOC478663)	XM 535 8 33	SFRS 10	factor de empalme; arginina/rico en serina 10 (transformador 2 homólogo Drosophila)
Cfa. 4472.1. S1 en	1.60E-03	1.27E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a: factor de empalme; arginina/rico en serina 10 (transformador 2 homólogo Drosophila) (LOC478663); ARNm	XM 535 8 33	SFRS 10	factor de empalme; arginina/rico en serina 10 (transformado2 homólogo Drosophila) (LOC478663); ARNm
Cfa. 4472.1. S1 s en	1.56E-03	1.26E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a: factor de empalme; arginina/rico en serina 10 (transformador 2 homólogo Drosophila) (LOC478663); ARNm	XM 535 8 33	SFRS 10	factor de empalme; arginina/rico en serina 10 (transformado 2 homólogo Drosophila) (LOC478663); ARNm
Cfa. 9497.1.A1 en	9.96E-03	2.30E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a: factor de empalme; arginina/rico en serina 11; variante transcripta 4 (LOC490216); ARNm	XM 862 8 55	SFRS 11	factor de empalme; arginina/rico en serina 11

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 15354.1. S1 s en	1.82E-02	3.01E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris hipotético LOC475005; variante transcripta 14 (LOC475005)	XM 863 0 95	SFRS 18	Factor de empalme, arginina/rico en serina 18
Cfa Affx. 8658.1. S1 s en	3.31E-04	9.28E-03	0.67	PREDICHO: CANIS familiaris similar a: factor de empalme arginina/rico en serina-2 (factor de empalme SC35)(SC35) (componente de empalme 35 kDa); variante transcripta (LOC612817); ARNm	XM 843 8 96	SFRS 2	Factor de empalme, arginina/rico en serina -2
Cfa. 10605,1,S1 en	7.69E-04	1.10E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a: factor de empalme, arginina/rico en serina 2 (factor de empalme SC35) (SC35) (componente del empalme 35 kDa; variante transcripta 2 (LOC612817); ARNm	XM 852 6 79	SFRS 2	Factor de empalme, arginina/rica en serina 2
Cfa. 2367.1.A1 en	2.93E-03	1.50E-02	0.73	Homo sapiens factor de empalme; arginina/rica en serina 2; interacción de proteínas (SFRS2IP); ARNm	XM 004 7 19	SFRS 21 P	factor de empalme; arginina/rica en serina 2; interacción de proteínas
Cfa. 246.1. S1 s en	1.27E-04	8.90E-03	0.69	PREDICHO: Canis familiaris factor de empalme (SRP20); ARNm	XM 532 1 24	SFRS 3	factor de empalme; arginina/rica en serina 3
Cfa Affx. 3002.1. S1 en	9.01E-04	1.15E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris factor de empalme (SRP20); ARNm	XM 532 1 24	SFRS 3	factor de empalme; arginina/rica en serina 3
Caf.12115.3.A1 s en	6.79E-03	1.96E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris es similar a: Factor de empalme derecho 5 arginina/serina. (pre ARNm factor de empalme SRP40) (Insulina- Proteína CI-4 induce la respuesta al crecimiento) (proteína temprana retardada HRS) Variante transcripta 5 (LOC490754); ARNm	XM 862 0 00	SFRS 5	Factor de empalme derecho 5 arginina/serina.

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Caf.11128.2.A1 s en	1.13E-02	2.41E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a: Factor de empalme derecho 7 arginina/serina. (LOC475730); ARNm	XM 532 9 39	SFRS 7	Factor de empalme derecho 7 arginina/serina. 35KDa
Caf Affx. 10413.1. S1 s en	1.49E-02	2.74E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a: precursor Sarcoglicano – Alfa (Alfa-SG) (Adhafin) (50 kDa distrofina asociado a glicoproteína) (50DAG) (Distroglicano 2)(LOC609265);ARNm	XM 532 9 39	SFRS 7	Sarcoglicano- Alfa (distrofina asociado a glicoproteína)
Caf Affx. 26023.1. S1 en	8.31E-03	2.13E-02	1.31	Canis lupus familiaris: Sarcoglicano gamma(35kDa distrofina asociada a glicoproteína) (SGCG); ARNm	XM 846 4 94	SGC A	Sarcoglicano gamma(35kDa distrofina asociada a glicoproteína)
Caf.6416.1.A1 en	8.88E-05	8.90E-03	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a: SH3 unión proteína 5. (SH3 unido a proteína que preferiblemente se asocia con BTK) (LOC485657); ARNm	XM 001 0 142 76	SGC G	SH3 unido a proteína que preferiblemente se asocia con BTK
Caf.2341.1.A1 en	1.02E-02	2.32E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a: SH3 unión proteína 5. (SH3 unido a proteína que preferiblemente se asocia con BTK) (LOC485657); ARNm	XM 542 7 77	SH3B P5	SH3 unido a proteína que preferiblemente se asocia con BTK
Caf Affx. 4160.1. S1 s en	1.61E-02	2.84E-02	0.75	Familiaris similar a: 26 complejo del proteosoma subunidad DSS1 (Mano dividida /pie dividido. Eliminado proteína 1) (mano/pie dividida eliminar homólogo proteína 1); variante transcripta 1 (LOC608719) ARNm	XM 845 2 85	AHF M1	Malformación en la división mano/pie. (Ectrodactilia tipo 1)
Caf.21077.1. S1 s en	2.92E-03	1.50E-02	0.77	Familiaris similar a: ricos en leucina repeticiones proteína SHOC-2 (Ras-vinculante proteína Sur-8;variante transcripta (LOC477819); ARNm	XM 859 5 10	SHO C2	Shoc2 supresor de homólogo claro (C.elegans)
Cfa. 2346.1.A1 a en	2,66E-03	1.45E-02	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar al viralicídico súper asesino actividad 2 similar a 2; transcripción variante 1 (LOC607950); ARNm	XM 844 5 83	SKIV 2L2	Viralicídico Súper asesino actividad 2-similar- (S. Cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 14639 .1S1 en	1,32E-02	2,59E-02	0,76	Canis lupus Familiaris familia de transportadores de soluto (transportadores protones-acoplados de ion de metal divalentes); miembro 1 (SLC11A1); ARNm	NM 001 0 138 51	SLC1 1A 1	Familia transportadora de soluto 11 (transportadores protones-acoplados de ion de metal divalentes); miembro 1
Cfaaffx.18 85.1. S1 s en	2,04E-02	3,17E-02	0,75	PREDICHO: Canis Familiaris similar a familia 12 transportadora de soluto; miembro 2 (Bunetadina-sensible al sodio-(potasio)-cotransportador de cloruro 1) (Basolateral Na-k-Cl s importador) (LOC481490); ARNm	XM 538 6 11	SLC1 2A 2	Familia transportadora de soluto 12 (Transportador Sodio-potasio-cloro) miembro 2
Cfa Affx. 12 315.1. S1 s en	1,57E-03	1,26E-02	0,72	PREDICHO: canis familiaris similar al transportador de soluto familiar 25; miembro 36 (LOC477095); ARNm	XM 534 2 89	SLC2 5A 36	Familia transportadora de soluto 25; miembro 36
Cfa Affx. 14 394.1. S1 s en	2,47E-02	3,48E-02	0,77	PREDICHO: Canis Familiaris similar al transportador de soluto mitocondrial proteína; variante 5 de transcripción (LOC486115); ARNm	XM 853 7 61	SLC2 5A 37	Familia transportadora de soluto 25. miembro 37
Cfa. 2658.1 .S1 en	5,48E-04	1,02E-02	0,74	PREDICHO: Canis Familiaris similar a CG8931-PA (LOC488876); ARNm	XM 545 9 93	SLC2 5A 46	Familia transportadora de soluto 25. miembro 46
Cfa. 1352.1 .S1 s en	9,84E-04	1,16E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar al transportador de soluto 25; miembro 5 variante transcripta 1 (LOC492093); ARNm	XM 549 2 15	SLC2 5A 5	Familia transportadora de soluto 25. transportador mitocondrial; translocador de nucleótidos de adenina miembro 5
Cfa. 13227 1.A1 s en	2,22E-02	3,31E-02	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar a Acil-CA sintetasa de cadena muy larga (ácido raso CoA ligasa de cadena muy larga); variante transcripta 2 (LOC478298); ARNm	XM 857 1 61	SLC2 7A 2	Familia transportadora de soluto 27 (Transportador de ácidos grasos) miembro 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 593.1. A1 en	1,70E-03	1,29E-02	0,67	PREDICHO: Pan troglodytes transportador de Acetilo-coenzima A (SLC33A1); ARNm	XM 516 8 31	SLC3 3A 1	Familia transportadora de soluto 33 (transportador de acetilo-CoA). miembro 1
Cfa Affx. 25 900.1. S1 a t	7,27E-04	1,08E-02	0,62	PREDICHO: Canis Familiaris Similar al transportador de soluto familia 35; miembro B1; transcripción variante 5 (LOC480549); ARNm	XM 860 0 61	SLC3 5B 1	Familia transportadora de soluto 35, miembro B1
Cfa. 17007. 1.SA en	5,28E-03	1,80E-02	0,76	PREDICHO: Canis Familiaris Similar al transportador de soluto familia 35; miembro C2; transcripción variante 4 (LOC609863); ARNm	XM 861 6 05	SLC3 5C 2	Familia transportadora de soluto 35, miembro C2
Cfa. 9951.1 1A1 en	1,83E-03	1,31E-02	0,73	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp68H1697 (Clon origen DKFZp686H1697)	BX6 475 47	SLC3 8A 1	Familia transportadora de soluto 38, miembro 1
Cfa Affx. 16 816.1S1 a t	3,51E-04	9,49E-03	1,32	PREDICHO: Canis familiaris similar al sistema N transportador de amino ácido 1 (SN1) (Sistema-N transportador de amino ácido 1) (Familia transportadora de soluto 38; miembro 3) (LOC476617); ARNm	XM 533 8 20	SLC3 8A3	Familia transportadora de soluto 38, miembro 3
Cfa. 16809 1. S1 en	2,19E-03	1,37E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar al transportador de soluto familia 41; miembro 2 (LOC481298); ARNm	XM 538 4 19	SLC4 1A 2	Familia transportadora de soluto 41, miembro 2
Cfa. 16809. 1S1 s en	1,06E-03	1,19E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar al transportador de soluto familia 41; miembro 2 (LOC481298); ARNm	XM 538 4 19	SLC4 1A2	Familia transportadora de soluto 41, miembro 2
Cfa Affx. 10961.1. S1 a t	6,74E-03	1,95E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a Y4C6B.5 (LOC477324); ARNm	XM 534 5 17	SLC4 6A 3	Familia transportadora de soluto 46, miembro 3

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 65 23.1. S1 en	3,10E-03	1,53E-02	1,31	PREDICHO: Canis familiaris similar a huérfano de sodio y transportador del neurotransmisor de cloruro dependiente NTT5 (transportador de soluto familia 6 miembro 16) (LOC484383); ARNm	XM 541 4 98	SLC6 A1 6	Familia transportadora de soluto 6, miembro 16
Cfa Affx. 12 404.1. S1 s en	8,95E-03	2,20E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína asociada a la sarcolema, variante transcripta 17 (LOC476577); ARNm	XM 852 5 70	SLMA P	Proteína asociada a la sarcolema
Cfa. 660.2. A1 s en	3,73E-03	1,62E-02	0,72	canis familiaris similar al modulador de estrógeno inducido transcripción isoforma a; variante transcripta 11 (LOC478322); ARNm	XM 859 1 68	SLTM	Similar a SAFB-modulador de transcripción
Cfa. 15466 1. S1 s en	6,18E-03	1.89-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar al paso II factor de empalme SLU7 (LOC479308); ARNm	XM 536 4 46	SLU7	SLU7 actor de empalme homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 936.1. S1 en	1,27E-02	2,54E-02	0,73	PREDICHO: Pan troglodytes SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina a5, variante transcripta 5 9SMARCA5); ARNm	XM 517 4 59	SMA RC A5	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia a. miembro 5
Cfa Affx. 12 160.1. S1 s en	2,27E-02	3,33E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a SWI/SNF conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia A. miembro 5 (SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina A5) (sacarosa no fermentadora homóloga de proteína 2) (hSNF2H)...; variante transcripta 1 (LOC475451); ARNm	XM 532 6 76	SMA RC A5	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia a. miembro 5

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9379.1 .S1 en	5,31E-03	1,80E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a SWI/SNF conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina, subfamilia b. miembro 1, variante transcripta 7 (LOC486407); ARNm	XM 852 2 98	SMA RC B1	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia b. miembro 1
Cfa. 5396.1 .A1 s en	1,59E-02	2,82E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia e. miembro 1; variante transcripta 1 (LOC608250) ARNm	XM 537 6 45	SMA RC E1	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia e. miembro 1
Cfa. 20347 1 S1 s en	5,15E-03	1,79E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia e. miembro 1; variante transcripta 2 (LOC608250); ARNm	XM 845 9 17	SMA RC E1	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia e. miembro 1
Cfa. 8883.1 A1 en	3,53E-02	4,21E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similares a SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina, subfamilia e; miembro 1; variante transcripta 8 (LOC608250); ARNm	XM 857 9 12	SMA RC E1	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia e. miembro 1
Cfa Affx. 24 592.1. S1 en	5,77E-02	5,52E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similares a SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina, subfamilia e; miembro 1; variante transcripta 8 (LOC608250); ARNm	XM 857 9 12	SMA RC E1	SWI/SNF-conexo con la matriz asociada de actina-dependiente del regulador del cromatina subfamilia e. miembro 1
CfaAFFX.22 089.1. S1 s en	8,90E-03	2,19E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar al mantenimiento estructural de los cromosomas 4-similar 1 proteína (Cromosomas asociados a poli péptido C) (hCAP-C) (homólogo XCAP-C) variante transcripta 2 (LOC478679); ARNm	XM 856 4 36	SCM 4	mantenimiento estructural de cromosomas 4

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 1060.1 S1 en	7,01E-03	1,98E-02	0,68	PREDICHO: Canis familiaris similar al mantenimiento estructural de los cromosomas 4-similar 1 proteína (Cromosomas asociados a poli péptido C) (hCAP-C) (homólogo XCAP-C) variante transcripta 3 (LOC478679); ARNm	XM 856 4 65	SMC 4	mantenimiento estructural de cromosomas 4
Cfa Affx. 26 898.1. S1 a t	1,52E-02	2,76E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9351-PA; isoforma A; variante transcripta 2 (LOC612974); ARNm	XM 863 3 66	SME K1	SMEK homólogo 1. supresor de mek 1 (Dictyostelium)
Cfa. 15673. 1S1 en	1,95E-02	3,11E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a ácido esfingomielina similar a fosfodiesterasa 3A (LOC476279); ARNm	XM 533 4 85	SMP DL 3A	ácido esfingomielina similar a fosfodiesterasa 3A
Cfa Affx. 23 99.1. S1 s en	8,61E-03	2,17E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a ácido esfingomielina similar a fosfodiesterasa 3A (LOC476279); ARNm	XM 533 4 85	SMP DL 3A	ácido esfingomielina similar a fosfodiesterasa 3A
Cfa. 10128 1.A1 en	1,55E-04	9,00E-03	1,34	PREDICHO: Canis familiaris similar a alfa-sinucleína isoforma NACP140; variante transcripta 4 (LOC478478); ARNm	XM 855 8 49	SNC A	Sinucleína alfa (no componente A4 del precursor amiloide)
Cfa Affx. 16 521.1. S1 a t	4,15E-03	1,67E-02	0,77	familiaris similar a U2 pequeña ribo nucleoproteína nuclear A (u2 snRNP-A); variante transcripta 2 (LOC607102); ARNm	XM 843 8 30	SNR PA 1	pequeña ribo nucleoproteína nuclear polipéptido A'
Cfa. 6238.1 .A1 en	2,22E-03	1,37E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris pequeña ribo nucleoproteína nuclear D1 polipéptido (SNRPD1); ARNm	XM 537 6 02	SNR PD 1	pequeña ribo nucleoproteína nuclear D1 polipéptido 16kDa
Cfa. 6238.1 .A1 s en	1,99E-02	3,14E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris pequeña ribo nucleoproteína nuclear D1 polipéptido (SNRPD1); ARNm	XM 537 3 02	SNR PD 1	pequeña ribo nucleoproteína nuclear D1 polipéptido 16kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 27936.1. S1 a t	1,45E-02	2,71E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris pequeña ribo nucleoproteína nuclear D1 polipéptido (SNRPD1); ARNm	XM 537 3 02	SNR PD 1	pequeña ribo nucleoproteína nuclear D1 polipéptido 16kDa
Cfa. 11354. 1.A1 S en	1,28E-03	1,23E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris pequeña ribo nucleoproteína nuclear D3 (LOC607772); ARNm	XM 844 5 67	SNR PD 3	pequeña ribo nucleoproteína nuclear D3 polipéptido 18kDa
Cfa. 6533.1 .A1 en	6,13E-03	1,88E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris pequeña ribo nucleoproteína nuclear E (LOC478934); ARNm	XM 536 0 93	SNR PE	pequeña ribo nucleoproteína nuclear polipéptido E
Cfa Affx. 26 374.1. S1 s en	6,6SE-03	1,94E-02	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína nuclear SKIP (Ski-proteína interactiva) (receptor nuclear coactivador NCoA52); variante transcripta 8 (LOC480405)ARNm	XM 863 2 28	SNW 1	SNW dominio que contiene 1
Cfa. 1431.1 .S1 en	7,47E-03	2,03E-02	0,77	PREDICHO: canis familiaris similar a clasificación nexina-10 ARNm (ADNc clon MGC:139527 Imagen:8279999); Cds completos	BC1 225 86	SNX1 0	clasificación nexina 10
Cfa Affx. 52 76.1. S1 s en	1,07E-02	2,36E-02	0,76	PREDICHO: canis familiaris similar a clasificación nexina-10 (LOC475261); ARNm	XM 532 4 96	SNX 10	clasificación nexina 10
Cfa. 2011.1 S1 s en	3,77E-03	1,62E-02	0,74	PREDICHO: canis familiaris similar a clasificación nexina-14 (LOC474985); ARNm	XM 532 2 22	SNX 14	clasificación nexina 14
Cfa. 19551. 1. S1 en	1,30E-02	2,57E-02	0,72	Homo sapiens clasificación nexina 18 (SNX18); variación de transcripción 1; ARNm	NM 001 1 025 75	SNX1 8	clasificación nexina 18

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 65 6.1. S1 en	1,62E-03	1,27E-02	1,31	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación nexina -2; variante transcripta 1 (LOC474657); ARNm	XM 531 8 86	SNX2	clasificación nexina 2
Cfa Affx. 55 34.1. S1 en	1,06E+00	2,35E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación nexina 7; previsto (LOC481672); ARNm	XM 538 7 94	SNX3 0	clasificación nexina miembro familiar 30
Cfa Affx. 91 50.1S1 s en	1,26E-03	1,23E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación nexina -5 (LOC485754); ARNm	XM 542 8 77	SNX5	clasificación nexina 5
Cfa. 10850 1.A1 s en	6,19E-03	1,89E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a inducción de citoquina SH2-conteniendo proteína 5 (supresor de señalización de citoquina 5) (SOCS-5) (inducción-citoquina SH2 proteína 6) (CIS-6) (LOC47451); ARNm	XM 531 8 10	SOC S5	Supresor de la señalización de citoquinas 5
Cfa. 16439. a.A1 en	7,07E-03	1,99E-02	0,73	Homo Sapiens supresor de señalización de citoquina 6 (SOCS6); ARNm	NM 004 2 32	COS C6	Supresor de la señalización de citoquinas 6
Cfa Affx. 14 399.1. S1 s en	6,60E-03	1,94E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a SON DNA proteínas de unión isoforma A; variante transcripta 13 (LOC478406); ARNm	XM 852 0 50	SON	SON DNA proteínas de unión
Cfa. 10358. 2.S1 s en	1,21E-02	2,48E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a SON DNA proteínas de unión isoforma A; variante transcripta 14 (LOC478406); ARNm	XM 852 0 93	SON	SON DNA proteínas de unión
Cfa Affx. 95 41.1. S1 s en	6,25E-03	1,89E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a espástica isoforma 1; variante transcripta 2 (LOC608592); ARNm	XM 857 7 38	SPAS T	espástica

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10316 1.A1 en	1,55E-02	2,79E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a espermatogénesis asociada; rica en serina 2; variante transcripta 1 (LOC477617); ARNm	XM 534 8 11	SPAT S2	espermatogénesis asociada rica en serina 2
Cfa Affx. 26 814.1. S1 a t	1,10E-02	2,39E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a eje del cuerpo componente 24 homólogo (LOC611174); ARNm	XM 848 8 18	SPC 24	SPC24; NDC80 componente complejo de cinetocoro homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 1257.1 A1 s en	2,77E-03	1,48E-02	0,72	Canis familiaris señal peptidasa de complejo 25 kDa subunidad (SPC25) ARNm; Cds completos	U12 687	SPCS 2	señal peptidasa de complejo subunidad 2 homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 3875.1 .A1 en	3,86E-03	1,63E-02	0,73	Señal peptidasa microsomal de perro (SPC22/23) ARNm; Cds completos	J04 067	SPCS 3	señal peptidasa de complejo subunidad 3 homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 6937.1 .A1 en	8,59E-03	2,16E-02	0,69	PREDICHO: Canis familiaris similar a SPRY dominio contiene SOCS caja de proteínas SSB-2 (LOC477710); ARNm	XM 534 9 03	SPSB 2	receptor de splA/ Rianodina dominante y caja SOCS conteniendo 2
Cfa. 1204.2 S1 en	1,33E-03	1,23E-02	0,59	PREDICHO: Canis familiaris beta-espectrina; variante transcripta 7 (LOC403743); ARNm	XM 860 1 39	SPT MN1	espectrina, beta, no-eritrocítica 1
Cfa. 13084. 1 A.A1 a en	1,49E-02	2,74E-02	0,74	PREVISTO troglodytes SLIT-ROBO Rho Gtpasa activando proteína 2; variante transcripta 6 (SRGAP2); ARNm	XM 001 1 639 67	SRG AP 2	SLIT-ROBO RhoPasa activando proteína 2
Cfa Affx. 20 628.1. S1 s en	1,45E-03	1,25E-02	0,71	ARNm canino para reconocimiento de señal de la partícula de proteína 54k	X16 318	SRP5 4	detecta señal de partícula 54kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 14 631.1. S1 s en	3,19E-03	1,54E-02	0,75	Canis familiaris ARNm para partículas empalme del factor SRp55-1 (gen srp55-1)	AJ3 885 40	SRP5 5-1	factor de empalme SRp55-1
Cfa Affx. 24 803.1. S1 s en	9,40E-03	2,24E-02	0,75	PREVISTO : Canis familiaris similar a para reconocimiento de señal de la partícula 9kDa de proteína (SPR) (LOC611923); ARNm	XM 849 6 46	SRP9	detecta señal de partícula 9kDa
Cfa Affx. 19 397.1. S1 a t	3,38E-02	4,10E-02	1,39	receptor serpentina clase X miembro de la familia (srx-12) (srz-12) ARNm; Cds completos	NM 074 5 60	srx- 12	Receptor serpentina clase Z
Cfa Affx. 27 783.1. S1 a t	7,38E-03	2,02E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a SYT; variante transcripta 1 (SS18); ARNm	XM 537 2 95	SS18	translocación cromosoma sarcoma sinovial 18
Cfa Affx. 88 71.1. S1 en	1,09E-04	8,90E-03	0,67	PREDICHO: Canis familiaris similar a translocación gen en cromosoma sarcoma sinovial 18-similar 2 (LOC609586); ARNm	XM 846 8 73	SS18 L2	translocación gen en cromosoma sarcoma sinovial 18-similar 2
Cfa Affx. 19 266.1. S1 a t	1,98E-03	1,34E-02	0,76	PREDICHO: canis familiaris similar al antígeno LA (LOC478787); ARNm	XM 535 9 52	SSB	síndrome Sjogren antígeno B (auto antígeno La)
Cfa Affx. 29 787.1. S1 s en	2,04E-03	1.3SE-02	0,74	PREDICHO: canis familiaris similar al síndrome Sjogrens antígeno nuclear 1 (LOC480666); ARNm	XM 537 7 85	SSNA 1	síndrome Sjogren auto antígeno nuclear 1
Cfa. 2734.1 .S1 s en	1,07E-02	2,36E-02	0,75	Perro ARNm para señal de receptor de secuencia de subunidad beta (TRAP-complejo subunidad beta)	X53 529	SSR2	Receptor de señal de secuencia, beta (translocon-asociado a proteína beta)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 6211.1 A1 s en	6,30E-04	1,05E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a translocon-asociado a proteína, subunidad beta precursor (TRAP-delta) (Receptor de señal subunidad de secuencia) (SSR-delta); variante transcripta 3 (LOC481082); ARNm	XM 862 2 73 SS RA	SSR4	Receptor de señal de secuencia, beta (translocon-asociado a proteína beta)
Cfa. 635.1 A2 en	1,57E-03	1,26E-02	0,77	PREDICHO: canis familiaris similar a reconocimiento de estructura especifica proteína 1; variante transcripta 1 (LOC475970); ARNm	XM 533 1 77	SSRP 1	reconocimiento de estructura especifica proteína 1
Cfa. 10782. 1.A1 en	5,70E-03	1,84E-02	0,74	Homo Sapiens envejecimiento asociado a la proteína 14a ARNm; Cds completos	AT8 268 24	ST13	supresión de tumorigenicidad 13 (colon carcinoma) (Hsp70 proteína interactiva)
Cfa. 10575. 1.A1 en	4,76E-04	9,98E-03	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a lactosilceramida alfa 2; 3-sialittransferasa (CMP NeuAc: lactosilceramida alfa -2; 3-sialittransferasa) (Gangliósido GM3 sintasa) (ST3Fal V) (sialittransferasa 9) (LOC612022); ARNm	XM 849 7 49	ST3G AL 5	ST3 beta-galactosido alfa-2, 3 sialittransferasa 5
Cfa. 15365. 1A1 en	5,24E-04	1,01E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a lactosilceramida alfa 2; 3-sialittransferasa (CMP NeuAc: lactosilceramida alfa -2; 3-sialittransferasa) (Gangliósido GM3 sintasa) (ST3Gal V) (sialittransferasa 9) (LOC612022); ARNm	XM 849 7 49	ST3G AL 5	ST3 beta-galactósido alfa-2, 3 sialittransferasa 5
Cfa. 18897 1. S1 s en	1,46E-03	1,25E-02	0,72	PREDICHO: Similar a antígeno estromal 2; variante transcripta 7 (LOC492111); ARNm	XM 859 8 56	STAG 2	antígeno estromal 2
Cfa Affx. 28 426.1S1 a t	1,38E-02	2,65E-02	0,72	PREDICHO: Similar a antígeno estromal 2; variante transcripta 11 (LOC492111); ARNm	XM 859 9 49	STAG 2	antígeno estromal 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9061 1 .S1 en	4,54E-04	9,86E-03	0,75	PREDICHO: Canis familiaris Similar a MLN64 terminal N homólogo; variante transcripta 1 (LOC483257); ARNm	XM 540 3 76	STAR D3 NL	STARD3 similar a terminal N
Cfa. 12403 1.A1 a en	1,47E-03	1,25E-02	0,67	PREDICHO: canis familiaris similar a START dominio que contiene 4; regulación de esterol (LOC479141); ARNm	XM 536 2 87	STAR D4	STAR- relacionado a transferencia de lípido (START) dominio que contiene 4
Cfa Affx. 23 894.1. S1 a t	1,65E-03	1,73E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a señal de transductor y activador de transcripción 5B; variante transcripta 4 (LOC490969); ARNm	XM 854 9 98	STAT 5B	Señal de transductor y activador de transcripción 5B
Cfa. 578.1 S1 en	7,23E-03	2,00E-02	0,73	PREDICHO: Pan troglodytes staufer; homólogo 2; variante transcripta 7 (STAU2); ARNm	XM 001 1 655 98	STAU 2	staufer, RNA proteína de unión homóloga 2 (Drosophila)
Cfa Affx. 98 83.1. S1 en	3,88E-03	1,63E-02	0,67	PREDICHO: Pan troglodytes striatin; proteína de unión a calmodulina; variante transcripta 2 (STRN); ARNm	XM 001 1 661 28	STRN	striatin, proteína de unión calmodulina
Cfa. 108585 1. S1 en	4,81E-03	1,75E-02	0,74	PREDICHO: canis familiaris similar a oligosacaryltransferasa STT3 Subunidad homóloga (B5) (proteína integral de proteína 1); variante transcripta 1 (LOC489300); ARNm	XM 546 4 18	STT3 A	STT3, subunidad de complejo de oligosacaryltransferasa. Homólogo A (S cerevisiae)
Cfa Affx. 16 940.1. S1 s en	1,09E-02	2,38E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a oligosacaryl transferasa STT3 subunidad homóloga (85) (Membrana integral proteína 1); variante de transcripción 1 (LOC489300); ARNm	XM 546 4 18	STT3 A	STT3, subunidad del complejo de oligosacaryl transferasa. Homóloga A (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 90 75.1. S1 en	2,94E-04	9,25E-03	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fuente de inmunodominante MHC- péptidos asociados, variante transcripta 6 (LOC485628); ARNm	XM 856 6 94	STT3 A	STT3, subunidad del complejo de oligosacaryl transferasa. Homólogo B (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa19362. 1. S1 en	1,36E-03	1,23E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina 12 (LOC478168); ARNm	XM 535 3 42	STX1 2	sintaxina 12
Cfa Affx. 18 679.1. S1 a t	2,70E-03	1,46E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina 12 (LOC478168); ARNm	XM 535 3 42	STX1 2	sintaxina 12
CfaAffx.12 43.1. S1 en	1,51E-03	1,25E-02	0,64	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina -7 variante transcripta 4(LOC483987); ARNm	XM 854 0 52	STX7	sintaxina 7
Cfa. 1859.1 .S1 en	1,15E-03	1,21E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina -7; variante transcripta 5 (LOC483987); ARNm	XM 854 0 89	STX7	sintaxina 7
Cfa Affx. 12 43.1. S1 s en	8,64E-04	1,13E-02	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina -7; variante transcripta 5 (LOC483987); ARNm	XM 854 0 89	STX7	sintaxina 7
Cfa. 5080.1 S1 en	9,70E-03	2,27E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina 8; variante transcripta 1 (LOC479499); ARNm	XM 536 6 38	STX8	sintaxina 8
Cfa Affx. 14 86.1. S1 s en	3,24E-02	4,01E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a tomosina isoforma b (LOC476237); ARNm	XM 533 4 42	STXB P5	sintasina proteína de unión 5 (tomosina)
Cfa. 20191 1. S1 s en	2,01E-04	9,06E-03	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a succinil-CoA ligasa (ADP-Formando) cadena-beta; precursor mitocondrial (succinil-CoA sintetasa; cadena betaA) (scs-betaA) (ATP- succinil-CoA especifico subunidad sintetasa beta) (LOC485448); ARNm	XM 542 5 66	SUCL A2	succinil-CoA ligasa ADP-formando subunidad beta

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 76 25.1. S1 en	7,78E-04	1,10E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a succinil-CoA ligasa (ADP-Formando) cadena-beta; precursor mitocronial (succinil-CoA sintetasa; cadena betaA) (scs-betaA) (ATP- succinil-CoA especifico subunidad sintetasa beta) (LOC485448); ARNm	XM 542 5 66	SUCL A2	succinil-CoA ligasa ADP-formando subunidad beta
Cfa. 16185. 1. S1 en	9,83E-03	2.29E--02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a succinil-CoA ligasa; formando GDP; Subunidad alfa (LOC475775); ARNm	XM 532 9 85	SUCL G 1	succinil-CoA ligasa ADP-formando subunidad beta
Cfa Affx. 10 899.1. S1 s en	4,30E-03	1,68E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a succinil-CoA ligasa (GDP-Formando) cadena-beta; precursor mitocronial (succinil-CoA sintetasa; cadena betaG) (scs-betaG) (GTP- succinil-CoA especifico subunidad sintetasa beta) (LOC476562); ARNm	XM 533 7 67	SUCL G 2	succinil-CoA ligasa ADP-formando subunidad beta
Cfa. 746.1 S1 s en	2,61E-03	1,44E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a SMT3 supresor de mif dos 3 homólogo 1 (LOC478874); ARNm	XM 536 0 34	SUM O1	SMT3 supresor de mif dos 3 homólogo 1 (S. cerevisiae)
Cfa. 20467 1. S1 s en	1,14E-02	2,42E-02	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar a iniciación de transcripción proteína SPT4 homólogo 2; variante transcripta 3 (LOC609757); ARNm	XM 861 8 91	SUPT 4H 1	supresor de Tv 4 homólogo 1 (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 17 055.1. S1 s en	6,34E-03	1,91E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a supresor de variación 4-20 homólogo 1 isoforma 2; variante transcripta 2 (LOC483690); ARNm	XM 846 4 31	SUV4 20 H1	supresor de variación 4-20 homólogo 1 (Drosophila)
Cfa Affx. 28 292.1. S1 a t	2,14E-03	1,36E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a unido a JAZF1 (LOC491158); ARNm	XM 548 2 78	SUZ1 2	supresor de zeste 12 homólogo (Drosophila)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20926. 1. S1 en	6,52E-03	1,93E-02	1,93E-02	PREDICHO: Bos taurus similar a policombinación de proteína SUZ12 (supresor de Zeste 12 proteína homóloga) (unido a proteína JAZF1) (cromatina precipitada E2F objetivo proteína 9) (Proteína ChET 9) (SUZ12); ARNm	XM 582 6 05	SEZ1 2	supresor de zeste 12 homólogo (Drosophila)
Cfa Affx. 19 115.1. S1 a t	2,57E-02	3,55E-02		PREDICHO: familiaris similar a complejo sinaptonémico proteína 2 (Proteína SCP-2) (complejo sinaptonémico elemento proteínico lateral) (hsSCP2) (LOC477278); ARNm	XM 534 4 70	SYCP 2	complejo sinaptonémico proteína 2
Cfa Affx. 19 980.1. S1 s en	1,55E-02	2,79E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a CCND6P1 isoforma interactor 1 (LOC478184); ARNm	XM 535 3 57	SYF2	SYF2 homólogo, RNA factor de unión (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 69 11.1. S1 en	1,10E-03	1,20E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a sinaptofisina isoforma b (LOC475889); ARNm	XM 533 0 96	SYPL 1	1 similar a sinaptofisina
Cfa. 6437.2 A1 s en	2,69E-03	1,46E-02	0,71	familiaris similar a transformando el ácido de doble espiral contenido en la proteína 1 isoforma corta, variante transcripta 2 (LOC475581) ARNm	XM 843 5 72	TACC 1	transformando el ácido de doble espiral contenido en la proteína 1
Cfa Affx. 23 924.1. S1 a t	7,99E-03	2,09E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris a SPT3-factor 42 asociado (LOC480090); ARNm	XM 537 2 13	TADA 1L	transcripcional adaptador 1 (HF11 homólogo, similar a levadura)
Cfa Affx. 97 4.1. S1 en	1,49E-02	2,74E-02	0,68	PREDICHO: Canis familiaris similar a caja de proteína de unión factor de asociación 2F (LOC487180); ARNm	XM 544 3 08	TAF7	TAF7 RNA polimerasa II, TATA caja de proteína de unión (TBP)- factor de asociación, 55kDa

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2349-1 S1 en	2,83E-02	3,73E-02	0,74	PREDICHO: Pan troglodytes T-célula linfocítica agudo de leucemia 1, variante transcripta 1 (TAL1); ARNm	XM001163354	TAL1	T-célula linfocítica agudo de leucemia 1
Cfa Affx. 15 620.1. S1 s en	1,99E-01	1,34E-02	0,74	PREDICHO: canis familiaris similar a TRAF proteína interactiva TANK isoforma a (LOC608092); ARNm	XM844996	TANK	TRAF asociado al miembro de la familia NFKB activador
Cfa. 20509. 1. S1 s en	3,82E-03	1,63E-02	0,7	PREDICHO: canis familiaris similar a TAO quinasa 3, variante transcripta 3 (LOC477502); ARNm	XM857480	TAOK3	TAO quinasa 3
Cfa Affx. 28 814.1. S1 s en	1,11E-03	1,20E-02	0,75	Bos taurus treonil-tRNA sintetasa ARNm (ADNc clon MGC:128147 imagen:7954199); Cds completos	BC103082	TARS	treonil-tRNA sintetasa
Cfa. 2825.1 A1 en	2,22E-02	3,31E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a treonil-tRNA sintetasa (LOC479370) ARNm	XM536509	TARS	treonil-tRNA sintetasa
Cfa. 18063. aS1 en	3,93E-02	4,46E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4552-PA, variante transcripta 2 (LOC478539); ARNm	XM843457	TBC1D23	TBC1 miembro de familia dominante 23
Cfa Affx. 14 611.1. S1 s en	4,37E-02	4,72E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4552-PA, variante transcripta 2 (LOC478539); ARNm	XM843457	TBC1D23	TBC1 miembro de familia dominante 23
Cfa. 3145.1 A1 en	1,76E-02	2,96E-02	0,73	PREDICHO: Equus caballus TBC1 familia dominante; miembro 9 (con dominio GRAM) (TBC1D9); ARNm	XM001501060	TBC1D9	TBC1 miembro de familia dominante 9

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 14 521.1. S1 s en	1,10E-03	1,20E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a cofactor de tubulina a (previsto) (LOC479173); ARNm	XM 536 3 15	TBCA	cofactor tubulina plegable A
Cfa. 11050. 1. S1 s en	2,43E-03	1,41E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción de elongación A (SII)1 (LOC477879); ARNm	XM 535 0 71	TCEA 1	factor de transcripción de elongación A (SII)1
Cfa. 21472. 2.S1 s en	3,88E-03	1,63E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción de elongación 1 (TATA caja de proteína de unión factor de asociación 2S) factor de transcripción CA150) (p144) (proteína formina plegable 28) (FBP 28)I variante transcrita 5 (LOC478052); ARNm	XM 853 7 24	TCER G 1	factor de transcripción de elongación 1
Cfa. 21472 1. S1 s en	9,76E-03	2,28E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción de elongación 1 (TATA caja de proteína de unión factor de asociación 2S) (factor de transcripción CA150) (p144) (proteína formina plegable 28) (FBP 28)I variante transcrita 8 (LOC478052); ARNm	XM 853 8 36	TCER G 1	factor de transcripción de elongación 1
Cfa. 19327. 1.A1 en	5,67E-03	1,84E-02	0,75	Homo sapiens ADNc FLJ37747 fisl clon BRHIP2022986	AK0 950 66	TCF4	factor de transcripción 4
Cfa. 2431.1 .S1 en	4,13E-03	1,67E-02	0,74	ADNc clon CS0DF023YK14 del feto cerebro de Homo Sapiens (humano)	CR 612 521	TCF4	factor de transcripción 4
Cfa. 3808.1 .S1 s en	5,51E-03	1,82E-02	0,77	perro ARNm para putativo transcripción del facto promotor tiroglobulina	X51 448	TCF4	factor de transcripción 4

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11351.1.A1 en	1,89E-02	2,06E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a célula T; inmune al regulador 1, variante transcripta 1 (LOC483691); ARNm	XM 540 8 12	TCIR G1	célula T inmune al regulador 1, Atpasa, H+ transportando, lisosomal V0 subunidad A3
Cfa. 21272 1.S1 s en	6,98E-04	1,07E-02	0,74	familiaris similar a T-complejo proteína 1; subunidad alfa (TCP-1 alfa) (CCT-alfa); variante transcripta 6 (LOC 484064); ARNm	XM 857 6 32	TCP1	complejo T 1
Cfa. 970-.1 S1 s en	4,73E-04	9,95E-03	0,72	familiaris similar a T-complejo proteína 1; subunidad alfa (TCP-1 alfa) (CCT-alfa); variante transcripta 8 (LOC 484064); ARNm	XM 857 6 83	TCP1	complejo T 1
Cfa. 217.1 S1 s en	2,21E-02	3,30E-02	0,76	canis familiaris TCTE1L ARNm, Cds completos	AF4 913 01	TCTE 1L	complejo T asociado al testículo expresado 1-similar
Cfa. 10296 1.A1 en	4,96E-05	7,92E-03	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a telomérica factor 2 de unión de repetición, proteína interactiva 1 (TRF2-interaccion telomerica proteína Rap1) (hRap1) (LOC479643); ARNm	XM 536 7 76	TERF 21 P	telomérica factor 2 de unión de repetición, proteína interactiva
Cfa. 11744 1.A1 s en	1,58E-03	1,26E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a testículo (TESS); variante transcripta 5 (LOC475293); ARNm	XM 860 8 64	TES	transcripción testículos derivados (dominios 3 LIM)
Cfa Affx. 19 117.1. S1 a t	1,74E-03	1,30E-02	0,65	PREDICHO: Canis familiaris similar a Factor de transcripción A; precursor mitocondrial (mtra.) (factor de transcripción mitocondrial 1) (MtTF1) (factor de transcripción 6-similar-2) (LOC488989); ARNm	XM 546 1 07	TFAM	factor de transcripción A, mitocondrial
Cfa. 1175.1 A1 s en	3,03E-02	3,87E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción EC isoforma a; variante transcripta 1 (LOC475292); ARNm	XM 532 5 23	TFEC	factor de transcripción EC

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 18602 2.S1 s en	2,39E-02	3,42E-02	0,67	PREDICHO: Canis similar a TIA 1 proteína isoforma 2; variante transcripta 1 (LOC610625); ARNm	XM 847 8 49	TIA1	TIA1 citotóxica asociada a gránulos RNA proteína de unión
Cfa. 5301.1 S1 en	1,85E-04	9,00E-03	1,34	PREDICHO: Canis familiaris a tirosina cinasa con similar a inmunoglobulina y similar a EGF dominio 1 (LOC482535); ARNm	XM 539 6 52	TIE1	tirosina cinasa con similar a inmunoglobulina- y similar a EGF- dominio 1
Cfa. 17788. 1. S1 en	1,48E-03	1,25E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Translocasa de interior de membrana subunidad 23 de mitocondrial homólogo; variante de transcripción 2 (LOC486776); ARNm	XM 850 8 59	TIMM 23	Translocasa de interior de membrana 23 de mitocondrial homólogo (levadura)
Cfa Affx. 14 014.1. S1 a t	8,89E-03	2,19E-02	0,74	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp86N0351 (origen clonado DKFZp86N0351); Cds completos	BX5 379 65	TIPARP	TCDD poli inducible (ADP ribosa) polimerasa
Cfa. 12147 1.A1 s en	5,58E-02	5,41E-02	1,35	PREDICHO: Canis familiaris similar a Talin 1; variante transcripta 11 (LOC474759); ARNm	XM 861 6 40	TLN1	talin 1
Cfa Affx. 60 1.1. S1 s a	1,11E-02	2,40E-02	0,75	Canis lupus familiaris TLR4 ARNm para punto de chequeo receptor de proteína 4; Cds completos	AB0 803 63	TLR4	Punto de cheque receptor 4
Cfa. 10886. 1.A1 s en	1,26E-03	1,23E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a BBP- como la proteína 2 isoforma a (LOC479020); ARNm	xm 536 1 73	TM2D 3	TM2 conteniendo dominio 3
Cfa Affx. 13 912.1. S1 s en	3,91E-04	9,61E-03	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a miembro de la superfamilia 3 transmembrana 9 precursor; variante transcripta 3 (LOC612786); ARNm	xm 854 6 99	TM9S F3	miembro de la superfamilia 3 transmembrana 9

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 13 989.1. S1 s en	4,70E-04	9,93E-03	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a miembro de la superfamilia 3 transmembrana 9 precursor; variante transcripta 3 (LOC612786); ARNm	XM 854 6 99	TM9S F3	miembro de la superfamilia 3 transmembrana 9
Cfa Affx. 13 999.1. S1 s en	9,8SE-06	6,68E-03	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a miembro de la superfamilia 3 transmembrana 9 precursor; variante transcripta 3 (LOC612786); ARNm	XM 854 7 62	TM9S F3	miembro de la superfamilia 3 transmembrana 9
Cfa Affx. 20 818.1. S1 s en	3,21E-02	3,99E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a membrana de proteína putativa (LOC478992); ARNm	XM 549 6 26	TMC O1	transmembrana y proteínas en espiral dominios 1
Cfa Affx. 26 060.1. S1 s en	2,34E-03	1,40E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a transmembrana y proteínas en espiral dominios 21, variante transcripta 1 (LOC610559); ARNm	XM 848 9 50	TME D10	transmembrana emp24 como trafico de proteína 10 (levadura)
Cfa. 17716. 1. S1 s en	1,38E-02	2,66E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a transmembrana dominante emp24 contiene proteína precursora 5 (LOC479947); ARNm	XM 537 0 72	TME D5	transmembrana dominante emp24 contiene proteína precursora 5
Cfa. 2058.1 1A1 en	8,53E-04	1,13E-02	0,74	PREDICHO: Pan troglodytes control como receptor adaptador de la molécula 2, variante transcripta 2 (TICAM2); ARNm	XM 001 1 476 06	TME D7	transmembrana dominante emp24 contiene proteína precursora 7
Cfa Affx. 77 21.1. S1 en	1,79E-04	9,00E-03	0,54	PREDICHO: Canis familiaris proteína hipotética LOC608427 (LOC608424); ARNm	XM 845 4 53	EME M1 26A	transmembrana de proteína 126A
Cfa Affx. 24 003.1. S1 s en	2,01E-04	9,06E-03	0,76	PREDICHO: Canis familiares hipotética LOC479094 (LOC479094); ARNm	XM 536 2 41	TME M1 28	transmembrana de proteína 128

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10592 a1A1 s en	1,12E-02	2,40E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar aTPA lugar regulado (LOC475144); ARNm	XM 532 3 75	TME M1 65	transmembrana de proteína 165
Cfa. 10458.1. S1 en	1,31E-03	1,23E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG14199-PA (LOC610083); ARNm	XM 847 4 81	TME M1 67A	transmembrana de proteína 167A
Cfa Affx. 10660.1. S1 a t	8,09E-02	6,67E-02	1,36	PREVISTO Canis familiaris hipotético LOC130733 (LOC475737); ARNm	XM 532 9 44	TME M1 78	transmembrana de proteína 178
Cfa. 1619.1 .S1 s en	1,62E-02	2,85E+00	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG12765-PA, variante transcripta 3 (LOC479994); ARNm	XM 850 6 17	TME M1 83A	transmembrana de proteína 138A
Cfa. 6676.1. S1 s en	2,26E-03	1,38E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína HSPC171, variante transcripta 1 (LOC489761; ARNm	XM 546 8 81	TME M2 08	transmembrana de proteína 208
CfaAffx49.43.1. S1 s en	1,01E-02	2,31E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a transmembrana de proteína 41B, ARNm (ADNc clon MGC:143027 imagen:8308402; Cds completos	XM 862 3 82	TME M3 0A	transmembrana de proteína 30A
Cfa838.2.A1 en	6,22E-04	1,05E-02	0,71	Bos taurus ADNc clon imagen:8169808, con aparente retención de intrón	BC1 141 31	TME M3 3	transmembrana de proteína 33
Cfa. 1749.1.A1 en	1,57E-02	2,80E-02	0,75	Bos taurus transmembrana de proteína 41B, ARNm (ADNc clon MGC:143027 imagen:8308402); Cds completos	BC1 422 13	TME M4 1B7	transmembrana de proteína 41B

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 14.419.1. S1 s en	4,36E-03	1,69E-02	0,76	PREVISTO : Canis familiaris similar a transmembrana de proteína 50B (HCV p7-proteína 3 transregulada) (LOC478405); ARNm	XM 535 5 82	TME M5 0B	transmembrana de proteína 50B
Cfa Affx. 12.987.1. S1 s en	6,14E-03	1,89E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7506-PA (LOC477915); ARNm	XM 535 1 05	TME M7 0	transmembrana de proteína 70
Cfa Affx. 28.790.1. S1 a t	4,22E-02	4,64E-02	0,73	H. sapiens ARNm para BCMA péptido	Z29 575	TNFR SF 17	Necrosis de tumor factor de receptor superfamiliar, miembro 17
Cfa Affx. 30.086.1. S1 a t	1,07E-03	1,20E-02	1,3	PREDICHO: Canis familiaris similar a Necrosis de tumor factor de receptor superfamiliar, precursor miembro 9 (LOC608274); ARNm	XM 845 2 43	TNFR SF 9	Necrosis de tumor factor de receptor superfamiliar, miembro 9
Cfa. 2395.1. S1 en	1,11E-02	2,39E-02	0,76	Homo sapiens transportin 1 (TNPO1), variante transcripta 2, ARNm	NM 153 1 88	TNPO 1	transportin 1
Cfa. 10462.2.S1 en	1,23E-02	2,52E-02	0,76	PREDICHO: Equus caballus transductor de ERBB2; 1 (TOP1); ARNm	XM 001 5 031 58	TOB1	transductor de ERBB2, 1
Cfa Affx. 26.534.1. S1 a t	3,25E-03	1,23E-02	1,31	PREDICHO: Canis familiaris similar a TOM1 como proteína 1, (objetivo de proteína 2 similar a myb) (Src activando y señalando molécula de proteína); variante de transcripción 3 (LOC491093); ARNm	XM 847 7 59	TOM 1L1	objetivo de myb1 (gallina)-Like1
Cfa. 11295.1. S1 en	2,56E-03	1,44E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris proteína hipotética LOC610171; variante de transcripción 2 (LOC491093); ARNm	XM 861 8 81	TOM M5	Translocar de la membrana 5 mitocondria exterior homóloga (levadura)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 44.35.1. S1 s en	1,98E-04	9,06E-03	0,67	PREDICHO: Canis familiaris proteína hipotética LOC610171; variante de transcripción 2 (LOC610171); ARNm	XM 861 8 81	TOM M5	Translocar de la membrana 5 mitocondria exterior homóloga (levadura)
Cfa Affx. 14.675.1. S1 s en	6,97E-04	1,07E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteínas precursoras mitocondriales importadoras y receptoras (translocasa de otra membrana TOM70) (LOC478541); ARNm	XM 535 7 19	TOM M7 0A	Translocar de la membrana 70 mitocondria exterior homóloga A (S. cerevisiae)
Cfa. 18846.1. S1 en	3,67E-04	9,61E-03	0,72	PREDICHO: Canis familiaris topoisomerasa I (top); ARNm	XM 534 4 20	TOP1	topoisomerasa e (DNA) I
Cfa. 11045.1. S1 s en	4,31E-03	1,68E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris Similar a DNA. topoisomerasa; isoenzima beta (LOC477044); ARNm	XM 534 2 41	TOP2 B	topoisomerasa e (DNA) II bera 180kDa
Cfa. 18453.1. S1 s en	7,58E-03	2,04E-02	0,69	PREDICHO: Canis familiaris Similar a DNA. topoisomerasa; isoenzima beta (LOC477044); ARNm	XM 534 2 41	TOP2 B	topoisomerasa e (DNA) II bera 180kDa
Cfa Affx. 10655.1. S1 s en	3,33E-04	9,28E-03	0,72	familiaris similar a DNA topoisomerasa II proteína de unión 1 (DNA topoisomerasa II beta proteína de unión 1) (TopBP1) (LOC477070); ARNm	XM 534 2 66	TOPB P1	topoisomerasa e (DNA) II proteína de unión 1
Cfa. 19106.1. S1 en	2,26E-03	1,38E-02	0,69	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia 3 de treosina, miembro A (LOC490326); ARNm	XM 547 4 46	TOR3 A	Familia 3 de treosina miembro A
Cfa. 8876.1.A1 en	1,47E-03	1,25E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de células de Langerhans epidérmicas LCP1, variante de transcripción 5 (LOC475403); ARNm	XM 859 1 82	TOX4	TOX alta movilidad familiar cuadro de grupo 4

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa 13117.1.A1 en	2,84E-03	1,48E-02	1,31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de células de Langerhans epidérmicas LCP1, variante de transcripción 6 (LOC475403); ARNm	XM 859 2 03	TOX4	TOX alta movilidad familiar cuadro de grupo 4
Cfa. 14202.1.A1 en	2,41E-03	1,40E-02	0,61	PREDICHO: Canis familiaris similar a TP53 quinasa regulada (p53 proteína de quinasa relacionada) (Nori-2) (LOC611235); ARNm	XM 848 8 73	TP53 RK	TP53 quinasa regulada
Cfa Afx. 25.960.1. S1 en	3,83E-04	9,61E-03	1,31	PREDICHO: Canis familiaris tropomiosina, variante de transcripción 5 (TPM1); ARNm	XM 859 7 95	TPM1	tropomiosina 1 (alfa)
Cfa Afx. 24.216.1. S1	1,14E-02	2,42E-02	0,75	PREDICHO: Pan hipotéticas troglodytes LOC465115 (LOC465115), parcial ARNm	XM 001 1 380 61	TPM4	tropomiosina 4
Cfa Afx. 13.954.1. S1 s en	3,28E-02	4,04E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a gen FLN29 producto (LOC477484); ARNm	XM 534 6 82	TRAF D1	TRAF- tipo de dedos de zinc dominio contiene 1
Cfa Afx. 12.600.1. S1 s en	4,73E-05	7,75E-03	0,73	C. familiaris ARNm para proteína TRAM	XM 636 78	TRAM1	translocación asociada membrana de proteína 1
Cfa. 15072.1.A1 s en	6,87E-04	1,07E-02	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar a células hematopoyético madres/progenitoras 176, variante de transcripción 2 (LOC479614); ARNm	XM 844 9 29	TRAP P C2L	traficando partícula de proteína complejo 2-similar
Cfa. 15072.2.S1 a en	5,54E-03	1,82E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a células hematopoyético madres/progenitoras 176, variante de transcripción 2 (LOC479614); ARNm	XM 844 9 29	TRAP P C2L	traficando partícula de proteína complejo 2-similar

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfaaffx.87.0.1. S1 s a t	3,56E-03	1,59E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a p53 induciendo factor de supervivencia de células; variante de transcripción 1 (LOC489217); ARNm	XM 546 3 5	TRIA P1	TP53 inhibidor regulado de apoptosis 1
Cfa Affx. 15.43.1. S1 en	2,49E-05	7,55E-03	1,33	PREDICHO: Canis familiaris similar a motivo-conteniendo tripartito isoforma ; variante de transcripción 2 (LOC481703); ARNm	XM 850 5 66	TRIM 39	motivo-conteniendo tripartito 39
Cfa. 17405.1. S1 s en	9,21E-03	2,22E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a 60kD Ro/SSA autoantígeno (LOC478957); ARNm	XM 536 1 15	TRO VE 2	TROVE miembro dominante de familia 2
Cfa Affx. 10.082.1. S1 a t	2,58E-03	1,44E-02	1,33	Mus musculus embrión de globo de ojo de 12 días ADNc; RIKEN librería enriquecida de tamaño total, clone:D230002D19 producto: receptor transitorio proteína 4; secuencia completa de inserción	AK0 841 39	Trpc4	canal catión receptor proteína transitorio, subfamilia C, miembro 4
Cfa. 10978.1.A1 en	3,57E-03	1,59E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de elongación Ts; precursor mitocondrial (ET-TS) (EF-TsMt) (LOC481134); ARNm	XM 538 2 55	TSFM	TS traducción del factor de elongación mitocondrial
Cfa. 832.1. S1 en	5,36E-04	1,02E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a translina (LOC483876)l ARNm	XM 540 9 96	TSN	translina
Cfa. 40562.1. S1 en	1,93E-03	1,33E-02	0,7	Bos taurus translina asociado al factor X (TSNAX); ARNm	NM 001 0 760 06	TSNA X	translina asociado al factor X
Cfa Affx. 27.815.1. S1 a en	2,64E-04	9,11E-03	0,69	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG5290-PA (LOC475719); ARNm	XM 532 9 27	TTC2 7	tetratricopéptido repite dominio 27

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 90.12.1S1 en	3,88E-03	1,63E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris hipotético LOC480172 (LOC480172), ARNm	XM 537 2 96	TTC3 9C	tetratricopérido repite dominio 39C
Cfa Affx. 90.12.1. S1 en	6,31E-04	1,05E-02	1,37	PREDICHO: Canis familiaris hipotético LOC148014 (LOC484503), ARNm	XM 541 6 17	TTC9 B	tetratricopérido repite dominio 9B
Cfa. 11081.1. S1 en	5,14E-02	5,18E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a tubulina; beta (LOC474830); ARNm	XM 532 0 60	TUBB	tubulina beta
Cfa. 19230.1. S1 en	2,51E-02	3,50E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a tubulina, proteína 2 asociad al complejo gama (LOC480829); ARNm	XM 537 9 46	TUB GC P2	tubulina, proteína 2 asociad al complejo gama
Cfa. 10170.1A1 s en	7,34E-03	2,02E+00	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a translación Tu del factor de elongación; mitocondrial (LOC479796); ARNm	XM 536 9 24	TUF M	translación Tu del factor de elongación; mitocondrial
Cfa. 3002.1. S1 en	1,09E-03	1,20E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a tiorredoxina contenido dominante precursor proteína 1 (proteína RELACIONADA TRANSMEMBRANA Trx) (proteína transmembrana relacionada tiorredoxina) (LOC610791); ARNm	XM 848 3 39	TXND C 1	tiorredoxina conteniendo dominio 1
Cfa Affx. 22.542.1. S1 s en	1,98E-04	9,06E-03	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a tiorredoxina contenido dominante precursor proteína 1 (proteína RELACIONADA TRANSMEMBRANA Trx) (proteína transmembrana relacionada tiorredoxina) (LOC610791); ARNm	XM 848 3 39	TXND C 1	tiorredoxina conteniendo dominio 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 10.33.1. S1 s en	8,90E-04	1,14E-02	0,68	PREDICHO: Canis familiaris similar a tioredoxina conteniendo dominio 10 (LOC476176); ARNm	XM 533 3 81	YXN DC10	tioredoxina conteniendo dominio 10
Cfa. 20679.1. S1 en	5,01E-03	1,76E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a disulfuro isomerasa (LOC609963); ARNm	XM 847 3 20	TXND C15	tioredoxina conteniendo dominio 15
Cfa. 19620.1. S1 s en	1,12E-03	1,20E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a tioredoxina conteniendo dominio proteína precursora 4 (retículo endoplásmico proteína residente ERp44) (LOC474781); ARNm	XM 532 0 11	TXND C 4	tioredoxina conteniendo dominio 4 (retículo endoplásmico)
Cfa. 19939.1. S1 s en	1,55E-04	9,00E-03	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a ATP proteínas de empalme asociadas con diferenciación de células (LOC474557); ARNm	XM 531 7 85	TXND C 9	tioredoxina conteniendo dominio 9
Cfa. 11189.1.A1 en	1,73E-04	9,00E-03	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dim1; variante de transcripción 1 (LOC476156); ARNm	XM 533 3 63	TXNL 4A	tioredoxina como 4A
Cfa Affx. 98.7.1. S1 s a t	8,35E-05	8,77E-03	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dim1; variante de transcripción 1 (LOC476156); ARNm	XM 533 3 63	TXNL 4A	tioredoxina como 4A
Cfa. 10733.1.A1 s en	5,48E-03	1,82E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de empalme U2AF 35 subunidad kDa (factor auxiliar U2 subunidad kDa) (factor auxiliar U2 snRNP subunidad pequeña) (LOC478422); ARNm	XM 535 5 99	U2AF 1	Factor auxiliar 1 pequeño U2 nuclear RNA
Cfa. 11590.1.A1 en	2,76E-02	3,68E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a U2 pequeño RNA nuclear factor 1similar 4 auxiliar; variante de transcripción 3 (LOC476480); ARNm	XM 862 6 81	U2AF 1L4	U2 pequeño RNA nuclear factor 1similar 4 auxiliar

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2503.1. S1 en	2,07E-02	3,19E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP-N pirofosforilasa acetilhexosamina (Antígeno X) (AGX) (antígeno 2 asociado a esperma); variante de transcripción1 (LOC488664); ARNm	XM 545 7 81	UAP1	UDP-N pirofosforilasa acetilhexosamina 1
Cfa. 2503.1. S1 s en	1,05E-02	2,34E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP-N pirofosforilasa acetilhexosamina (Antígeno X) (AGX) (antígeno 2 asociado a esperma); variante de transcripción1 (LOC488664); ARNm	XM 545 7 81	UAP1	UDP-N pirofosforilasa acetilhexosamina 1
Cfa. 1092.1. S1 en	4,22E-03	1,68E-02	0,69	PREDICHO: Canis familiaris similar a activacion-ubiquitina Enzima E1C isoforma 1; variación de transcripción 3 (LOC476560); ARNm	XM 846 6 97	UBA3	Enzima 3 activando modificación de similar a Ubiquitina-
Cfa Affx. 10.771.1. S1 s en	9,84E-04	1,16E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Enzima E1C activando ubiquitina isoforma 1; variante de transcripción 3 (LOC476560); ARNm	XM 859 2 48	UBA3	Enzima 3 activando modificación de similar a Ubiquitina
Cfa Affx. 10.573.1. S1 a t	5,22E-04	1,01E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a Enzima E1 activando ubiquitina conteniendo 1 dominio 1 (LOC485664); ARNm	XM 542 7 84	UBA5	Enzima 5 activando modificación de similar a Ubiquitina
Cfa Affx. 28.164.1. S1 a t	7,47E-05	8,57E-03	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2 A conjugando ubiquitina (Ubiquitina proteína ligasa A) (Ubiquitina transportando proteína A) (HR6A) (mHR6A) (LOC492095); ARNm	XM 549 2 17	UBE2 A	enzima E2A conjugando ubiquitina (RAD6 homólogo)
Cfa Affx. 96.18.1. S1 s en	4,17E-03	1,67E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2 E1 conjugando ubiquitina (Ubiquitina proteína ligasa E1) (Ubiquitina transportando proteína E1) (UbcM3) variante de transcripción 1 (LOC477048); ARNm	XM 534 2 45	UBE2 E1	enzima E2E 1 conjugando ubiquitina (UBC4/5 homólogo levadura)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 457.1. S1 s en	7,31E-03	2,01E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2 E3 conjugando ubiquitina (Ubiquitina proteína ligasa E3) (Ubiquitina transportando proteína E3) (enzima E2-23 Kda conjugando ubiquitina) (UbcM2) variante de transcripción 2 (LOC612823); ARNm	XM 857 4 08	UBE2 E3	enzima E2E 3 conjugando ubiquitina (UBC4/5 homólogo levadura)
Cfa. 11340.1. S1 en	2,24E-04	9,06E-03	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2G2 conjugando Ubiquitina (LOC611581); ARNm	XM 535 6 03	UBE2 G2	enzima E2G 2 conjugando ubiquitina (UBC7 homólogo levadura)
CfaaFFX.55.94. 1.s1	1,00E-03	1,17E-02	0,6	PREDICHO: Pan enzima E2 Conjugando ubiquitina troglodita; J1 (UBE2J1); ARNm	XM 518 6 36	UBE2 J1	enzima E2 conjugando ubiquitina, J1 (UBC6 homólogo levadura)
Cfa Affx. 55.95.1. S1 s en	2,08E-04	9,06E-03	0,66	PREDICHO: Canis familiaris similar a Enzima E2 conjugando ubiquitina; variante de y transcripción 1 (LOC474993); ARNm	XM 532 2 30	UBE2 J1	enzima E2 conjugando ubiquitina, J1 (UBC6 homólogo levadura)
Cfa Affx. 24.469.1. S1 s en	7,77E-03	2,06E-02	0,69	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 interactuando con huntingtina, variante de transcripción 1 (LOC609531); ARNm	XM 846 0 94	UBE2 K	enzima E2K conjugando ubiquitina, (UBC1 homólogo levadura)
Cfa. 11980.1.A1 s en	1,62E-03	1,27E-03	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2 L3 conjugando ubiquitina (ubiquitina proteína ligasa L3) (Ubiquitina cargando proteína L3) (UbcM4); variante de transcripción 1 (LOC477572); ARNm	XM 534 7 67	UBE2 L3	enzima E2L 3 conjugando ubiquitina
Cfa. 17038.1. S1 en	2,46E-02	3,47E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2L 6 conjugando ubiquitina; variante de transcripción 1 (LOC475967); ARNm	XM 533 1 74	UBE2 L6	enzima E2L 6 conjugando ubiquitina

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 11552.1. S1 a t	1,48E-03	1,25E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2 conjugando ubiquitina variante 1 (LOC477262); ARNm	XM 534 4 54	UBE2 V1	enzima E2 conjugando ubiquitina variante 1
Cfa. 620.2.S1 s en	1,26E-03	1,23E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E3A isoforma 3 ligasa a proteína de ubiquitina, variante de transcripción 2 (LOC479010); ARNm	XM 843 1 47	UBE3 A	ligasa E3A proteína ubiquitina
Cfa. 620.1.A1 s en	3,88E-03	1,63E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a ligasa E3A isoforma 3 proteína ubiquitina; variante de transcripción 5 (LOC479010); ARNm	XM 850 6 86	UBE3 A	ligasa E3A proteína ubiquitina
Cfa. 9635.1.A1 en	3,92E-03	1,64E-02	0,77	Homo sapiens ARNm para gen KIAA0126; Cds parciales	D50 916	UBE4 A	Ubiquinacion factor E4A (UFD2 homólogo levadura)
Cfa. 9708.1.A1 en	1,05E-03	1,19E-02	0,75	Homo sapiens ubiquitina similar 3 (UBL3); ARNm	NM 007 1 06	UBL3	Ubiquitina similar 3
Cfa Affx. 26.450.1. S1 s en	2,52E-03	1,43E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio similar a ubiquitina conteniendo CTD fosfatasa 1; variante de transcripción 2 (LOC489153); ARNm	XM 546 2 71	UBLC P1	dominio similar a ubiquitina conteniendo CTD fosfatasa 1
Cfa. 18325.1. S1 en	1,28E-03	1,23E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio similar a ubiquitina conteniendo CTD fosfatasa 1; variante de transcripción 1 (LOC489153); ARNm	XM 862 0 92	UBLC P1	dominio similar a ubiquitina conteniendo CTD fosfatasa 1
Cfa. 3289.1. S1 s en	3,85E-03	1,63E-02	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ubiquitina 1 isoforma 1; variante de transcripción 8 (LOC476312); ARNm	XM 853 2 08	UBQL N1	Ubiquitina 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 3289.2.S1 s en	9,83E-03	2,29E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ubiquitina 1 isoforma 1; variante de transcripción 8 (LOC476312); ARNm	XM 853 2 08	UBQL N1	Ubiquitina 1
Cfa. 8225.1.A1 s en	5,27E-05	7,92E-03	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína Rep-8, (proteína de reproducción 8) (D852298E) (LOC475595); ARNm	XM 549 4 49	UBX N8	proteína 8 UBX dominio
Cfa. 1152.1.A1 s en	9,84E-06	6,68E-03	0,69	PREDICHO: Canis familiaris similar a hidrolasa UCH37 ubiquitina C-terminal (LOC478958); ARNm	XM 536 1 16	UCHL 5	ubiquitina carboxilo terminal hidrolasa L5
Cfa Affx. 92.91.1. S1 s en	2,63E-02	3,59E-02	1,39	Canis lupus familiaris ucp2 ARNm para desacoplamiento de proteína 2; Cds completos	AB0 208 87	UCP2	desacoplando proteína 2 (cargador de proteína mitocondrial)
Cfa Affx. 99.99.1. S1 s en	2,64E-03	1,45E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a ubiquitina plegada modificada 1 (LOC477297); ARNm	XM 534 4 89	UFM1	ubiquitina plegada modificador 1
Cfa. 20677.2.S1 s en	5,28E-04	1,01E-02	0,73	familiaris similar a glucosa UDP pirofosforilasa 2 isoforma a, variante de transcripción 2 (LOC474615); ARNm	XM 860 8 50	UGP2	glucosa UDP pirofosforilasa 2
Cfa Affx. 56.56.1. S1 s en	2,47E-05	7,55E-03	0,67	familiaris similar a glucosa UDP pirofosforilasa 2 isoforma a, variante de transcripción 2 (LOC474615); ARNm	XM 860 8 50	UGP2	glucosa UDP pirofosforilasa 2
Cfa. 2159.1. S1 s en	7,14E-05	8,52E-03	0,72	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína Serina treonina quinasa Kit (quinasa interactuando con estatmina) (quinasa 1 U2AF motivo homología) (proteína PAM COOH interactor terminal 2) (P-CIP2) (LOC478986); ARNm	XM 536 1 43	UHM K1	U2AF homología modificada (UHM) quinasa 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10244.1.A1 en	1,68E-03	1,29E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Uridina 5 monofosfato sintasa (IMP sintasa) (LOC478593); ARNm	XM 535 7 69	UMPS	Uridina monofosfato sintetasa
Cfa. 10244.1.A1 en	9,62E-03	2,26E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Uridina 5 monofosfato sintasa (IMP sintasa) (LOC478593); ARNm	XM 535 7 69	UMPS	Uridina monofosfato sintetasa
Cfa. 10690.1. S1 s en	5,29E-04	1,01E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo unc-50 (LOC611651); ARNm	XM 849 3 46	UNC50	Homólogo unc-50 (C. elegans)
Cfa Affx. 26.344.1. S1 a t	2,13E-03	1,36E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG5537-PA, variante de transcripción 2 (LOC480960); ARNm	XM 538 0 81	UPRT	urasil fosforribosil transferasa (FUR1) homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 17017.1. S1 en	1,15E-02	2,42E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a Factor de transporte p115 vesicular general (proteína asociada transcitosis) (TAP) (proteína de acoplamiento vesicular); variante de transcripción 1 (LOC478430); ARNm	XM 535 6 07	USO1	USO1 proteína de acoplamiento vesicular (levadura)
Cfa. 18635.1. S1 s en	5,82E-03	1,85E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Factor de transporte p115 vesicular general (proteína asociada transcitosis) (TAP) (proteína de acoplamiento vesicular); variante de transcripción 1 (LOC478430); ARNm	XM 535 6 07	USO1	USO1 proteína de acoplamiento vesicular (levadura)
Cfa Affx. 13.431.1. S1 s en	2,44E-03	1,41E-02	0,64	PREDICHO: Canis familiaris similar a Factor de transporte p115 vesicular general (proteína asociada transcitosis) (TAP) (proteína de acoplamiento vesicular); variante de transcripción 1 (LOC478430); ARNm	XM 851 2 70	USO1	USO1 proteína de acoplamiento vesicular (levadura)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 19994.1. S1 s en	1,51E-04	9,00E-03	0,69	familiaris similar a ubiquitina carboxilo terminal hidrolasa 1 (Ubiquitina Tioesterasa 1) (Ubiquitina específicamente procesando proteasa 1) (Ubiquitina enzima 1); variante de transcripción 1 (LOC479549); ARNm	XM 536 6 88	USP1	ubiquitina específico peptidasa 1
Cfa Affx. 28.718.1. S1 a t	1,27E-02	2,54E-02	0,75	familiaris similar a ubiquitina carboxilo terminal hidrolasa 1 (Ubiquitina Tioesterasa 1) (Ubiquitina específicamente procesando proteasa 1) (De Ubiquitina enzima 1) (hUBP); variante de transcripción 1 (LOC479549); ARNm	XM 536 6 88	USP1	ubiquitina específico peptidasa 1
Cfa. 19562.1. S1 en	4,13E-04	9,68E-03	0,68	PREDICHO: Canis familiaris similar a ubiquitina - específica proteasa 12 - como 1 (LOC486033); mRNA0	XM 543 1 59	USP1 2	ubiquitina específico peptidasa 12
Cfa Affx. 11.142.1. S1 a t	3,20E-03	1,54E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a ubiquitina - específica proteasa 12 - como 1 (LOC486033); mRNA0	XM 543 1 59	USP1 2	ubiquitina específico peptidasa 12
Cfa. 2506.1. S1 s en	1,53E-02	2,77E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a disrupción del silenciamiento 10 (LOC475167); ARNm	XM 532 3 99	UTP3	UTP3, pequeña subunidad (SSU) procesando algún componente homólogo (S. cerevisiae)
Cfa. 4554.1. S1 s en	8,75E-03	2,18E-02	0,77	Canis familiaris utropina ARNm; Cds completos	AY0 954 85	UTR N	utropina
Cfa. 1744.1.A1 en	5,06E-04	1,00E-02	0,75	Homo Sapiens Membrana proteína 7 asociada vesicular (VAMP7); variante de transcripción 1; ARNm	NM 005 6 38	VAM P7	Membrana proteína 7 asociada vesicular

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 2698.1.A1 en	4,06E-03	1,65E-02	0,75	Homo Sapiens factor de intercambio vav3 nucleótido de guanina (VAV3); variante de transcripción 1; ARNm	NM006113	VAV3	factor de intercambio vav3 nucleótido de guanina
Cfa. 1590.2.S1s en	3,22E-04	9,28E-03	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a canal selectivo de proteína 1 unión dependiente de voltaje (VDAC-1) (hVDAC1) (proteína de porina 1 exterior membrana mitocondrial) (porina plasmalemmal) (porina 31HL) (Porina 31HM) (LOC474681); ARNm	XM531907	VDAC1	canal de unión 1 dependiente de voltaje
CfaAffx23.653.1.S1s en	3,53E-03	1,59E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a canal de unión 2 dependiente de voltaje; (LOC479255); ARNm	XM846649	VDAC2	canal de unión 2 dependiente de voltaje
Cfa. 16229.1.S1 en	4,42E-04	9,78E-03	0,75	Canis familiaris enfermedad de tumor supresor von hippel Lindau (VHL) ARNm; Cds completos	AY764285	VHL	tumor supresor von hippel Lindau
Cfa. 818.1.A1s en	7,73E-03	2,06E-02	0,7	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación de la proteína vacuolar 13A isoforma A (LOC476319); ARNm	XM533522	VPS13A	clasificación de la proteína vacuolar 13A homóloga A (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 13.436.1.S1s en	1,36E-03	1,23E-02	0,73	Canis familiaris enfermedad de tumor supresor von hippel Lindau (VHL) ARNm; Cds completos	XM856490	VPS29	clasificación de la proteína vacuolar 29 (S. cerevisiae)
Cfa. 13099.1.S1s en	1,78E-03	1,30E-02	0,75	Bos taurus similar a clasificación de la proteína vacuolar 35 homóloga (S. cerevisiae); ARNm (ADNc clon MGC:128544 imagen:7985129); Cds completos	BC105430	VPS35	clasificación de la proteína vacuolar 35 homóloga (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 9366.1.A1 en	5,43E-04	1,02E-02	0,68	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación de la proteína vacuolar 35; variante de transcripción 1 (LOC475346); ARNm	XM 532 5 70	VPS3 5	clasificación de la proteína vacuolar 35 homóloga (S. cerevisiae)
Cfa. 9366.1.A1 en	9,96E-03	2,30E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación de la proteína vacuolar 35; variante de transcripción 2 (LOC475346); ARNm	XM 853 9 13	VPS3 5	clasificación de la proteína vacuolar 35 homóloga (S. cerevisiae)
cFAaFFX.10.79 .1. S1 en	1,65E-03	1,28E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a clasificación de la proteína vacuolar factor 4B; variante de transcripción 8 (LOC607306); ARNm	XM 852 2 73	VPS4 B	clasificación de la proteína vacuolar 4 homóloga B (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 27.241.1. S1 s en	2,63E-02	3,59E-02	0,77	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa 1 relacionada a vaccinia (LOC490848); ARNm	XM 547 9 70	VRK1	quinasa 1 relacionada a vaccinia
Cfaaffx.24.488. 1. S1 s en	2,36E-04	9,06E-02	0,71	PREDICHO: Canis familiaris similar a KIAA0261; variante de transcripción 2 (LOC612854); ARNm	XM 859 7 25	WAP AL	(Drosophila) homólogo como alas aparte
Cfa Affx. 27 416.1. S1 s en	1,24E-02	2,52E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a triptonil tRNA sintetasa (triptonil tRNA ligasa) (TrpRS) (IFP53) (hWRS); variante de transcripción 1 (LOC480435); ARNm	XM 537 5	WAR S	triptonil tRNA sintetasa
Cfa. 14685.1A1 en	1,10E-02	2,39E-02	0,75	troglydotes WD repetidas conteniendo proteína 1; variante de transcripción 2 (WDR1); ARNm	XM 001 158 182	WDR 1	Dominio 1 repite WD
Cfa. 10473.1S1 en	5,98E-03	1,87E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD repite dominio 20 isoforma 2; variante de transcripción 6 (LOC611234); ARNm	XM 863 505	WDR 20	Dominio 20 repite WD

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 8901.1.A1 S en	6.94E-03	1.98E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD repite dominio 36 (LOC488875); ARNm	XM 545 992	WDR 36	Dominio 36 repite WD
Cfa Affx. 11948.1. S1 en	2.50E-03	1.42E-02	76	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD repite dominio 36 (LOC488875); ARNm	XM 545 992	WDR 36	Dominio 36 repite WD
Cfa. 2333.1. S1 a en	2,95E+00	3.81E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD repite dominio 48; variante de transcripción 8 (LOC477027); ARNm	XM 855 010	WDR 48	Dominio 48 repite WD
Cfa. 1553.1.A1 en	2.30E-03	1.39E-02	0.73	Pan troglodytes WD repite dominio 51B; variante de transcripción 4 (WRD51B); ARNm	XM 001 166 217	WDR 51B	Dominio 51B repite WD
Cfa Affx. 28528.1. S1 en	2.86E-03	1.48E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG5543-PA (LOC489225); ARNm	XM 546 343	WDR 70	Dominio 70 repite WD
Cfa. 17135.1. S1 s en	2.85E-03	1.48E-02	0,76	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD repite y SOF1 domina contenido (LOC475065); ARNm	XM 545 565	WDR 75	WD repite y SOF1 domina contenido
Cfa. 15346.1.A1 s en	7.21E-05	8.52E-03	0.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD repite y SOF1 domina contenido (LOC475065); ARNm	XM 532 299	WDS OF1	WD repite y SOF1 domina contenido
Cfa. 847.1. S1 S en	1.11E-02	2.39E-02	0,75	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD40 repite proteína interactiva con fosfoinosítidos de 49kDa (LOC490899); ARNm	XM 535 926	WDS UB1	WD repite dominio, fosfoinosítidos interactuando 1

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 4588.1.A1.en	1.71E-02	2.92E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARNm	XM 548 021	WIP1	
CfaAffX.20768.1. S1 en	1.40E-02	2.67E -02	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a Wnt-9b proteína precursora (wnt15) (Wnt-14b) (LOC490919); ARNm	XM 548 042	WNT 9B	sitio de integración MMTV wingles clase, miembro de familia 9B
Cfa Affx. 28471.1.s1 en	7.18E-03	2.00E -02	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD SOCS caja de proteínas 1 isoforma, variante de transcripción 8 (LOC480619); ARNm	XM 862 937	WSB 1	WD repite y caja SOCS conteniendo 1
Cfa. 15303.1. S1 en	2.25E-02	3.32E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a WD SOCS caja de proteínas 1 isoforma, variante de transcripción 9 (LOC480619); ARNm	XM 862 943	WSB 1	WD repite y caja SOCS conteniendo 1
Cfa Affx. 272. 1 . S1 s en	9.73E-03	2.28E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a tumor de Wilms isoforma 1 proteína asociada 1 (LOC476259); ARNm	XM 533 464	WTA P	Wilms tumor 1 proteína asociada
Cfa. 10930. 1. S1. s en	5.47E-03	1.82E-02	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio WW conteniendo ubiquitina E3 proteína de ligasa 1; variante de transcripción 1 (LOC477930); ARNm	XM 535 119	WWP 1	dominio WW conteniendo ubiquitina E3 proteína de ligasa 1
Cfa Affx. 5558. 1 . S1. s en	1.29E-02	2.56E-02	0,73	PREDICHO: Canis familiaris similar a exportador 1; homólogo CRM1; variante de transcripción 1 (LOC474609); ARNm	XM 531 839	XPO1	exportador 1 (levadura homólogo CRM1)
Cfa. 1421.1. S1 en	4.13E-04	9,68E-01	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a exportador 1; homólogo CRM1; variante de transcripción 4 (LOC474609); ARNm	XM 860 656	XPO1	exportador 1, (levadura homólogo CRM1)

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 13644.1. S1 en	5.38E-03	1.81E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a rayos x reparan cruce isoforma 1 proteína 4 complementando (LOC488923); ARNm	XM 546 040	XRC C4	Rayos x reparan complemento en reparación defectiva en células 4 de hamster Chino
Cfa. 156081.A1 en	3.02E-03	1,51E+00	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia dominante Yip1; miembro 1; variante de transcripción 3 (LOC489581); ARNm	XM 860 929	YIPF 1	familia dominante Yip1, miembro 1
Cfa. 576.1. S1at	3.79E-04	9.61E-03	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 5 asociada a sube cruce de células de musculo (LOC478048); ARNm	XM 535 226	YIPF 5	familia dominante Yip1, miembro 5
Cfa Affx. 10465.1. S1 s en	9.01E-05	8.90E-03	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 5 asociada a sube cruce de células de musculo (LOC478048); ARNm	XM 535 226	YIPF 5	familia dominante Yip1, miembro 5
Cfa. 15326.2.S1 en	4.48E-03	1.71E-02	0.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína homóloga yippee; variante de transcripción 2(LOC475714); ARNm	XM 857 398	YPEL 5	Yippee como 5 (Drosophila)
Cfa. 1292.1. S1 en	1.48E-03	12SE-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a isquemia/reperfusión proteína inducible (LOC482469); ARNm	XM 539 586	YRD C	conteniendo yrdC dominio (E coli)
Cfa. 18982.1. S1 s en	1.33E-02	2.60E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de división YT521-B isoforma 2; variante de transcripción 5 (LOC75161); ARNm	XM 856 334	YTHD C1	Dominio YTH conteniendo 1
Cfa. 4461.1. S1 en	1,28E-01	1,23E-01	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína epsilon 14-3-3 (14-3-3E) (importe mitocondrial de factor L estimulado subunidad) (MSF L); variante de transcripción 3 (LOC480645); ARNm	XM 863 328	YMH AE	tirosina 3 monooxigenasa/triptofano 5 monooxigenasa activacion de proteína epsilon polipéptido

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Afx. 19065.1. S1 s en	3.49E-02	4.18E-02	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína theta 14-3-3 (14-3-3 proteína tau); variante de transcripción 3 (LOC480645); ARNm	XM 532 871	YMH AQ	tirosina 3 monooxigenasa/triptofano 5 monooxigenasa activacion de proteína theta polipéptido
Cfa Afx. 6010.1. S1 en	1,57E-01	1.26E-02	0,74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína theta 14-3-3 (14-3-3 proteína tau); variante de transcripción 3 (LOC607060); ARNm	XM 851 129	YMH AQ	tirosina 3 monooxigenasa/triptofano 5 monooxigenasa activacion de proteína epsilon polipéptido
Cfa Afx. 9531.1. S1s en	1.25E-03	1.23E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a tirosina 3/triptofano 5 monooxigenasa activacion de proteína zeta polipéptido; variante de transcripción 2 (LOC475864); ARNm	XM 843 951	YMH AZ	tirosina 3 monooxigenasa/triptofano 5 monooxigenasa activacion de proteína zeta polipéptido
Cfa. 1579.1.A1 en	2.69E-03	1.46E-02	0.66	Canis lupus familiaris dedos de zinc, BED-tipo conteniendo 5 (Zbed5); ARNm	NM 001 097 982	ZBED 5	dedos de zinc, BED-tipo conteniendo 5
Cfa. 5314.1.A1at	8.12E-03	2.10E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedos de zinc y conteniendo 20 domino BTB, variante de transcripción 2 (LOC487987); ARNm	XM 843 445	ZBTB 20	dedos de zinc y conteniendo 20 domino BTB
Cfa. 21382.1. S1 s en	1.55E-03	1.26E-02	0.71	Canis lupus familiaris dedos de zinc, CCCH-tipo conteniendo 15 (ZC3H15); ARNm	NM 001 146 05	ZC3H 15	dedos de zinc, CCCH-tipo conteniendo 15
Cfa Afx. 2892.1. S1 s en	2.33E-03	1.39E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedos de zinc y conteniendo 6 domino CCHC, variante de transcripción 8 (LOC476301); ARNm	XM 851 073	ZCC HC6	dedos de zinc, CCHC conteniendo 6
Cfa Afx. 2893.1. S1 s en	3.97E-03	1.64E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedos de zinc y conteniendo 6 domino CCHC, variante de transcripción 6 (LOC476301); ARNm	XM 851 073	ZCC HC6	dedos de zinc, CCHC conteniendo 6

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 12605.1. S1 en	4.93E-03	1.75E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedos de zinc y conteniendo 8 domino CCHC, variante de transcripción 6 (LOC476301); ARNm	XM 534 658	ZCC HC8	dedos de zinc, CCHC conteniendo 8
Cfa. 12584.1.A1 en	5.49E-03	1.82E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedos de zinc y conteniendo proteína 7 domino DHHC (proteína 370 dedos de zinc); variante de transcripción 2 (LOC489676); ARNm	XM 855 968	ZDH HC7	dedos de zinc y conteniendo proteína 7 domino DHHC
Cfa Affx. 6949.1. S1 s en	1.89E - 02	3.06E-02	0.77	familiaris similar a transcripción de factor 8 (NIL-2 proteína de dedos de zinc) (regulador negativo de IL"); variante de transcripción 7 (LOC477966); ARNm	XM 854 899	ZEB1	dedo de zinc E unión caja homeótica 1
Cfa. 18913.1. S1 s en	1.51E-02	2.75E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de Zinc caja homeótica proteína 1b (proteína 1 interactiva smad) (SMADIP) (LOC483909); ARNm	XM 541 029	ZEB2	dedo de zinc E unión caja homeótica 2
Cfa. 10843.1.A1084 3.1.A1 en	1.28E-02	2.55E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc domino A20 conteniendo proteína 2 (dedo de Zinc proteína 216); variante de transcripción 1 (LOC476324); ARNm	XM 533 526	ZFAN D5	dedo de Zinc AN1-tipo dominio 5
Cfa Affx. 28070.1 S1 en	7.04E-04	1.08E-02	1.4	Rattus norvegicus dedo de zinc proteína 830, ARNm (ADNC clon MGC:125001 imagen:7381762); Cds completos	BC1 047 17	Zfp830	proteína 830 dedo de zinc
Cfa Affx. 12382.1. S1 en	2.85E-04	9.15E-03	0.74	Mus musculus de placenta femenina adulta de 14 días de embarazo ADNc; RIKEN librería completa, clon M5C1055M01 producto dedo de zinc proteína 91; secuencia insertada completa	AK1 475 02	Zfp91	proteína 91 dedo de zinc

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 20113.1. S1 s en	8.20E-04	1.10E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína91 isoforma 1, variante de transcripción 1 (LOC475962); ARNm	XM 533 171	ZFP9 1	proteína 91 dedo de zinc homólogo (ratón)
CfaAffX983.1. S1 s en	2.06E-03	1.35E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc RNA proteína de unión; variante de transcripción 9 (LOC489239); ARNm	XM 863 131	ZFR	dedo de zinc RNA proteína de unión
Cfa Affx. 13975.1. S1 en	2.33E-03	1.39E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc FYVE dominio contiene proteína 16 (Endofin) (Endosoma asociada FYVE proteína dominante) (LOC479167); ARNm	XM 536 310	ZFYV E16	dedo de zinc FYVE conteniendo dominio 16
Cfa Affx. 5443.1. S1 en	1.21E-04	8.90E-03	0.76	Pongo abelii ARNm; ADNc DKFZp45910445 (origen clon DKFZp45910445)	CR 860 340	ZMP STE2 4	metalopectidasa zinc (STE24 homólogo S. cerevisiae)
Cfa. 10839.1.A1 en	1.68E-03	1.29E-02	0.76	Homo sapiens zinc metalopectidasa (STE24 homólogo; S. cerevisiae) (ZMPSTE24); ARNm	NM 005 857	ZMP STE2 4	metalopectidasa zinc (STE24 homólogo S. cerevisiae)
Cfa Affx. 9458.1. S1 s en	9.09E-04	1.15E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc MYND dominio contiene proteína 11 (proteína de unión E1A ADENOVIRUS 5) (proteína BS69); variante de transcripción 1 (LOC478023); ARNm	XM 535 205	ZMY ND11	dedo de zinc MYND conteniendo dominio 11
Cfa Affx. 11973.1. S1 s en	1.79E-03	1.30E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc contiene proteína 143 (factor de unión SPH); variante de transcripción 3 (LOC485384); ARNm	XM 858 781	ZNF1 43	dedo de zinc proteína 143
Cfaaffc.459.1. S1 s ay	3.29E-03	1.55E-02	0.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 18 (LOC479505); ARNm	XM 536 644	ZNF1 8	dedo de zinc proteína 18

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa. 10986.a.A1 s en	1.01E-03	1.17E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 207 (LOC480611); ARNm	XM 537 731	ZNF2 07	dedo de zinc proteína 207
Cfa. 18401.1.S1 s en	9.11E-04	1.15E-02	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 207 (LOC480611); ARNm	XM 537 731	ZNF2 07	dedo de zinc proteína 207
Cfa. 20746.1.S1 en	7.04E-04	1.08E-02	0.75	Homo sapiens dedo de zinc proteína 24 (ZNF24); ARNm	NM 006 965	ZNF2 4	dedo de zinc proteína 24
Cfa Affx. 20691.1.S1 s en	5.18E-03	1.79E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 259; variante de transcripción 2 (LOC479428); ARNm	XM 845 219	ZNF2 59	dedo de zinc proteína 259
Cfa. 1662.1.A1 en	3.26E-02	4.02E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 292 (LOC480611); ARNm	XM 539 029	ZNF2 92	dedo de zinc proteína 292
Cfa. 2298.1.A1 en	2.99E-03	1.51E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 330 (autoantígeno 36 nucleolar) (LOC476073); ARNm	XM 533 282	ZNF3 30	dedo de zinc proteína 330
Cfa Affx. 30924.1.S1 s en	9.96E-03	2.30E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 644 isoforma 2; variante de transcripción 7 (LOC479957); ARNm	XM 862 032	ZNF6 44	dedo de zinc proteína 644
Cfa Affx. 12480.1.S1 en	1.00E-02	2.30E-02	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 654 (LOC487673); ARNm	XM 544 797	ZNF6 54	dedo de zinc proteína 654

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 23026.1. S1 en	8.11E-04	1.10E-02	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 655 isoforma c; variante de transcripción 2 (LOC489855); ARNm	XM 546 973	ZNF6 55	dedo de zinc proteína 655
Cfa. 1778.1.A1 s en	4.07E-03	1.65E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 7 (dedo de zinc proteína KOX4) (dedo de zinc proteína HF.16) (LOC475129); ARNm	XM 532 359	ZNF7	dedo de zinc proteína 7
Cfa. 14593.2.S1 a en	4.98E-03	1.76E-02	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína HSPC038 (LOC607293); ARNm	XM 843 918	ZNF7 06	dedo de zinc proteína 706
CfaAffX.3501.1. S1 s en	1.65E-02	2.88E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG10979-PA; variante de transcripción 5 (LOC475207); ARNm	XM 844 414	ZNF8 00	dedo de zinc proteína 800
Cfa Affx. 5053.1. S1 x en	3.10E-02	3.92E-02	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 91 (HPF7; HTF10) (LOC484326); ARNm	XM 541 442	ZNF9 1	dedo de zinc proteína 91
Cfa. 6304.1.A1 en	6.80E-04	1.07E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc HIT dominio contiene la proteína 1 (Ciclina G1 proteína de unión 1) (LOC479729); ARNm	XM 536 855	ZNHI T1	dedo de zinc HIT tipo 1
Cfa. 9992.1. a1 en	2.81E-03	1.48E-02	0.76	PREDICHO: Pan troglodita dedo de zinc; RAN-unión contiene dominio 1 proteína (ZRANB1); ARNm	XM 508 099	ZRAN B1	dedo de zinc; RAN-unión contiene dominio 1
Cfa Affx. 31255.1. S1 s en	1.33E-03	1.23E-02	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc proteína 265 (dedo de zinc, empalme) (LOC490213); ARNm	XM 547 334	ZRAN B2	dedo de zinc; RAN-unión contiene dominio 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 2: Genes Expresados Diferencialmente en Linfocitos en Animales Obesos en comparación con Animales delgados

Cfa Affx. 21190.1. S1 s en	3.49E-04	9.46E-03	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a centrómero/cinetocoro homólogo proteína zw10; variante transcripta 1 (LOC479433); ARNm	XM 536 569	ZW10	centrómero/cinetocoro homólogo proteína zw10 Drosophila
Cfa Affx. 31203.1 . S1 s en	4.13E-03	1.66E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc; ZZ dominio contiene 3; variante de transcripción 1 (LOC490203); ARNm	XM 547 324	ZZZ3	dedo de zinc; tipo ZZ conteniendo 3

Tabla 3: Genes claves asociados con metabolismo de ácidos grasos en animales gordos comparados con animales delgados

Sondas que identifican los genes clave en el tejido adiposo en perros obesos y delgados

SONDA	VALOR P	VALOR Q	FACTOR DE CAMBIO	ANOTACION MAXIMA	Cuenta máxima	Símbolo Gen	Descripción Gen
Cfa. 1286.1.A1_en	8.81E-02	1.00E+00	0.56	PREDICHO: Macaca mulatta carnitina palmitoiltransferasa 1A (CPT1A); ARNm	XM00110184	CPT1A	palmitoiltransferasa 1A carnitina
Cfa. 101.1. S1_s_en	9.54E-02	1.00E+00	0.62	PREDICHO: Canis familiaris carnitina palmitoiltransferasa 1 isoforma (CPT1); ARNm	XM533208	CPT1A	palmitoiltransferasa 1A carnitina (hígado)
Cfa. 17829.1. S1_s_en	7.11E-02	1.00E+00	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a carnitina piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 2 (LOC491075); ARNm	XM548195	PDK2	piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 2
Cfa Affx. 25948.1. S1_en	7.97E-02	1.00E+00	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a carnitina piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 2 (LOC491075); ARNm	XM548195	PDK2	piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 2

ES 2 524 475 T3

Tabla 3: Genes claves asociados con metabolismo de ácidos grasos en animales gordos comparados con animales delgados

Sondas que identifican los genes clave en el tejido adiposo en perros obesos y delgados

SONDA	VALOR P	VALOR Q	FACTOR DE CAMBIO	ANOTACION MAXIMA	Cuenta máxima	Símbolo Gen	Descripción Gen
Cfa Affx. 4097.1. S1_s_en	3.06E-02	1.00E+00	0.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a carnitina piruvato (lipoamida) deshidrogenasa quinasa isoenzima 4 (piruvato deshidrogenasa quinasa isoforma4) (LOC482310); ARNm	XM 539427	PDK4	piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 4
Cfa. 16871.1. S1_en	5.07E-02	1.00E+00	0.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia 27 portador de soluto (portador de ácido graso); miembro 6 (LOC474666); ARNm	XM 531894	SLC27A6	familia 27 portador de soluto (portador de ácido graso); miembro 6
CfaAffX.2004.1. S1_s_en	1.11E-02	1.00E+00	0.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia 27 portador de soluto (portador de ácido graso); miembro 6 (LOC474666); ARNm	XM 531894	SLC27A6	familia 27 portador de soluto (portador de ácido graso); miembro 6

ES 2 524 475 T3

Tabla 3: Genes claves asociados con metabolismo de ácidos grasos en animales gordos comparados con animales delgados

Sondas que identifican los genes clave en el tejido adiposo en perros obesos y delgados

SONDA	VALOR P	VALOR Q	FACTOR DE CAMBIO	ANOTACION MAXIMA	Cuenta máxima	Símbolo Gen	Descripción Gen
Cfa. 15225.1.S1_a_en	1.43E-02	2.69E-02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Carnitina O palmitoiltransferasa II; precursor mitocondrial (CPTII) (LOC489585); ARNm	XM 546705	CPT2	Carnitina O palmitoiltransferasa II
Cfa Afx. 20244.1.S1_en	5.18E-05	7.92E-03	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a (piruvato deshidrogenasa (lipoamida) quinasa isoenzima 1; precursor mitocondrial (piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 1) (LOC476828); ARNm	XM 534032	PDK1	piruvato deshidrogenasa quinasa isoenzima 1
Cfa. 13227.1.a1 sen	2.22E-02	3.31E-02	0.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a una muy larga cadena de Acyl-CoA sintetizado (extensa cadena de ácido graso CoA ligasa); variante de transcripción 2 (LOC478298); ARNm	XM 857161	SLC27A2	portador de soluto familia 27 (transportador de ácido graso) miembro 2

Tabla 3: Genes claves asociados con metabolismo de ácidos grasos en animales gordos comparados con animales delgados

Sondas que identifican los genes clave en el tejido adiposo en perros obesos y delgados

SONDA	VALOR P	VALOR Q	FACTOR DE CAMBIO	ANOTACION MAXIMA	Cuenta máxima	Símbolo Gen	Descripción Gen
Cfa. 17202.1. S1_en	4.69E-03	1.73E-02	0.74	Bos taurus ELOVL miembro de familia 5; elongación de la extensa cadena de ácidos grasos (FEN1/Elo2; SUR4/Elo3-similar; levadura); ARNm (ADNc clon MGC:128086 imahen:7988977); Cds completos	BC105391	ELOVL5	ELOVL miembro de familia 5; elongación de la extensa cadena de ácidos grasos (FEN1/Elo2; SUR4/Elo3-similar; levadura)
Cfa Affx. 4290.1. S1s_en	5.85E-02	5.56E-02	0.74	Pongo abelii ARNm; ADNc DKFp469M0522 (origen clon DKFZ9469M0522)	CR857140	ELOVL5	ELOVL miembro de familia 5; elongación de la extensa cadena de ácidos grasos (FEN1/Elo2; SUR4/Elo3-similar; levadura)

Ejemplo 2

Determinar el efecto de sustancias o ingredientes diversos en la expresión génica en líneas celulares caninas

- 5 Se utilizaron el Affymetrix canino GeneChips® Canine-1 y Canine-2 (Canine-2 reemplazó el Canine-1) para determinar el efecto de diversas sustancias de prueba o ingredientes tales como los MCT; TAG; ALA; EPA; DHA; ácido linoleico (LA); Ácido araquidónico (ARA); ácido esteárico (SA), ácido Mirístico (MA), ácido linoleico conjugado (CLA), GLA; ácido araquidónico; lecitina; vitamina A, vitamina D, vitamina E, vitamina K, riboflavina, niacina, piridoxina, ácido pantoténico, ácido fólico, biotina vitamina C, catequina, quercetina, teaflavina; ubiquinona; licopeno, licoxantina; resveratrol; ácido α-lipoico; L-carnitina; D-limoneno; glucosamina; S-adenosilmetionina; quitosano,
- 10 diversos materiales que contienen uno o más de estos compuestos, y diversas combinaciones de los mismos sobre la expresión génica en cuatro líneas celulares caninas y controles apropiados. Cada ingrediente es probado en dos concentraciones, tal como se ilustra para los ingredientes de muestra seleccionados mostrados en la Tabla 6. El solvente en la más alta de las dos concentraciones se utiliza como control. Se utilizan cuatro líneas celulares caninas: CCL34 (riñón), CRL1430 (timo), CCL183 (hueso) (obtenido de la American Tissue Culture Collection) y CTAC (tiroides) (véase, Measurement of NK Activity in Effector Cells Purified from Canine Peripheral Lymphocytes, Veterinary Immunology and Immunopathology, 35 (1993) 239-251). Una línea celular tratada con un ingrediente a una concentración específica se conoce como "tratamiento" y una muestra no tratada se conoce como "control". Las palabras "genes" y "sondas" se utilizan como sinónimos en este método. La expresión génica se mide por las líneas
- 15 celulares de tratamiento y los controles utilizando las instrucciones provistas con los chips de Affymetrix.
- 20

5 Una muestra de los datos obtenidos a partir de estos experimentos se muestra en la Tabla 5. La Tabla 5 muestra el
 id de la sonda, el valor p, las veces del cambio, la anotación superior BLAST hit, el número de acceso del más alto
 BLAST hit, el símbolo del gen y, finalmente la descripción del gen se da en la última columna. Sobre la base de la
 10 condición fisiológica de los caninos (una diagnosis como grasa) y una comparación de la información de las Tablas
 1, 2, 3 y 5, esto es, observando los genes que están influenciados por una sustancia o ingrediente de prueba y
 también están expresados diferencialmente en caninos con sobrepeso en comparación con los caninos delgados, se
 creería que una fórmula nutricional útil para la selección y la preparación de una composición alimenticia para los
 caninos con sobrepeso para contener uno o más de los siguientes ingredientes en las siguientes cantidades
 (cantidades in vivo en miligramos por kilogramo de peso corporal por día (mg/kg/día) se basan en la extrapolación
 15 de las cantidades utilizadas in vitro, por ejemplo: DHA - de 1 a 30; EPA - de 1 a 30; Combinación EPA/DHA (relación
 1.5:1) - de 4/2 a 30/45; ALA - de 10 a 100; LA - de 30 a 600; ARA - de 5 a 50; SA - de 3 a 60 y MA - de 3 a 60. Con
 base en estos datos, una composición de alimentos y relacionada con la dieta que contiene uno o más de estos
 ingredientes puede ser preparada y utilizada para regular los genes que son expresados diferencialmente en los
 animales con sobrepeso en comparación con los animales delgados. Tal regulación hará que la modulación de la
 cantidad de tejido adiposo en el animal y, por lo tanto, en una realización, promueva un cambio a un estado
 deseable o normal (más delgado) y promueva una mejor salud y bienestar del animal.

Tabla 4: Ingredientes probados en líneas celulares caninas

Sustancia	Concentración 1	Concentración 2	Solvente
DHA	0.005 mg/ml (5 micro g/ml)	0.025 mg/ml (25 micro g/ml)	ETOH
EPA	0.005 mg/ml (5 micro g/ml)	0.025 mg/ml (25 micro g/ml)	ETOH
Combinación EPA/DHA	0.015 mg/ml de EPA & 0.010 mg/ml de DHA	0.030 mg/ml de EPA & 0.02 mg/ml de DHA	ETOH
Relación 1.5:1 (similar en aceite de pescado)	(el total es 0.025 mg/ml)	(el total es 0.050 mg/ml)	
Ácido linoleico alfa (ALA)	0.05 mg/ml (50 micro g/ml)	0.1 mg/ml (100 micro g/ml)	ETOH
Ácido Linoleico (LA)	0.1 mg/ml (100 micro g/ml)	0.5 mg/ml (500 micro g/ml)	ETOH
Ácido araquidónico (ARA)	0.025 mg/ml (25 micro g/ml)	0.05 mg/ml (50 micro g/ml)	ETOH
Ácido esteárico (SA)	0.01 mg/ml (10 micro g/ml)	0.05 mg/ml (50 micro g/ml)	ETOH
Ácido mirístico (MA)	0.01 mg/ml (10 micro g/ml)	0.05 mg/ml (50 micro g/ml)	ETOH
Ácido conjugado linoleico	0.02 mg/ml (20 micro g/ml)	0.1 mg/ml (100 micro g/ml)	MEOH

Tabla 5: Resultados de Perfil de Expresión de Estirpes celulares Caninas en la Presencia de los Ingredientes Enumerados

DHA en ETOH (CANINE-1):

5 registros de corte FC: 1.3; Valor P de corte: 0.05

Sonda	Valor P	Cambio - veces	Anotación superior BLAST	Acceso de Hit superior	Símbolo de Gen	Descripción del Gen
1583403 en	4 08E-04	1.56	PREDICHO: carnitina palmitoiltransferasa 1A (CPT1A) de Macaca mulatta; ARNm	XM 001101846	CPT1A	carnitina palmitoiltransferasa 1ª
1605486 en	2 38E-02	1.79	PREDICHO: Canis familiaris similar a [Piruvato deshidrogenasa [lipoamida]] quinasa isozima 4; precursor mitocondrial (Isoforma Piruvato deshidrogenasa quinasa 4) (LOC 482310); ARNm	XM 539427	PDK4	piruvato deshidrogenasa quinasa. isozima 4
1585355 en	3 63E-02	2.01	PREDICHO: Canis familiaris similar a Adipofilina (Proteína relacionada con la diferenciación adiposa) (ADRP); variante transcripta 1 (LOC 474720); ARNm	XM 531946	ADFP	Proteína relacionada con la diferenciación adiposa
1584951 en	4 00E-02	2.03	PREDICHO: Canis familiaris similar a Adipofilina (Proteína relacionada con la diferenciación adiposa) (ADRP); variante transcripta 4 (LOC 474720); ARNm	XM 859697	ADFP	Proteína relacionada con la diferenciación adiposa
1591083 en	8 66E-04	2.9	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 4 similar a angiopoietina (LOC 476724); ARNm	XM 533928	ANGPTL 4	similar a angiopoietina 4

EPA en ETOH (CANINO-1);

8 registros de corte FC: 1.3; P-

valor de corte: 0.05

Sonda	Valor P	Cambio - veces	Anotación BLAST superior	Conteo de los mejores	Símbolo de Gen	Desc. de Gen
1598533 en	2 69E-02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a Clasificación de nexina 10 (LOC 475261); ARNm	XM 5324.96	SNX10	clasificación de nexina 10

ES 2 524 475 T3

1583403 en	532E-0	1.66	PREDICHO: Carnitina palmitoiltransferasa 1A de Macaca mulatta (CPT1A); ARNm	XM 001101846	CPT1A	carnitina palmitoiltransferasa1A
1582824 en	405E-03	1.75	PREDICHO: Canis familiaris isoforma I de carnitina palmitoil transferasa (CPT1); ARNm	XM 533208	CPT1A	carnitina palmitoiltransferasa1A (hígado)
1605486 en	4 00E-03	1.84	PREDICHO: Canis familiaris similar a [Piruvato deshidrogenasa [lipoamida]] quinasa isozima 4; precursor mitocondrial (Isoforma Piruvato deshidrogenasa quinasa) (LOC 482310); ARNm	XM 539427	PDK4	piruvato deshidrogenasa quinasa. isozima 4
1584951 en	2 21E-02	2.25	PREDICHO: Canis familiaris similar a Adipofilina (Proteína relacionada con la diferenciación adiposa) (ADRP); variante transcripta 4 (LOC 474720); ARNm	XM 859697	ADFP	Proteína relacionada con la diferenciación adiposa
1585355 en	1 38E-02	2.25	PREDICHO: Canis familiaris similar a Adipofilina (Proteína relacionada con la diferenciación adiposa) (ADRP); variante transcripta 1 (LOC 474720); ARNm	XM 531946	ADFP	Proteína relacionada con la diferenciación adiposa
1591083 en	3 86E-06	2.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 4 similar a angiopoietina (LOC 476724); ARNm	XM 533928	ANGPTL 4	similar a angiopoietina 4
EPA-DHA Combo 1.5-1						
relación (similar en aceite de pescado) en						
ETOH (CANINO-1);						
24 registros de corte FC: 1.3; Valor P de						
corte: 0.05						
Sonda	Valor P	Cam bio (ilegi ble)	Anotación BLAST superior	Conteo de los mejores	Símbolo de Gen	Desc. de Gen
1583403 en	4.45E-03	2.04	PREDICHO: Macaca mulatta carnitina palmitoiltransferasa 1A (CPT1A); ARNm	XM 001101846	CPT1A	carnitina palmitoiltransferasa 1A
1597510 en	4 84E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a Clasificación de nexina 8 (LOC 479767); ARNm	XM 536895	SNX8	clasificación de nexina 8

ES 2 524 475 T3

1585792 en	5.42E-04	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a flavoproteína de transferencia electrónica; isoforma de beta polipéptido 1; variante transcripta 1 (LOC 476400); ARNm	XM 5336 03	ETFB	flavoproteína de transferencia electrónica, isoforma de beta polipéptido
1584951 en	105E-03	3.97	PREDICHO: Canis familiaris similar a Adipofilina (Proteína relacionada con la diferenciación adiposa) (ADRP); variante transcripta 4 (LOC 474720); ARNm	XM 8596 97	ADFP	Proteína relacionada con la diferenciación adiposa
1584611 en	2.41E-02	-1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad de 2-oxoisovalerato deshidrogenasa beta; precursor mitocondrial (Cadena beta de componente E1 `deshidrogenasa de ácido alfa- ceto de cadena ramificada) (BCKDH E1- beta) (LOC 474978); ARNm	XM 5322 13	BCKDHB	E1 `deshidrogenasa de ácido alfa- ceto de cadena ramificada, polipéptido beta
<p>Ácido alfa-linolénico en ETOH (CANINO-1); 78 registros de corte FC: 1.3; Valor P de corte: 0.05</p>						
Sonda	Valor P	Cam bio (ilegible)	Anotación BLAST superior	Conteo de los mejores	Símbolo de Gen	Desc. de Gen
1603697 en	188E-02	1.38	PREDICHO: Bos taurus similar a aminopeptidasa sensible a puromicina; variante transcripta 2 (NPEPPS); ARNm	XM 8696 45	NPEPPS	aminopeptidasa sensible a puromicina
1605401 en	2.73E-02	1.47	Homo sapiens colágeno; tipo IV; alfa 3 (antígeno Goodpasture) proteína de unión (COL4A3BP); variante transcripta 1; ARNm	NM 0057 13	COL4A3 B	alfa 3 (antígeno Goodpasture) proteína de unión
1603995 en	9 27E-03	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de ribonucleoproteína nuclear heterogénea H3; variante transcripta 1 (LOC 479227); ARNm	XM 5363 69	HNRNPH 3	ribonucleoproteína nuclear heterogénea H3 (2H9)
1596344 en	2.10E-02	1.43	Gen que transforma célula epitelial 1 de Bos taurus; ARNm (clon ADNc MGC:127767 IMAGEN:7956312); cds completo	BC102858	NET1	Gen que transforma célula epitelial 1

ES 2 524 475 T3

1590524 en	282E-02	-1.4	PREDICHO: Equus caballus similar a engulment y movilidad celular 1; variante transcripta 1 (LOC 100055551); ARNm	XM 0015 01263	LOC1000 55551	Proteína hipotética LO100055551
1597449 x en	3.16E- 02	1.49	ADN de construcción sintética; clon; pF1KSDA0016; gen TOMM20 de Homo sapiens para translocasa de homólogo 20 de membrana mitocondrial externa; cds completo, sin codón de parada; en sistema Flexi	AB383705		
1585402 en	4.17E- 02	1.34	ADNc de Homo sapiens FU36515 fis; clon TRACH2001810	AK093834		
1598681 en	4 86E- 02	-1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG5038-PA (LOC 476977); ARNm	XM 5341 77	TMTC4	Transmembrana y repetición de tetratricopéptido que contiene 4
1604212 en	3 23E- 03	1.68	PREDICHO: Macaca mulatta similar a Clasificación de nexina 10; variante transcripta 1 (SNX10); ARNm	XM 0010 93939	SNX10	clasificación de nexina 10
1593517 en	4.73E- 02	1.31	PREDICHO: Macaca mulatta similar a repetición WD y dominio FYVE que contiene 1 (LOC 706913); ARNm	XR 01360 3	LOC7069 13	similar a repetición WD y dominio FYVE que contiene 1
1603578 en	2 89E- 03	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno CD63 (antígeno asociado a Melanoma ME491) (glicoproteína 3 de membrana asociada a Lisosoma) (LAMP-3) (Antígeno asociado a melanoma ocular) (OMA81H) (Granulofisina) (Tetraspanina-30) (Tspan-30) (LOC 474391); ARNm	XM 5316 24	CD63	Molécula CD63
1594326 s en	1 56E- 02	1.46	Homólogo mutado de Bos taurus (ratón); ARNm (clon de ADNc MGC:159907 IMAGEN: 8493721); cds completo	BC146091	MUTED	Homólogo mutado (ratón)
1604895 en	4 51E- 02	1.54	ADNc de cerebro de Macaca fascicularis; clon: QtrA-16528	AB174397		
1592641 en	264E-02	1.41	Clon de ADNc de cerebro de Macaca fascicularis: Otra 16204; similar al miembro 1 de la familia de portador de soluto humano 20 (transportador de fosfato); (SLC20A1); ARNm; RefSeq: NM_005415.3	AB174339		

ES 2 524 475 T3

1582469 en	1.72E-02	1.52	ARNm de Sus scrofa; clon: AMP010033D02; expresado en macrófago alveolar	AK230731		
1592640 en	3.79E-02	1.53	PREDICHO: Macaca mulatta similar al miembro 1 de la familia de portador de soluto 20 (transportador de fosfato); variante transcripta 4 (LOC 699462); ARNm	XM 0010 89376	LOC6994 62	miembro 1 de la familia de portador de soluto 20 (transportador de fosfato)
1595929 en	3 38E-02	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a calreticulina; variante transcripta 1 (LOC 476694); ARNm	XM 5338 99	CALR	Calreticulina
1592116 en	8 58E-03	2.01	PREDICHO: Canis familiaris similar a cristalina; zeta; variante transcripta 1, (LOC 611431); ARNm	XM 8487 04	LOC6114 31	similar a cristalina, zeta
1592888 en	2 32E-03	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a supresor de alelo G2 de SKP1 (LOC 609605); ARNm	XM 8468 93	SUGT1	SGT1, supresor de alelo G2 de SKP1 (S. cerevisiae)
1585238 en	4.17E-02	1.49	PREDICHO: Macaca mulatta de quinasa 5 dependiente de ciclina; subunidad reguladora 1; variante transcripta 2 (CDK5R1); ARNm	XM 0011 13136	CDK5R1	quinasa 5 dependiente de ciclina, subunidad reguladora 1
1601402 en	1.71E-02	1.58	PREDICHO: Canis familiaris similar transportador de anión orgánico multiespecífico canalicular 2 (proteína asociada a unión de ATP con resistencia a multifármaco 3) (transportador de anión orgánico multiespecífico D) (MOAT-D) (LOC 491084); ARNm	XM 5482 04	ABCC3	Casete de unión a ATP, subfamilia C (CFTR/MRP), miembro 3
1598427 en	1 50E-02	1.31	Clon de ADNc de cerebro de Macaca fascicularis: Qf1A-17566; similar a proteína hipotética humana LOC284214 (LOC 284214); ARNm; RefSeq: XM_378734.1	AB172300		
1605773 en	3 88E-02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris proteína mitocondrial hipotética LOC610171; variante transcripta 2 (LOC 610171); ARNm	XM 8618 81	TOMM5	Translocasa de homólogo de membrana mitocondrial externa 5 (levadura)
1586485 en	1.47E-02	1.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1458-PA (LOC 610084); ARNm	XM 8474 82	CISD2	Dominio 2 de sulfuro de hierro CDGSH

ES 2 524 475 T3

1604582 s en	3.45E- 02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a 5-nucleotidasa; isoforma 2 citosólica III; variante transcripta 3 (LOC 475277); ARNm	XM 8599 90	NT5C3	5'-nucleotidasa, citosólica III
1585056 en	4.99E- 02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar isoforma a de cajalina 2 (LOC 482621); ARNm	XM 5397 38	ANKS1 B	Repetición de ancrina y dominio de motivo alfa estéril que contiene 1B
1584435 en	4 62E- 02	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo de dedos fusionados; variante transcripta 2 (LOC 478126); ARNm	XM 8582 35	AKTIP	Proteína que interactúa con AKT
1598533 en	8 89E- 03	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a Clasificación de nexina 10 (LOC 475261); ARNm	XM 5324 96	SNX10	clasificación de nexina 10
1589037 en	3.90E- 02	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión poli(A) que interactúa con la proteína 1; variante transcripta 1 (LOC 479343); ARNm	XM 5364 82	PAIP1	proteína de unión poli(A) que interactúa con la proteína 1
1585877 en	3 62E- 02	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 5 de unión de dominio SH3 (proteína d unión a dominio SH3 que se asocia preferiblemente con BTK) (LOC 485657); ARNm	XM 5427 77	SH3BP5	proteína 5 de unión de dominio SH3 (BTK asociado)
1592753 s en	3 24E- 02	1.81	PREDICHO: Canis familiaris similar a reductasa 4 carbónica (LOC 477352); ARNm	XM 5345 47	CBR4	Carbonil reductasa 4
1583742 en	2.98E- 02	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a leucotrieno dependiente de NADP B4 12-hidroxideshidrogenasa (15-oxoprostaglandin 13-reductasa); variante transcripta 4 (LOC 474802); ARNm	XM 8624 85	PTGR1	Prostaglandina reductasa 1
1586256 en	2 22E- 02	-1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C transformante que contiene 2 dominio de homología src; variante transcripta 1 (LOC 490439); ARNm	XM 5475 61	SHC1	proteína transformante 1 SHC (que contiene dominio 2 de homología src)
1591376 s en	3.92E- 02	1.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a Proteína KIAA0256; variante transcripta 1 (LOC 487547); ARNm	XM 5446 72	1 LOC4875 47	similar a Proteína KIAA0256
1599766 s en	2 38E- 02	1.36	Sus scrofa ARNm; clon:OVRM 10110E11; expresado en ovario	AK235738		

ES 2 524 475 T3

1597114 en	2 26E- 02	-1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma d de proteína 5 asociada a E1B 55kDa; variante transcripta 11 (LOC 476452); ARNm	XM 8614 93	HNRNPU L1	Ribonucleoproteína nuclear heterogénea similar a 1
1588641 en	1.92E- 03	-1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a Clasificación de nexina 9 (LOC 476254); ARNm	XM 5334 60	SNX9	clasificación de nexina 9
1588829 en	4 80E- 02	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a Tetraspanin-a6 (Tspan-6) (miembro 6 de superfamilia Transmembrana 4) (proteína T245) (Tetraspanina TM4-D) (homóloga A15); variante transcripta 3 (LOC 480981); ARNm	XM 8561 76	TSPAN6	tetraspanina 6
1593131 s en	2 23E- 02	1.39	Canis lupus familiaris molécula CD47; ARNm	NM 0010 80721	(CD47)	molécula CD47
1582468 en	4 23E- 02	1.46	Canis familiaris, gen transportador de CMP-ácido siálico; cds completo	AY064407	LC35A1	familia de portador de soluto 35 (transportador de CMP-ácido siálico), miembro A1
1591083 en	3 00E- 02	2.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 4 similar a angiopoietina (LOC 476724); ARNm	XM 5339 28	ANGP TL4	proteína 4 similar a angiopoietina
1583375 x en	4.75E- 02	1.94	PREDICHO: Canis familiaris similar a beta globina (LOC 480784); ARNm	XM 5379 02	LOC4807 84	similar a beta globina
1588410 en	3.78E- 02	1.37	PREDICHO: Canis familiaris, enzima málica 1; NADP(+)-dependiente; citosólica (ME1); ARNm	XM 5322 17	ME1	enzima málica 1; NADP(+)-dependiente; citosólica
1603290 s en	2.93E-0	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 22 de dedo complejo de integrador de PHD (LOC 487889); ARNm	XM 5450 12	INTS12	Subunidad de complejo integrador 12
1603289 en	9 50E- 02	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 22 de dedo complejo de integrador de PHD (LOC 487889); ARNm	XM 5450 12	INTS12	Subunidad de complejo integrador 12

ES 2 524 475 T3

Tabla 6: Genes expresados diferencialmente en linfocitos de animales gordos en ya sea una dieta alta en proteína o la misma dieta con aceite de pescado agregado

Dieta 71341 vs 66934 d113 Corte Fc de todos los genes: 1.3; corte valor P:0.01; corte valor Q: 1							
# de muestra del grupo 1 (Dieta de alta proteína con aceite de pescado):5 grupo 2 (dieta alta en proteína): 4							
Sonda	Valor P	Valor Q	Cambio-veces	Anotación BLAST superior	Ferrocitina	Conteo de los mejores	Símbolo de Gen Desc. de Gen
Cfa. 5598.1.A1_s_en	7.31E-02	4.54E-01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a Septina-2 (proteína homóloga NEDDS) (LOC487886); ARNm	984	. XM 846816	2-Sep Septina 2
Cfa. 19142.1.S1_s_en	7.55E-02	4.54E-01	1.59	PREDICHO: Equus caballus septina 7 (SEPT7); ARNm	958	. XM 001500153	7-Sep Septina 7
Cfa. 10334.1.A1_en	7.43E-02	4.54E-01	1.35	Homo sapiens septina 11 (SEPT11); ARNm	797	. NM 018243	11-Sep Septia11
Cfa. 3030.1.A1_en	1.38E-02	4.46E-01	1.41	Mus musculus macho adultos ADNc hipocampo; librería completa de tamaño completo RIKEN; clone:2900054C01 producto: no clasificable: secuencia completa de inserción	796	. 9 AK013682	2900054C01 Rik RIKEN ADNc gene 2900054C01
Cfa Affx. 4198.1.S1_en	1.11E-02	4.46E-01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a 2-aminoadipato 6-semialdehído deshidrogenasa; variante transcrita 1 (LOC482159); ARNm	100	. XM 539278	AASDH aminoadipato semialdehído deshidrogenasa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2510.1. S1_en	2.00 E- 02	4.46E -01	1.47	PREDICHO: Pan troglodytes aminoadipatosemialdehído deshidrogenasafosfopanteteinil transferasa (AASDHPPT); ARNm	3 6 . XM 6 508734	AASDHPPT	aminoadipatosemialdehído deshidrogenasafosfopanteteinil transferasa
Cfa Affx. 6230.1. S1_en	3.76 E- 02	4.46E -01	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a aminoadipatosemialdehído sintetasa (LOC482429); ARNm	1 0 XM 0 539546	AASS	aminoadipatosemialdehído sintetasa
Cfa. 4754.1.A1_en	4.28 E- 03	4.46E -01	1.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a casete de unión ATP; subfamilia A; miembro 6 isoforma a; variante transcripta 1 (LOC480456); ARNm	1 0 XM 0 537574	ABCA6	casete de unión ATP; subfamilia A (ABC1); miembro 6
Cfa. 19800.1. S1_s_en	2.47 E- 02	4.45E -01	1.57	Familias similar a casete de unión ATP; subfamilia E; miembro 1 (inhibidor RNase L) (inhibidor ribonucleasa 4) (RNS4I); variante transcripta 1 (LOC475454); ARNm	9 5 . XM 9 532679	ABCE1	casete de unión ATP; subfamilia E (OABP); miembro 1
Cfa Affx. 27934.1. S1_s_en	4.27 E- 02	4.47E -01	1.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio de hidrolasa alfa/beta conteniendo proteína 3 (LOC480177); ARNm	9 8 . XM 6 537301	ABHD3	Ab hidrolasa dominio contiene 3
Cfa. 20999.1. S1_s_en	7.52 E- 02	4.54E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a abl -interactor 1 isoforma C; variante transcriptor 20 (LOC607247); ARNm	9 9 . XM 2 853138	ABI1	abl -interactor 1
Cfa Affx. 7474.1. S1_s_en	3.62 E- 02	4.46E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a abl -interactor 1 isoforma C; variante transcriptor 20 (LOC607247); ARNm	1 0 XM 0 852773	ABI1	abl -interactor 1
Cfa Affx. 14971.1. S1_s_en	6.13 E- 02	4.50E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a familiar del gen ABI; miembro 3 (NESH) isoforma 2 proteína de unión (LOC478544); ARNm	7 1 . XM 1 535721	ABI3BP	familiar del gen ABI; miembro 3 (NESH) proteína de unión
Cfa. 10796.1. S1_en	1.46 E- 02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a LIM proteína 1 actina de unión isoforma s; variante transcripta 2 (LOC477828); ARNm	1 0 XM 0 535022	ABLIM1	LIM proteína 1 Actina de unión
Cfa. 18661.1. S1_s_en	1.43 E- 02	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a LIM proteína 1 actina de unión isoforma s; variante transcripta 3 (LOC477828); ARNm	1 0 XM 0 859794	ABLIM1	LIM proteína 1 Actina de unión

ES 2 524 475 T3

Cfa 18010.1. S1_s_en	Affx. E-02	4.98 E-02	4.48E-01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a LIM proteína 1 actina de unión isoforma s; variante transcripta 4 (LOC477828); ARNm	100	XM 859813	ABLIM1	LIM proteína 1 Actina de unión
Cfa. 18249.1. S1_s_en		2.52 E-02	4.46E-01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a activador de musculo estriado de Rho-dependiente de señalización (LOC481999); ARNm	983	XM 539120	ABRA	Actina de unión Rho proteína activada
Cfa 7032.1S1_en	Affx. E-02	2.21 E-02	4.46E-01	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetir anquirina y BTB (POZ) dominio contiene 1 isoforma 2 (LOC609299); ARNm	100	XM 846538	ABTB1	repetir anquirina y BTB (POZ) dominio contiene 1
Cfa. 1658.1. S1_a_en		1.30 E-02	4.46E-01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a especifica media-cadena de Acilo-CoA deshidrogenasa; precursor mitocondrial (MCAD) (LOC490207); ARNm	100	XM 547328	ACADM	Acilo-Coenzima A deshidrogenasa C-4 a C-12 cadena lineal
Cfa 31225.1. S1_s_en	Affx. E-02	3.89 E-02	4.46E-01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a especifica media-cadena de Acilo-CoA deshidrogenasa; precursor mitocondrial (MCAD) (LOC490207); ARNm	100	XM 547328	ACADM	Acilo-Coenzima A deshidrogenasa C-4 a C-12 cadena lineal
Cfa. 1502.1. S1_en		2.05 E-02	4.46E-01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a Acetilo-CoAcetiltransferasa; precursor mitocondrial (Acetoacetilo-CoAtiolasa) (T2) (LOC489421); ARNm	946	XM 546539	ACAT1	Acetilo-Coenzima A acetiltransferasa 1
Cfa 25757.1. S1_en	Affx. E-02	2.69 E-02	4.46E-01	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Peroxisomal acilo-coenzima A hidrolasa tioéster 2a (peroxisomal cadena larga acilo-CoAtioesterasa 2) (ZAP128) (CTE-Ia) (LOC490770); ARNm	100	XM 547892	ACOT2	acilo-CoAtioesterasa 2
Cfa 11797.1. S1_s_en	Affx. E-02	2.90 E-02	4.46E-01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Acilo-coenzima A oxidasa 2; peroxisomal (Cadena ramificada acilo-CoA oxidasa) (BRCACoX) (trihidroxiCoprostanol-CoA oxidasa) (THCCoX0 (THCA-CoA oxidasa) (LOC484710); ARNm	100	XM 541826	ACOX2	Cadena ramificada de Acilo-coenzima A oxidasa 2
Cfa 10344.1. S1_en	Affx. E-03	6.48 E-03	4.46E-01	0.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a ácido fosfatasa, próstata isoforma 1 (LOC485662); ARNm	998	XM 542782	ACPP	ácido fosfatasa, próstata

ES 2 524 475 T3

Cfaaffx.27545.1 S1_en	1.66 E- 02	4.46E -01	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Acetilo-coenzima A sintetasa) (Acetato-CoA ligasa) (enzima Acilo-activa) (Acetilo-CoA sintetasa) (ACS) (AceCS) (LOC609009); ARNm	1 0 0	XM 846187	ACSM5	Acyl-CoA sintetasa cadena media miembro de la familia 5
Cfa. 10333.1.A1_en	8.49 E- 02	4.57E -01	1.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6432-PA (LOC475414); ARNm	1 0 0	XM 532637	ACSS3	Acyl-CoA sintetasa cadena corta miembro de la familia 3
Cfa Affx. 17722.1. S1_s_en	4.28 E- 03	4.46E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a Actina como proteína 6A (53 kDa BRG1 factor asociado A) (Actina relacionada a proteína Baf53a) (ArpNbeta) variante transcripta 3 (LOC478637); ARNm	9 9 .	XM 843131	ACTLE6A	Similar a Actina 6A
Cfa. 17841.1. S1_s_en	1.04 E- 02	4.46E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a actinina; alfa 4; variante transcripta 7 (LOC484526); ARNm	9 6 .	XM 862287	ACTN4	actinina; alfa 4
Cfa. 10338.1. S1_en	1.22 E- 02	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a Actin relacionado a proteína 10 (hARP11); variante transcripta 1 (LOC480337); ARNm	9 9 .	XM 537459	ACTR10	Actin relacionado a proteína 10 homóloga (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 11001.1. S1_en	2.43 E- 02	4.46E -01	1.45	Relacionada a proteína 6 homóloga (levadura); ARNm (ADNc clon MGC:166308 imagen:8625002); Cds completos	7 5 .	BC14623 68	ACTR6	Proteína 6 relacionada a ARP6 actina homólogo (levadura)
Cfa. 9426.1. S1_s_en	5.09 E- 02	4.48E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 6 relacionada a ARP6 actina homólogo; variante transcripta 2 (LOC475439); ARNm	8 1 .	XM 847830	ACTR6	Proteína 6 relacionada a ARP6 actina homólogo (levadura)
Cfa Affx. 20774.1. S1_en	4.16 E- 03	4.46E -01	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a metaloproteínasa y desintegrina dominio precursor (LOC491699); ARNm	7 3 .	XM 548820	ADAM8	ADAM metaloproteínasa dominio 8
Cfa. 2566.1. S1_s_en	6.87 E- 02	4.53E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3 similar a ADAMTS (LOC479060); ARNm	9 9 .	XM 536209	ADAMTSL3	3 similar a ADAMTS

ES 2 524 475 T3

Cfa. 1269.1. S1_en	2.35 E- 02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a adducina 3 (gamma) isoforma b; variante transcripta 11 (LOC486881); ARNm	9 4 . XM 5 859189	ADD3	Adducin 3 (gamma)
Cfa Affx. 16720.1. S1_s_en	3.07 E- 02	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a adducina 3 (gamma) isoforma b; variante transcripta 11 (LOC486881); ARNm	9 8 . XM 7 859166	ADD3	Adducin 3 (gamma)
Cfa Affx. 11851.1. S1_en	2.69 E- 02	4.46E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a deshidrogenasa de alcohol; hierro conteniendo 1; variante transcripta 3 (LOC477899); ARNm	1 0 XM 0 844355	ADHFE1	deshidrogenasa de alcohol; hierro conteniendo 1
Cfa. 19041.1. S1_en	3.78 E- 02	4.46E -01	1.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa adenosina; variante transcripta 1 (LOC479253); ARNm	5 1 . XM 5 536396	ADK	quinasa adenosina
Cfa. 3770.1. S1_en	1.67 E- 02	4.46E -01	1.33	C. familiaris ARNm para receptor beta 2-adrenérgicos	9 4 . XM 7 X94608	ADRB2	Superficie receptora beta 2-adrenérgicos
Cfa. 17138.1. S1_en	4.35 E- 02	4.47E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa 1 receptor de Beta-adrenérgicos (Beta-ARK-1) (quinasa 2 receptor duplicada de proteína-G); variante transcripta 4 (LOC483701); ARNm	1 0 XM85993 0 5	ADRNK1	quinasa 1 receptor de Beta-adrenérgicos
cfa.12520.1.A1 _s_en	1.64 E- 02	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a liasa adenilosuccinato; variante transcripta 1 (LOC474499); ARNm	99.5 XM 531727	ADSL	liasa adenilosuccinato
cfa.19535.1. S1_en	2.26 E- 02	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a adenilosuccinato sintetasa 2 (ligasa 2 IMP-aspartato) (AdSS 2) (AMPSase 2) (LOC480098); ARNm	92.6 XM 537220	ADSS	adenilosuccinato sintetasa
Cfa Affx. 18582.1. S1_en	1.60 E- 02	4.46E -01	0.72	Anopheles gambiae str. PEST AGAP004931-PA (Agap-AGAP004931) ARNm; Cds completos	43.8 XM 315018	Agap AG AP004 931	AGAP004931-PA

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 2073.1.S1_en	8.58 E- 02	4.58E -01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1-acilo-sn-glicerol-3-fosfato aciltransferasa delta (1-AGP aciltransferasa4) (1-AGPAT 4) (ácido lisofosfatidil coacil transferasa-delta) (LPAAT-delta) (1-aciloglicerol-3 fosfato O- aciltransferasa 4) (LOC612306); ARNm	100	XM 850050	AGPA T4	1-aciloglicerol-3-fosfato O-aciltransferasa4 (ácido lisofosfatidicoacil transferasa-delta)
Cfa. 13638.1.A1_en	6.47 E- 02	4.51E -01	1.3	PREDICHO: troglodytes dihidroxiacetona alquilo variante fosfato sintetasa; transcripta 3 (AGPS); ARNm	90	XM 001154211	AGPS	Dihidroxiacetona alquilo variante fosfato sintetasa
Cfa. 19737.1. S1_en	6.11 E- 02	4.50E -01	1.53	Sapiens receptor de arilo hidrocarbano; ARNm (ADNc clon MGC:87401 Imagen:30342582) Cds completos	64.8	BC070080	AHR	receptor de arilo hidrocarbano
Cfa. 2120.2.S1_en	3.55 E- 02	4.46E -01	1.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a andrógenos-inducido 1 (LOC611677); ARNm	53.6	XM 849376	AIG1	andrógenos-inducido 1
Cfa. 19796.1. S1_en	2.90 -02	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a fusión de dedos del pie homólogo; variante transcripta 1 (LOC478126); ARNm	98.5	XM 535302	AKTIP	AKT proteína interactiva
Cfa. 21376.1. S1.S_en	7.08 E- 02	4.54E -01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a aldehído deshidrogenasa 4A1 precursor(LOC612452); ARNm	97.9	XM 850179	ALDH4 A1	aldehído deshidrogenasa familia 4 miembro A1
Cfa. 21036.1. S1.S_en	6.25 E- 02	4.50E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a aldehído deshidrogenasa 4A1 precursor(LOC612452); ARNm	100	XM 850179	ALDH4 A1	aldehído deshidrogenasa familia 4 miembro A1
CfaAffc.1496.!. S1_s_en	1.50 E- 02	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a antiquitin (LOC481486); ARNm	98.9	XM 538607	ALDH7 A1	aldehído deshidrogenasa familia 7 miembro A1
Cfa. 403.1.A1_s_en	1.01 E- 02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a antiquitin (LOC481486); ARNm	99.3	XM 538607	ALDH7 A1	aldehído deshidrogenasa familia 7 miembro A1
Cfa. 403.1.A1_en	3.72 E- 02	4.46E -01	1.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a antiquitin (LOC481486); ARNm	100	XM 538607	ALDH7 A1	aldehído deshidrogenasa familia 7 miembro A1

ES 2 524 475 T3

Cfa. 12285.1.A1_s_ en	4.31 E- 02	4.47E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a alfa 1; isoforma 1 3-manosiltransferasa ALG2 (LOC474780); ARNm	99.1	XM 532010	ALG2	Asparagina vinculado glicosilación 2(S. cerevisiae alfa-1, 3-manosiltransferasa)
cfa.12285.1.A1_ en	2.08 E- 02	4.46E -01	1.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a alfa 1; isoforma 1 3-manosiltransferasa ALG2 (LOC474780); ARNm	100	XM 532010	ALG2	Asparagina vinculado glicosilación 2(S. cerevisiae alfa-1, 3-manosiltransferasa)
Cfa. Afx. 4666.1. S1_ en	3.41 E- 02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a alfa 1; isoforma 1 manosiltransferasa ALG2 (LOC474780); ARNm	100	XM 532010	ALG2	Asparagina vinculado glicosilación 2(S. cerevisiae alfa-1, 3-manosiltransferasa)
Cfa Afx. 28581.1. S1_ en	3.86 E- 02	4.46E -01	1.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a Dolicil pirofosfato Man9GICNAc2 alfa-1; 3-glucosiltransferasa (Dolicil-P-Glc:Man9GICNAc2-PP-dolicilglucosiltransferasa) (LOC609974); ARNm	100	XM 847338	ALG6	Asparagina vinculada a glicosilación 6 homóloga (S. cerevisiae, alfa-1, 3-glucosiltransferasa)
Cfa. 1139.1.A1_ en	3.86 E- 02	4.46E -01	1.36	PREDICHO: Pan troglodytes hipotético LOC459598; variante transcripta 4 (LOC459598); ARNm	92	XM 515780	AMME CR1L	AMME región cromosómico gen similar a 1
Cfa. 17250.1S1_s_ e n	1.74 E- 02	4.46E -01	0.74	Familiaris similar a Anafase promoviendo complejo de subunidad 2 (APC2) (Ciclosoma subunidad 2) (LOC491236); ARNm	99.7	XM 548357	ANAP C2	Anafase promoviendo complejo de subunidad 2
Cfa Afx. 9522.1. S1_s_ en	8.48 E- 02	4.57E -01	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a anquirina 1 isoforma 3 (LOC482842); ARNm	10 0	XM 539957	ANK1	anquirina 1, eritrocítica
Cfa. 9634.1.A1_ en	3.87 E- 02	4.46E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetir anquirina; familia A (similar a RFXANK); 2; variante transcripta 2 (LOC478097); ARNm	95 .8	XM 857185	ANKRA 2	repetir anquirina; familia A (similar a RFXANK); 2
Cfa Afx. 13070.1. S1_ en	9.25 E- 02	4.62E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetir anquirina; familia A (similar a RFXANK); 2; variante transcripta 1 (LOC478097); ARNm	10 0	XM 535273	ANKRA 2	repetir anquirina; familia A (similar a RFXANK); 2
Cfa. 17993.1. S1_ en	9.77 E- 02	4.64E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetir anquirina dominio 13C (LOC490215); ARNm	63	XM 547336	ANKRD 13C	repetir anquirina dominio 13C

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 18265.1. S1_en	7.43 E- 02	4.54E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a ácido (Rica-leucina) familia fosfoproteína 32 nuclear; miembro E (LOC475834); ARNm	10 0	XM 533043	ANP32E	ácido (Rica-leucina) familia fosfoproteína 32 nuclear; miembro E
Cfa. 3774.1.a1_s_en	8.84 E- 02	4.59E -01	0.66	PREDICHO: Canis familiaris variante aminopeptidasa N; transcripta 3 (APN); ARNm	10 0	XM 854733	ANPEP	Alanilo (membrana) aminopeptidasa
Cfa. 3796.1.A1_s_en	1.56 E- 03	4.46E -01	0.76	C. familiaris ARNm paraanexina XIIIb	97 .7	X80209	ANXA13	Anexina A13
Cfa. 229.1. S1_en	7.42 E- 02	4.54E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a amina oxidasa (que contiene flavina); dominio 2 isoforma a; variante transcripta 2 (LOC478193); ARNm	10 0	XM 861517	AOF2	oxidasa (que contiene flavina); dominio 2
Cfa Affx. 11074.1. S1_s_en	6.98 E- 02	4.53E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a inhibidor 5 de apoptosis; variante transcripta 2 (LOC483413); ARNm	10 0	XM 851505	AP15	inhibidor 5 de apoptosis
Cfa. 11310.1.A1_en	1.86 E- 02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a APAF1 proteína interactiva (LOC475943); ARNm	10 0	XM 533154	APIP	APAF1 proteína interactiva
Cfa. 2457.1. S1_en	4.69 E- 02	4.48E -01	1.41	PREDICHO: Pan troglodytes proteína precursora amiloide beta de unión proteína 2 (APPBP2); ARNm	89 .2	XM 001136833	APPBP2	proteína precursora amiloide beta (cola citoplasmática) proteína 2 de unión
Cfa. 20988.1. S1_s_en	8.60 E- 02	4.58E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a cadena Archain; variante transcripta 2 (LOC479415); ARNm	96	XM 855468	ARCN1	Archain 1
Cfa Affx. 17840.1. S1_s_en	9.57 E- 02	4.36E -01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio 4B interactivo rico AT isoforma 1; variante transcripta 3 (LOC488959); ARNm	100	XM 843623	ARID4B	dominio 4B interactivo rico AT (similar a RBP1)
Cfa. 1032.1A1_en	8.27 E- 03	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a 2 similar a factor de ADP-ribosilación proteína de unión isoforma 1 (LOC611248); ARNm	99.8	XM 848889	ARL2BP	2 similar a factor de ADP-ribosilación proteína de unión
CfaAffX.13885. 1. S1_en	2.68 E- 03	4.46E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a 2 similar a factor de ADP-ribosilación proteína de unión isoforma 1 (LOC611248); ARNm	100	XM 848889	ARL2BP	2 similar a factor de ADP-ribosilación proteína de unión

ES 2 524 475 T3

Cfa. 603.1. S1_en	2.60 E- 02	4.46E -01	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a 6 similar a factor- de ADP-ribosilación interactuando con proteína 2; variante transcripta 7 (LOC475728); ARNm	97.7	XM 858541	ARL6IP 2	a 6 similar a factor de ADP-ribosilación interactuando con proteína 2
Cfa. 9452.1. S1_en	3.21 E- 02	4.46E -01	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a 6 similar a factor- de ADP-ribosilación interactuando con proteína 5; (LOC476559); ARNm	96	XM 533764	ARL6IP 5	6 similar a factor de ADP-ribosilación interactuando con proteína 5
Cfa. 20059.1.A1_en	9.71 E- 03	4.46E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a 6 similar a factor- de ADP-ribosilación interactuando con proteína 5; (LOC476559); ARNm	99.1	XM 533764	ARL6IP 5	6 similar a factor de ADP-ribosilación interactuando con proteína 5
Cfa. 1737.1.A1_en	1.41 E- 02	4.46E -01	1.63	Repite contenido 1; ARNm (ADNc clon MGC:127965 imagen:7954315); Cds completos	33.3	BC103407	ARMC1	Armadillo repite contenido 1
Cfa Affx. 22238.1. S1_en	6.76 E- 02	4.52e -02	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a armadillo repite contenido 6 (LOC484811); ARNm	93.1	XM541927	ARMC6	Armadillo repite contenido 6
Cfa. 18960.1. S1_s_en	3.05 E- 02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a armadillo repite contenido 8; variante de transcripta 15 (LOC485684); ARNm	99.2	XM 860147	ARMC8	Armadillo repite contenido 8
CfaAffX.12981. 1. S1_en	7.52 E- 03	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor nuclear de Aril hidrocarburos translocador-similar a proteína 1 (Cerebro y musculo similar a ARNT 1) (Miembro de PAS proteína 3) (Básico-hélice-giro-hélice PAS huérfano MOP3) (bHLH-PAS proteína JAP3); variante transcripta 2 (LOC476860); ARNm	98.8	XM 846757	ARNTL	receptor nuclear de Aril hidrocarburos similar a translocador
Cfa. 1205.1. S1_en	1.45 E- 02	4.46E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor nuclear de Aril hidrocarburos translocador- similar a proteína 1 (Cerebro y musculo similar a ARNT 1) (Miembro de PAS proteína 3) (Básico-hélice-giro-hélice PAS huérfano MOP3) (bHLH-PAS proteína JAP3); variante transcripta 2 (LOC476860); ARNm	99.8	XM 859353	ARNTL	receptor nuclear de Aril hidrocarburos similar a translocador
Cfa Affx. 17298.1. S1_en	5.37 E- 02	4.50E -01	2.01	TPA_Inf: Canis familiaris ARNm para arilsulfatasa (gen arsg)	99.7	BN00075 8	ARSG	Arilsulfatasa G

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 26949.1. S1_s_en	8.35 E- 02	4.56E -01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetir anquirina y SOCS caja que contiene proteína 2 (predicho); variante transcripta 2 (LOC490836); ARNm	50	XM 849378	ASB2	repetir anquirina y SOCS caja que contiene 2
Cfa. 21224.1. S1_s_en	2.40 E- 02	4.46E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetir anquirina y SOCS caja que contiene proteína 3 (ASB-3); (LOC474592); ARNm	100	XM 531821	ASB3	repetir anquirina y SOCS caja que contiene 3
Cfa. 2140.1.A1_s_e n	1.32 E.02	4.46E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a ASF1 contra silencio de la función 1 homólogo A (LOC476273); ARNm	99.8	XM 533479	ASF1A	ASF1 contra silencio de la función 1 homólogo A (S. cerevisiae)
Cfa. 20089.1. S1_s_en	5.14 E- 03	4.46E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG17486-PA.3 (LOC478838); ARNm	99.3	XM 536000	ASNSD 1	Asparagina sintetasa dominio conteniendo 1
Cfa. 10831.1. S1_s_en	2.03 E- 03	4.46- 01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG17486-PA.3 (LOC478838); ARNm	100	XM 536000	ASNSD 1	Asparagina sintetasa dominio conteniendo 1
Cfa. 8442.1.A1_s_e n	5.20 E- 02	4.48E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar a asparaginasa 1(LOC483789); ARNm	96.9	XM 540910	ASRGL 1	similar a asparaginasa 1
Cfa. 8442.1.A1_en	7.80 E- 02	4.55E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar a asparaginasa 1(LOC483789); ARNm	100	540910	ASRGL 1	similar a asparaginasa 1
Cfa Affx. 2390.1. S1_en	2.17 E- 02	4.46E -01	1.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a dos dominio AAA conteniendo proteína; variante transcripta 2 (LOC475090); ARNm	98.3	XM 845427	ATAD2	Familiar ATPasa, dominio AAA conteniendo 2
Cfa Affx. 29389.1. S1_s_en	3.16 E- 02	4.46E -01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a AAA ATPasa TOB3 (LOC479568); ARNm	100	XM 536708	ATAD3A	Familiar ATPasa, dominio AAA conteniendo 3A
Cfa. 15399.1.A1_en	4.56 E- 02	4.47E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a arginiltransferasa 1 isoforma 1; variante transcripta 4 (LOC486919); ARNm	100	XM 860764	ATE1	arginiltransferasa 1
Cfa Affx. 28602.1. S1_s_en	3.01 E- 02	4.46E -01	1.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a APG4autofagia 4 homólogo C; variante transcripta 1 (LOC489561); ARNm	100	XM 546681	ATG4C	ATG4 autofagia relacionada 4 homólogo C (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 10676.1. S1_en	2.86 E+0 0	4.46E -01	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG16965-PA (LOC483395); ARNm	99.8	XM 540514	ATHL1	ATH1, ácido similar a trehalasa 1 (levadura)

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 10130.1. S1_s_en	5.91 E- 02	4.50E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a transporte de calcio ATPasa 2C1 isoforma 1a; variante transcripta 8 (LOC477066); ARNm	100	XM 858651	ATP2C 1	ATPasa, transportando Ca++ tipo 2C miembro 1
CfaAffx.12618. 1. S1_en	3.70 E- 02	4.46E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a ataxia telangiectasia y proteína Rad3 relacionada; variante transcripta 4 (LOC477101); ARNm	100	XM 860680	ATR	ataxia telangiectasia y Rad3 relacionada
CfaAffX.26396. 1. S1_s_en	5.95 E- 03	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador transcripcional ATRX isoforma 1; variante transcripta 7 (LOC480963); ARNm	37.7	XM 855075	ATRX	Alpha talasemia/retardaci ón mental síndrome X- vinculado (RAD54 homólogo S. cerevisiae)
Cfa Affx. 26397.1. S1_s_en	5.11 E- 02	4.48E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador transcripcional ATRX isoforma 1; variante transcripta 7 (LOC480963); ARNm	55	XM 854886	ATRX	Alpha talasemia/retardaci ón mental síndrome X- vinculado (RAD54 homólogo S. cerevisiae)
CfaAffX.26395. 1. S1_s_en	4.32 E- 02	4.47E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador transcripcional ATRX isoforma 1; variante transcripta 2 (LOC480963); ARNm	68.8	XM 854886	ATRX	Alpha talasemia/retardaci ón mental síndrome X- vinculado (RAD54 homólogo S. cerevisiae)
Cfa. 10959.1.A1_en	1.23 E- 02	4.46E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ataxina-10 (Proteína tipo 10 ataxina espinocerebelosa) (proteína cerebral E46 homóloga); variante transcripta 3 (LOC474467); ARNm	100	XM 851945	ATXN1 0	Ataxina 10
Cfa. 20370.1. S1_s_en	7.75 E- 02	4.55E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a Metilglutaconil-CoAhidratasa; precursor mitocondrial (AU-especifico RNA de unión enoil-CoAhidratasa) (AU-proteína de unión/noil-CoAhidratasa) (LOC476348); ARNm	98.3	XM 533549	AUH	AU RNA proteína de unión / enoil coenzima A hidrotasa
Cfa Affx. 17580.1. S1_s_en	1.67 E- 02	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP-GalNAc:betaGlcNAc beta 1; 3 galactosiltransferasa; polipéptido 2 (LOC479196); ARNm	100	XM 536338	B3GAL NT2	betaGlcNAc beta 1; 3 galactosiltransferas a 2

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 5578.1. S1_s_en	6.05 E- 02	4.50E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP-GlcNAc:betaGal beta-1; 3 N acetilglucosaminiltransferasa 1 (LOC474611); ARNm	99.8	XM 531841	B3GNT 2	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1; 3 N acetilglucosaminiltransferasa 2
Cfa Affx. 12727.1. S1_en	4.14 E- 01	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a beta-1; 3 N acetilglucosaminiltransferasa bGnT-4 (LOC486255); ARNm	100	XM 543380	B3GNT 4	UDP-GlcNAc:betaGal beta-1; 3 N acetilglucosaminiltransferasa 4
Cfa Affx. 1759.1. S1_s_en	2.12 E- 02	4.46E -01	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a HLA-B transcripción 2 asociada; variante transcripta 2 (LOC481713); ARNm	91.1	XM 844311	BAT2	HLA-B transcripción 2 asociada
Cfa. 7385.1. S1_s_en	9.73 E- 02	4.64E -01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a HLA-B transcripción 2 asociada; variante transcripta 1 (LOC481713); ARNm	98.1	XM 538834	BAT2	HLA-B transcripción 2 asociada
Cfa. 21524.1. S1_s_en	8.54 E- 03	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a HLA-B transcripción 2 asociada; variante transcripta 4 (LOC481713); ARNm	98.8	XM 853603	BAT2	HLA-B transcripción 2 asociada
Cfa. 18910.1. S1_s_en	2.80 E- 02	4.46E -01	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Bromodominio adyacente a dedos de zinc dominio 2A (Terminación de transcripción factor-I proteína 5 interactiva) (TTF-I proteína 5 interactiva) (Tip5) (hWALp3); variante transcripta 1 (LOC481116); ARNm	100	XM 538237	BAZ2A	Bromodominio adyacente a dedos de zinc dominio 2A
Cfa Affx. 7103.1. S1_en	4.26 E- 02	4.47E -01	1.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a síndrome 7 de Bardet-Biedl proteína isoforma b; variante transcripta 4 (LOC476092); ARNm	100	XM 8521 28	BBS7	síndrome 7 de Bardet-Biedl
Cfa. 13280.2.S1_s_en	3.89 E- 02	4.46E -01	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a anti estrógeno de resistencia 1 del cáncer de seno (LOC479648); ARNm	100	XM 8478 59	BCAR1	anti estrógeno de resistencia 1 del cáncer de seno
Cfa. 11286.1.A1_en	1.13 E- 04	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 2-oxoisovalerate deshidrogenasa beta; precursor mitocondrial (cadena ramificada alfa-ceto ácido deshidrogenasa E1 componente beta de la cadena) (BCKDH E1-beta) (LOC474978); ARNm	93.7	XM 5322 13	BCKDHA B	cadena ramificada ceto ácido deshidrogenasa E1, beta polipéptido

ES 2 524 475 T3

Cfa. 18456.1. S1_s_en	1.05 E- 02	4.46E -01	1.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 2-oxoisovalerate deshidrogenasa beta; precursor mitocondrial (cadena ramificada alfa-ceto ácido deshidrogenasa E1 componente beta de la cadena) (BCKDH E1-beta) (LOC474978); ARNm	99.8	XM 5322 13	BCKDHB	cadena ramificada ceto ácido deshidrogenasa E1, beta polipéptido
Cfa. 21307.1. S1_en	4.62 E- 02	4.47E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a célula B linfoma/leucemia 10 (B-célula CLL/linfoma 10) (BcL-10) (CED-3/ICH-1 predomina homogéneo regulador similar a E10) (CIPER) (CARD-conteniendo molécula mejorando NfkappaB) (homólogo celular de vCARMEN) (cCARMEN) (Mammalian CARD-conteniendo ... (LOC490183); ARNm	70.4	XM 5473 04	BCL10	Célula-B CII/linfoma 10
Cfa Affx. 31062.1. S1_s_en	5.82 E- 02	4.50E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a célula B linfoma/leucemia 10 (B-célula CLL/linfoma 10) (BcL-10) (CED-3/ICH-1 predomina homogéneo regulador similar a E10-) (CIPER) (CARD-conteniendo molécula mejorando NfkappaB) (homólogo celular de vCARMEN) (cCARMEN) (Mammalian CARD-conteniendo ... (LOC490183); ARNm	98.6	XM 5473 04	BCL10	Célula-B CII/linfoma 10
cfaAffx. 25560.1. S1_en	9.77 E- 02	4.64E -01	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a célula-B CII/linfoma 7C; variante transcrita 3 (LOC479774); ARNm	100	XM 8437 92	BCL7C	Célula-B CII/linfoma 7C
Cfa. 3934.1. S1_en	9.58 E- 02	4.63E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a BcL-2 transcripción asociada factor 1 (Btf); variante transcrita 10 (LOC483999); ARNm	98.4	XM 8554 78	BCLAF1	BcL-2 transcripción asociada factor 1
Cfa. 21584.1. S1_s_en	1.96 E- 02	4.46E -01	1.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a BcL-2 transcripción asociada factor 1 (Btf); variante transcrita 10 (LOC483999); ARNm	100	XM 8553 46	BCLAF1	BcL-2 transcripción asociada factor 1
Cfa Affx. 1327.1. S1_s_en	8.72 E- 02	4.59E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a BcL-2 transcripción asociada factor 1 (Btf); variante transcrita 10 (LOC483999); ARNm	100	XM 8554 78	BCLAF1	BcL-2 transcripción asociada factor 1

ES 2 524 475 T3

Cfa. 4498.2.A1_en	9.25 E-03	4.46E-01	1.4	PREDICHO: Pan troglodytes cerebro expresado X-vinculado 2; variante transcripta 1 (BEX2); ARNm	84.5	XM 0011 3624 6	BEX2	cerebro expresado X-vinculado 2
Cfa Affx. 15522.1. S1_s_en	7.00 E-02	4.53E-01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a BH3 dominio interactivo de muerte agonista isoforma 1 (LOC486607); ARNm	99.8	XM 5437 33	BID	BH3 dominio interactivo de muerte agonista
Cfa. 17984.1. S1_en	9.10 E-02	4.60E-01	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a caja Myc dependiente interactiva de proteína 1 (puente integrador 1) (proteína similar a Anfifisina) (Anfifisina II) (caja Myc dependiente interactiva de proteína-1) (LOC483870); ARNm	100	XM 5409 90	BIN1	puente integrador 1
Cfa. 21359.1. S1_s_en	3.60 E-02	4.46E-01	1.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a caja Myc dependiente interactiva de proteína 1 (puente integrador 1) (proteína similar a Anfifisina-) (Anfifisina II) (caja Myc dependiente interactiva de proteína-1) (LOC483870); ARNm	100	XM 5409 90	BIN1	puente integrador 1
Cfa. 10357.1.A1_en	7.91 E-02	4.55E-01	1.38	PREDICHO: Bos Taurus similar al proteína del síndrome de Bloom (BLM); ARNm	94.4	XM 6138 09	BLM	síndrome de Bloom
CfaAffX.13430.1. S1_s_en	2.95 E-02	4.46E-01	1.62	PREDICHO: Canis familiaris similar a célula-B vinculada (LOC486814); ARNm	100	XM 5439 43	BLNK	Célula-B vinculada
Cfa. 8257.1.A1_en	7.53 E-02	4.54E-01	0.72	Mus musculus biogénesis del lisosoma relacionado con orgánulos del complejo-1; subunidad 1; ARNm (ADNc clon MGC:35972 imagen:535997); Cds completos	90.2	BC0 3466 2	Blo1s1	biogénesis del lisosoma relacionado con orgánulos del complejo-1; subunidad 1
Cfa Affx. 23436.1. S1_en	9.92 E-02	4.65E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a cremallera básica de leucina factor nuclear 1 (LOC490354); ARNm	98.5	XM 5474 75	BLZF1	cremallera básica de leucina factor nuclear 1
Cfa. 19858.1. S1_s_en	6.30 E-02	4.50E-01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a cremallera básica de leucina factor nuclear 1 (LOC490354); ARNm	99.1	XM 5474 75	BLF1	cremallera básica de leucina factor nuclear 1

ES 2 524 475 T3

CfaAffX.7166.1.S1_s_en	3.49 E_0 2	4.46E -01	1.6	Familiaris similar a grupo Policomb anillo de dedo 4 (complejo Policomb complejo de proteína BMI-1) (proteína 51 de ANILLO de dedo); variante transcripta 2 (LOC487097); ARNm	97.2	XM 8442 45	BMI1	oncogén BMI1 anillo de dedo policomb
Cfa. 11221.1.A1_en	2.67 E- 02	4.46E -01	1.71	Familiaris similar a 3(2); 5 bisfosfatonucleotidasa 1 (bisfosfato 3 nucleotidasa 1) (PAP-inositol-1; 4-fosfato) (PIP) (LOC608525); ARNm	100	XM 8455 76	BPNT1	3(2); 5 bisfosfatonucleotidasa 1
Cfa. 11093.1.S1_en	5.40 E- 02	4.50E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína cerebral similar a 44- proteína; variante transcripta 5 (LOC609356); ARNm	99.6	XM 8580 18	BRP44L	proteína cerebral similar a 44-
Cfa Affx. 11934.1S1_en	6.55 E- 02	4.51E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a TATA proteína de unión asociada al factor de unión 172 (TBP-factor asociado 172) (TAF-172) (TAF(II)170) (B-TFIID factor de transcripción asociado a subunidad 170 kDa) (LOC486800); ARNm	100	XM 5439 29	BTAF1	BTAF1 RNA polimerasa II B-TFIID factor de transcripción asociado a 170kDa (Mot1 homólogo S. Cerevisiae)
Cfa. 16454.1.S1_en	6.30 E- 02	4.50E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a Bruton gammaglobulinemia tirosina quinasa; variante transcripta 6 (LOC492019); ARNm	100	XM 8566 82	BTK	Bruton agammaglobulinemia tirosina quinasa
Cfa Affx. 19666.1.S1_en	3.79 E- 02	4.46E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a BUB3 gemación inhibida por bencimidazoles 3 isoforma a; variante transcripta 3 (LOC477857); ARNm	92.9	XM 8475 23	BUB3	BUB3 gemación inhibida por bencimidazoles 3 homólogo (levadura)
Cfa. 12011.1.A1_en	1.80 E- 02	4.46E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a BUB3 gemación inhibida por bencimidazoles 3 isoforma a; variante transcripta 1 (LOC477857); ARNm	100	XM 5350 49	BUB3	BUB3 gemación inhibida por bencimidazoles 3 homólogo (levadura)
Cfa. 673.1.S1_en	1.40 E- 02	4.46E -01	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar a RNA factor de procesamiento 1 (LOC479972); ARNm	100	XM 5370 96	BXDC5	Brix dominio que contiene 5
Cfa. 10332.1.S1_en	1.60 E+0 0	4.46E -01	1.49	Pongo abelii ARNm; ADNc DKFZp459K0926 (origen clon DKFZp459K0926)	31.3	CR8 5806 0	C12orf4	Cromosoma 12 abre marco de lectura 4

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 20797.1. S1_en	4.12 E- 02	4.46E -01	1.39	Bos Taurus cromosoma 1 abre marco de lectura 21 ortólogo; ARNm (ADNc clon MGC:155149 imagen:8483680); Cds completos	59.6	BC1 3341 8	C16H10R F21	Cromosoma 1 abre marco de lectura 21 ortólogo
Cfa. 13656.1.A1_en	6.76 E- 02	4.52E -01	1.52	Homo sapiens ARNm; ADNc DKFZp4518077 (origen clon DKFZp4518077)	49.3	BX6 4762 9	C1orf71	Cromosoma 1 abre marco de lectura 71
Cfa. 1379.1. S1_en	3.40 E- 02	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a subcomponente C1q complemento; A cadena precursora (LOC478194); ARNm	98.5	XM 5353 67	C1QA	componente complemento 1, q subcomponente; A cadena
Cfa. 16472.2.S1_a_ en	6.14 E- 02	4.50E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a subcomponente C1s complemento precursor (C1 esterasa); variante transcripta 2 (LOC486714); ARNm	58.4	XM 8482 27	C1S	componente complemento 1, s subcomponente
Cfa. 12240.1.A1_en	1.29 E- 02	4.46E -01	0.68	Sus scrofa complemento de componente C3 (C3) ARNm; Cds completos	79.2	AF1 5493 3	C3	complemento de componente 3
Cfa. 2266.1. S1_en	1.32 E- 02	4.46E -01	1.64	Bos Taurus cromosoma 12 abre marco de lectura 23 ortólogo; ARNm (ADNc clon MGC:127570 imagen:7949219); Cds completos	87.4	BC1 0336 9	C5H12orf 23	Cromosoma 12 abre marco de lectura 23 ortólogo
Cfa. 4155.1.A1_en	3.93 E- 02	4.46E -01	1.72	Homo sapiens cromosoma 5 abre marco de lectura 33 (C5orf33), variante transcripta 2; ARNm	35.9	NM 1530 13	C5orf33	Cromosoma 5 abre marco de lectura 33
Cfa. 642.1. S1_en	5.47 E- 02	4.50E -01	1.4	Homo sapiens ADNc FLJ12910 fis; clon NT2RP2004412	40.2	AK0 2297 2	C6orf23	Cromosoma 6 abre marco de lectura 211
Cfa. 18190.1. S1_en	877 E_0 2	\$.59E -01	1.38	Homo sapiens cromosoma 7 abre marco de lectura 23; ARNm (ADNc clon MGC:4175 imagen:3634983); Cds completos	88	BC0 0283 7	c7orf23	Cromosoma 7 abre marco de lectura 23
Cfa. 7840.1.A1_en	5.29 E- 02	4.49E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 5 de unión de calcio (LOC484414); ARNm	99.4	XM 5415 29	CABP5	proteína 5 de unión de calcio
Cfa Affx. 24377.1. S1_en	2.79 E- 02	4.46E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a canal de calcio, dependiente de voltaje, subunidad alfa 1F (LOC480915); ARNm	100	XM 5380 35	CACNA1 F	canal de calcio, dependiente de voltaje, tipo L; subunidad alfa 1F

ES 2 524 475 T3

Cfa. 9932.1.A1_en	9.13 E- 02	4.61E -01	1.84	trogodytes canal de calcio, dependiente de voltaje, subunidad beta 4; variante transcripta 2 (CACNB4); ARNm	86.3	XM 0011 3868 5	CACNB4	canal de calcio, dependiente de voltaje, subunidad beta 4
Cfa. 4396.1.A1_en	2.20 E- 02	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa ID dependiente de calcio/calmodulina isoforma 2 (LOC607636); ARNm	94.1	XM 8443 95	CAMK1D	proteína quinasa ID dependiente de calcio/calmodulina
Cfa Affx. 18796.1. S1_en	2.24 E- 03	4.46E -01	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa tipo II dependiente de calcio/calmodulina cadena delta (CaM-quinasa II cadena delta) (CaM quinasa II subunidad delta) (CaMK-II subunidad delta) (LOC610764); ARNm	95.5	XM 8483 13	CAMK2D	proteína quinasa tipo dependiente (CaM quinasa) II delta
Cfa. 4552.1. S1_s_en	1.23 E- 02	4.46E -01	0.4	Canis lupus familiaris catelicidina ARNm; Cds completos	95.4	AY3 9208 0	CAMP	Catelicidinapéptido antimicrobiano
Cfa Affx. 19983.1. S1_en	4.53 E- 02	4.47E -01	0.57	Canis lupus familiaris catelicidina ARNm; Cds completos	100	AY3 9208 9	CAMP	Catelicidinapéptido antimicrobiano
Cfa. 1566.1.A1_en	3.44 E- 02	4.46E -01	1.51	PREDICTED: Canis familiaris similar a proteína TIP120; variante transcripta 5 (LOC474437); ARNm	97.4	XM 5316 67	CAND1	Cullin asociado y nedilación disociado 1
Cfa Affx. 1565.1. S1_s_en	4.12 E- 02	4.46E -01	1.31		98.6	XM 8558 67	CAND1	
Cfa. 21114.1. S1_s_en	3.05 E- 02	4.46E -01	0.74	Familiaris similar a calpaína-1 subunidad catalítica (calpaína-1 Subunidad larga) (proteínasa 1 neutral activada con calcio) (CANP 1) (calpaína tipo-mu) (muCANP) (calpaína-micromolar); variante transcripta 1 (LOC483745); ARNm	100	XM 5408 66	CAPN1	calpaína-1 (mu/l) Subunidad larga
Cfa. 2121.1.A1_en	6.05 E- 02	4.50E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a cromosoma 11 componente de la membrana marcador de superficie 1 isoforma 1; variante transcripta 1 (LOC607420); ARNm	99.8	XM 8441 02	CAPRIN1	Ciclo de célula asociada a proteína 1
Cfa. 18760.1. S1_s_en	3.56 E- 03	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a cisteinil-tRNA sintetasa isoforma c; variante transcripta 1 (LOC475998); ARNm	99.4	XM 5332 05	CARS	cisteinil-tRNA sintetasa

ES 2 524 475 T3

CfaAffC.16071.1. S1_en	4.44 E_0 2	4.47E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a cisteinil-tRNA sintetasa isoforma c; variante transcripta 1 (LOC475998); ARNm	100	XM 5332 05	CARS	cisteinil-tRNA sintetasa
Cfa. 6332.1.A1_en	2.61 E- 02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG8257-PA (LOC476983); ARNm	100	XM 5341 84	CARS2	cisteinil-tRNA sintetasa 2, mitocondrial (putativo)
CfaAffX.12454.1. S1_s_en	2.56 E- 02	4.46E -01	1.81	Canis lupus familiaris ARNm para caspasa-3; Cds completos	99.5	AB0 8558 0	CASP3	Caspasa apoptosis relacionada a cisteína peptidasa 3,
Cfa. 18816.1. S1_en	6.95 E- 03	4.46E -01	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a caspasa 6 isoforma alfa preproteína (LOC487899); ARNm	94.5	XM 5450 22	CASP6	Caspasa apoptosis relacionada a cisteína peptidasa 3,
Cfa. 18816.1. S1_s_en	4.24 E- 02	4.47E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a caspasa 6 isoforma alfa preproteína (LOC487899); ARNm	99.3	XM 5450 22	CASP6	Caspasa apoptosis relacionada a cisteína peptidasa 3,
Cfa Affx. 17770.1. S1_en	7.30 E- 02	4.54E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a caspasa 6 isoforma alfa preproteína (LOC487899); ARNm	100	XM 5450 22	CASP6	Caspasa apoptosis relacionada a cisteína peptidasa 3,
Cfa. 20573.1. S1_en	3.43 E- 02	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a carbónico reductasa 4 (LOC477352); ARNm	100	XM 5345 47	CBR4	carbónico reductasa 4
cfaAffx. 3836.1. S1_en	4.88 E- 02	4.48E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio COBW que contiene la proteína 2 (LOC484176); ARNm	100	XM 5412 92	CBWD2	dominio COBW que contiene 2
Cfa Affx. 5265.1. S1_X_en	3.48 E- 02	4.46E -01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a cromocaja homólogo 3; variante transcripta 5 (LOC482015); ARNm	99.3	XM 8593 82	CBX3	cromocaja homólogo 3 (HP1 homólogo gamma, drosófila)
Cfa. 296.1. S1_en	2.24 E- 03	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a cromocaja homólogo 3; variante transcripta 4 (LOC482015); ARNm	100	XM 8593 68	CBX3	cromocaja homólogo 3 (HP1 homólogo gamma, drosófila)
Cfa Affx. 2035.1. S1_s_en	6.60 E- 02	4.51E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a cromocaja homólogo 3; variante transcripta 5 (LOC482015); ARNm	100	XM 8593 82	CBX3	cromocaja homólogo 3 (HP1 homólogo gamma, drosófila)
CfaAffX.25366.1. S1_s_en	6.67 E- 02	4.51E -01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a putativo NFkB activando proteína; variante transcripta 1 (LOC484911); ARNm	100	XM 5420 27	CC2D1A	Espiral de bobina y C2 dominio que contiene 1A

ES 2 524 475 T3

Cfaaffx.21274.1 S1_en	3.21 E- 02	4.46E -01	1.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a ciclo celular y proteína 1 regulador de apoptosis, variante transcripta 5 (LOC479230); ARNm	100	XM 8555 65	CCAR1	ciclo celular y regulador de apoptosis 1
Cfa. 10456.1.A1_en	7.93 E- 01	4.55E -01	1.33	Familiaris similar a quinurenina aminotransferasa III isoforma 1; variante transcripta 1 (LOC479959); ARNm	94.7	XM 5370 84	CCBL2	Cisteína conjugado-beta liasa 2
Cfa Affx. 3956.1. S1_en	1.87 E- 03	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4996-PA (LOC475228); ARNm	100	XM 5324 60	CCDC13 2	Espiral de bobina dominio que contiene 132
Cfa. 9084.1.A1_en	3.70 E- 02	4.46E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a espiral de bobina dominio que contiene 3 precursora (LOC607593); ARNm	100	XM 8443 32	CCDC3	Espiral de bobina dominio que contiene 3
Cfa. 10335.1. S1_en	1.09 E- 02	4.46E -01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG32662-PA (LOC480471); ARNm	95.6	XM 5375 90	CCDC45	Espiral de bobina dominio que contiene 45
Cfa. 18528.1. S1_en	9.04 E- 02	4.60E -01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG3493-PA (LOC480462); ARNm	97.2	XM 5375 80	CCDC46	Espiral de bobina dominio que contiene 46
cfa.20277.1. S1_en	4.74 E- 02	4.48E -01	1.45	Dominio que contiene 5 (Asociado al eje) ARNm (ADNc clon MGC:134225 imagen:8043019); Cds completos	61.7	BC1 1001 1	CCDC5	Espiral de bobina dominio que contiene 5 (Asociado al eje)
Cfa. 9835.1.A1_en	7.97 E- 02	4.55E -01	1.42	Dominio que contiene BBC; ARNm (ADNc clon MGC:160122 imagen:8520598); Cds completos	47.2	BC1 4985 6	CCDC88 C	Espiral de bobina dominio que contiene 88C
Cfa Affx. 17112.1. S1_s_en	2.35 E- 02	4.46E -01	1.32	Familiaris similar a CGA-pareja de unión (accesorio de proteína p56) (HSD8); variante transcripta 2 (LOC486622); ARNm	54.9	XM 8602 31	CCDC91	Espiral de bobina dominio que contiene 91
Cfa. 3424.1. S1_en	9.38 E- 02	4.62E -01	1.62	Familiaris similar a CGA-pareja de unión (accesorio de proteína p56) (HSD8); variante transcripta 4 (LOC486622); ARNm	95.5	XM 8602 80	CCDC91	Espiral de bobina dominio que contiene 91
Cfa. 389.1. S1_en	3.73 E- 02	4.46E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ciclina C; variante transcripta 7 (LOC475007); ARNm	96.1	XM 8631 25	CCNC	Ciclina C
Cfa Affx. 26324.1. S1- s_en	3.67 E- 02	4.46E -01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ciclina G1 (Ciclina G); variante transcripta 4 (LOC479303); ARNm	98.8	XM 8618 98	CCNG1	Ciclina G1

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 13729.1. S1_en	8.90 E- 02	4.59E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a Ciclina G2; (LOC478442); ARNm	100	XM 5356 19	CCNG2	Ciclina G2
Cfa Affx. 24405.1S1_en	3.55 E- 02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar al ciclo de la célula progresión 1 isoforma 2, variante transcripta 3 (LOC487566); ARNm	79.5	XM 8584 78	CCPG1	ciclo de la célula progresión 1
Cfa Affx. 24597.1. S1_en	1.44 E- 03	4.46E -01	1.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a la quimiocina con el receptor C-C tipo 7 precursor (C-C CKR-7) (CC-CKR-7) (receptor beta MIP-3) (receptor de la proteína G 1 acoplada) (EBI1) (BLR2) (LOC491011); ARNm	100	XM 5481 31	CCR7	quimiocina con el receptor C-C tipo 7
Cfa. 18704.1. S1.S_en	7.42 E- 02	4.54E -01	1.37	PREDICHO Canis familiaris similar a Chaperonina que contiene TCP1; subunidad 2; variante transcripta 1 (LOC474445); ARNm	100	XM 5316 75	CCT2	Chaperonina que contiene TCP1; subunidad 2 (beta)
Cfa. 5626.1.A1_en	6.68 E- 02	4.51E -01	1.32	PREDICHO Canis familiaris similar a Chaperonina que contiene TCP1; subunidad 3 isoforma 3; variante transcripta 2 (LOC480123); ARNm	100	XM 8591 50	CCT3	Chaperonina que contiene TCP1; subunidad 3 (gamma)
Cfa. 1285.1.A1_en	2.61 E- 02	4.46E -01	1.31	Homo sapiens parcial ARNm para chaperonina subunidad 6A (gen CCT6A)	91.5	AM2 9515 5	CCT6A	Chaperonina que contiene TCP1; subunidad 6A(zeta 1)
Cfa. 1034.1. S1_en	4.85 E- 03	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar complejo proteína T 1; subunidad theta (TCP-1-theta) (CCT-theta); variante transcripta 3 (LOC478399); ARNm	100	XM 8509 38	CCT8	Chaperonina que contiene TCP1; subunidad 8(theta)
Cfa. 8311.1. S1_en	8.62 E- 02	4.58E -01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno CD164; sialomucina; variante transcripta 2 (LOC475020); ARNm	85	XM 8633 46	CD164	Molécula sialomucina CD164
Cfa Affx. 8078.1. S1_en	4.79 E- 02	4.48E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a policitemia rubra vera 1 (LOC612424); ARNm	95.5	XM 8501 54	CD177	Molécula CD177
Cfa Affx. 1028.1. S1_s_en	7.85 E- 02	4.55E -01	1.52	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de antígeno CD226 (accesorio DNAX molécula 1) (DNAM-1)	100	XM 8464 12	CD226	Molécula CD266
Cfa. 3508.1. S1_s_en	6.85 E- 02	4.53E -01	1.52	Canis familiaris células T molécula coestimuladora CD28 (CD28) ARNm; cds completo	99	AF2 5996 2	CD28	Molécula CD28

ES 2 524 475 T3

Cfa. 822.1. S1_en	7.08 E- 02	4.54E -01	1.41	Homo sapiens proteína asociada CD2, (CD2AP); ARNm	83.8	NM 0121 20	CD2AP	proteína asociada CD2
Cfa Affx. 22280.1. S1_s_en	3.57 E- 02	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Pan troglodytes similar a alfa variante 1 (LOC740063); ARNm	67.2	XM 0011 5311 1	CD300L G	Similar a Molécula-CD300, miembro de la familia g.
Cfa. 3619.1. S1_s_en	1.22 E- 02	4.46E -01	1.57	Canis familiaris hematopoyético antígeno CDR38 ARNm; cds completo	99.8	AX1 1771 4	CD38	Molécula CD38
Cfa. 3890.1. S1 en	7.92 E- 03	4.46E -01	1.4	Perro Subunidad CD3 epsilon ARNm; cds completo	65.7	M55 410	CD3E	Molécula CD3e epsilon (complejo CD3-TCR)
Cfa. 179.1.S2_s_en	3.39 E- 02	4.46E -01	1.32	Canis familiaris CD154 (CD154) ARNm; cds completo	97.2	AY3 3379 0	CD40LG	Ligando CD40
Cfa. 179.1. S1_s_en	9.15 E- 02	4.46E -01	1.48	Canis familiaris CD154 (CD154) ARNm; cds completo	100	AY3 3379 0	CD40LG	Ligando CD40
Cfa. 1961.1. S1-en	3.60 E- 02	4.46E -01	1.34	Homo sapiens ADNC FLJ39351 fis; clon PEBLM2001072	62.7	AK0 9667 0	CD47	Molécula CD47
Cfa. 21011.1. S1_en	2.08 E- 02	4.46E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a glicoproteína en la superficie de células T , precursor de la cadena beta CD8(Antígeno CD8B); variante transcripta 2 (LOC483076); ARNm	100	XM 8599 54	CD8B	Molécula CD8b
Cfa Affx. 12060.1. S1_s_en	7.44 E_0 2	4.54E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a glicoproteína en la superficie de células T , precursor de la cadena beta CD8(Antígeno CD8B); variante transcripta 2 (LOC483076); ARNm	100	XM 8599 54	CD8B	Molécula CD8b
Cfa. 20663.1.A1_en	9.90 E- 02	4.65E -01	1.53	Familiaris similar a división celular homólogo control proteína 2. (proteína p34 cinasa) (cinasa dependiente de la ciclina 1) (CDK1); variante transcripta 1 (LOC488997); ARNm	58	XM 5461 15	CDC2	Ciclo de división celular 2. G1 a S y G2 a M
Cfa Affx. 7716.1. S1_en	4.45 E- 02	4.47E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a Efecto de la proteína Cdc42 4 (LOC475907); ARNm	58.9	XM 5331 14	CDC42E P4	Efecto de la proteína Cdc42 (la unión de laGTPasa subfamilia Rho) 4
Cfa. 8928.1.A1_en	4.74 E- 03	4.46E -01	1.47	Pongo abelii ARNm; ADNc DKFp4591233 (origen clon DKFz4591233)	59.7	CR8 6129 1	CDC42S E	Efecto pequeño CDC42 2

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 2024.1. S1_en	1.01 E- 02	4.46E -01	1.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a efector pequeño subunidad CDC42 2 (LOC609492); ARNm	100	XM 8467 51	CDC42S E2	Efector pequeño CDC42 2
Cfa Affx. 16477.1. S1_en	7.13 E- 02	4.54E -01	1.4	PREDICHO: Equus caballus ciclo de división celular 73; Paf1/ARN.	92.1	XM 0014 9221 7	CDC73	ciclo de división celular 73; Paf1/ARN Complejo polimerasa II
Cfa. 18970.1S1_en	3.38 E- 02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción RAM2 (LOC482347)	100	XM 5394 64	CDCA7L	Ciclo de división celular asociado 7- lke
cfa. Affx. 30575.1. S1-en	3.56 E- 02	4.46E -01	1.38	H-caderina (corazón); ARNm (clon ADNc MGC:128634 IMAGE:7986572) cds completo	80	BC1 0753 5	CDH13	Caderina 13, H- caderina (corazón)
Cfa. 10960.1. S1_en	6.52 E- 02	4.51E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 asociada-CDk2 (LOC475806); ARNm	64.2	XM 5330 15	CDK2AP 1	proteína 1 asociada-CDk2
Cfa Affx. 11224.1. S1_en	7.82 E- 02	4.55E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a la división celular proteína 8 cinasa . (proteína K35cinasa); variante transcripta 3 (LOC 486035); ARNm	63.7	XM 8547 27	CDK8	Dependiente ciclina-8 cinasa
Cfa Affx. 12648.1. S1_en	2.25 E- 02	4.46E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a colabora / coopera con ARF (marco de lectura alternativo) proteína (LOC607991); ARNm	98.1	XM 8448 69	CDKN2A P	Proteína interactúa CDKN2A
Cfa Affx. 12648.1. S1_en	1.75 E- 02	4.46E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a colabora / coopera con ARF (marco de lectura alternativo) proteína (LOC607991); ARNm	100	XM 8448 69	CDKN2AI P	Proteína interactúa CDKN2A
CfaAffX.12649. 1. S1-s_en	1.84 E- 02	4.46E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a colabora / coopera con ARF (marco de lectura alternativo) proteína (LOC607991); ARNm	100	XM 8448 69	CDKN2AI P	Proteína interactúa CDKN2A
Cfa Affx. 8108.1. S1_en	1.69 E- 02	4.46E -01	0.59	Canis lupus familiaris Carcinoembrionario relacionados antígeno-molécula de adhesión celular 23 isoforma 4L (CEACAM23) ; ARNm; cds completo	90.7	EF1 3790 6	CEACAM 23	Carcinoembrionari o relacionados antígeno-molécula de adhesión celular 23
CfaAffX.17785. 1. S1_en	7.62 E- 02	4.54E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a CCAAT/ vinculante potenciador de proteína epsilon (LOC490607); ARNm	47.4	XM 5477 29	CEBPE	CCAAT/ vinculante potenciador de proteína (C/EBP) epsilon

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 10125.1. S1_en	2.53 E- 02	4.46E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a CCAAT/ vinculante potenciador de proteína zeta; variante transcripta 1 (LOC483035); ARNm	88.9	XM 5401 50	CEBPZ	CCAAT/ vinculante potenciador de proteína zeta
Cfa. 1767.1.A1_s-en	5.41 E- 02	4.50E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C 1 centrómero (LOC475158); ARNm	95.8	XM 5323 88	CENPC1	proteína C 1 centrómero
Cfa. 18979.1. S1_s_en	5.87 E- 02	4.50E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a centaurin delta 2 isoforma a (LOC485207); m ARN	99.8	XM 5423 25	CENTD2	Centaurin, delta 2
Cfa Affx. 10305.1. S1_en	8.22 E- 02	4.56E -01	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a centaurin delta 3 (LOC487188); m ARN	100	XM 5443 16	CENTD3	Centaurin, delta 3
Cfa Affx. 24199.1. S1_s_en	7.36 E- 02	4.54E -01	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a KARP.1 unión a proteína; variante transcripta 1 (LOC480096), ARNm	100	XM 5372 18	CEP170	proteína 170KDa centrosoma
Cfa. 8966.1.A1_s_e n	6.09 E- 02	4.50E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris hipotético loc480216 (LOC480216); ARNm	98.4	XM 5373 41	CEP192	proteína 192KDa centrosoma
Cfa. 844.1. S1_en	9.99 E- 02	4.65E -01	1.35	PREDICHO: Equus caballus proteína 63kda centrosoma; variante transcripta 2 (CEP63); ARNm	40	XM 0014 9844 4	CEP63	proteína 63kDa centrosoma
Cfa. 4072.1.A1_en	2.47 E- 02	4.46E -01	1.75	Homo sapiens proteína 68kDa centrosoma(CEP68); ARNm	42.9	NM 0151 47	CEP68	Proteína 68kDa centrosoma
Cfa Affx. 12215.1. S1_en	1.70 E- 02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 70 kDa centrosoma(LOC477084); ARNm	100	XM 5342 79	CEP70	Proteína 70 kDa centrosoma
CfaAffX.30235. 1. S1_s_en	6.10 E- 02	4.50E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a colina/etanolaminotransferasa ; variante transcripta 4 (LOC612948); ARNm	98.3	XM 8606 37	CEPT1	colina/etanolamino transferasa 1
Cfa Affx. 13146.1. S1_en	6.79 E- 02	4.52E -01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a centrin 3 (LOC488915); ARNm	90.6	XM 5460 32	CETN3	Centrin, EF-mano proteína, 3 (homólogo CDC31, levadura)
Cfa Affx. 13146.1. S1_as_en	7.55 E- 02	\$.54E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a centrin 3 (LOC488915); ARNm	100	XM 5460 32	CETN3	Centrin, EF-mano proteína, 3 (homólogo CDC31, levadura)
Cfa. 142267.1. S1-en	2.52 E- 02	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris complemento completo precursor 2 ; variante transcripta 4 (LOC474853); ARNm	99.5	XM 8552 78	CFB	Complemento factor B

ES 2 524 475 T3

cfaAffx. 1961.1. S1_s_en	2.62 E- 02	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris complemento completo precursor 2 ; variante transcripta 4 (LOC474853); ARNm	100	XM 8553 17	CFB	Complemento factor B
Cfa. 3541.1.A1_en	1.00 E- 02	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris p97 homólogo proteína (P97); ARNm	95.9	XM 5468 29	CFDP1	Proteína desarrollo craneofacial 1
Cfa Affx. 30731.1. S1_s_en	4.03 E- 02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris p97 homólogo proteína (P97); ARNm	99.8	XM 5468 29	CFDP1	Proteína desarrollo craneofacial 1
Cfa. 10261.1. S1_en	7.68 E- 02	4.55E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a cofilina 2 (LOC490649); ARNm	98.8	XM 5477 71	CFL2	cofilina (musculo) 2
Cfa. 18930.1. S1_s_en	6.15 E- 02	4.50E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a properdina o Factor P complemento (loc491859); ARNm	97.2	XM 5489 78	CFP	Factor Properdin Complemento
Cfa Affx. 9394.1. S1_s_en	5.01 E- 02	4.48E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a el gen de la proteína 8 de unión al cromodominio de la ADN helicasa; variante transcripta 1 (LOC475401); ARNm	100	XM 5326 24	CHD8	gen de la proteína 8 de unión al cromodominio de la ADN helicasa;
Cfa Affx. 13243.1. S1_s_en	5.08 E- 02	4.48E -01	0.74	PREDICHO: Canis similares a colina deshidrogenasa (LOC484723); ARNm	100	XM 5418 39	CHDH	Colina deshidrogenasa
Cfa. 447.1. S1_en	1.00 E- 02	4.46E -01	2	PREDICHO: Pan troglodytes rica en cisteína hidrófoba 2 ; variante transcripta 2 (CHIC2); ARNm	84.1.	XM 0011 4579 1	CHIC2	rica en cisteína hidrófoba 2
CfaAffc.3999.1. S1_en	3.00 E- 02	4.46E -01	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína rica en cisteína hidrófoba dominante 2 ; (similar a BrX- translocado en leucemia) (LOC611250); ARNm	100	XM 8488 92	CHIC2	rica en cisteína hidrófobo 2
Cfaaffx.15079.1 . S1_s_en	7.45 E- 02	4.54E -01	1.31	Mus musculus dominio que contiene 1 quitinasa (Chid1); variante transcripta 2; ARNm	83.5	NM 0265 22	Chid1	dominio que contiene 1 quitinasa
Cfa. 18535.1. S1_s_en	7.53 .E- 02	4.54E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a modificar proteína 2B cromátide (LOC487676); ARNm	99.4	XM 5447 99	CHMP2B	modifica proteína 2B cromátide
Cfa. 17691.1. S1_en	7.60 E- 03	4.46E -01	1.43	Familiaris similar a dominio rico en cisteína e histidina (CHORD)- contenido; enlace Zinc proteína 1 (LOC476773); ARNm	68.1	XM5 3397 9	CHORDC 1	dominio rico en cisteína e histidina (CHORD)- contenido 1

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 7350.1S1_s_en	2.08 E- 03	4.46E -01	1.51	Familiaris similar a dominio rico en cisteína e histidina (CHORD)- contenido; enlace Zinc proteína 1 (LOC476773); ARNm	100	XM 5339 79	CHORDC 1	dominio rico en cisteína e histidina (CHORD)- contenido 1
Cfa Affx. 12805.1.S1_en	6.07 E- 02	4.50E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a: carbohidrato (N.acetilglucosamina-6-O)sulfotransferasa 2 (LOC485701); ARNm	100	XM 5428 21	CHST2	carbohidrato (N.acetilglucosamina-6-O)sulfotransferasa 2
Cfa Affx. 7706.1S1_s_en	2.72 E- 02	4.46E -01	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Creatinina cinasa tipo M (creatinina cinasa; cadena M) (M-CK) (LOC476435); ARNm	100	XM 5336 41	CKM	Creatinina cinasa. Musculo
Cfa. 13608.1.A1_en	2.62 E- 01	4.46e -01	1.35	Mus musculus glándula mamaria RCB-0526 Jyg-MC(A) ADNc; RIKEN de longitud completa biblioteca enriquecida; clon GB30017A10 producto: célula-B factor de estimulación 3; secuencia de inserción completa	37.5	AK 1662 18	Clcf1	Cardiotropinacitocina factor 1
Cfa. 1328.1.A1_en	5.30 E- 02	4.49E -01	1.45	Canis familiaris ARNm para canal de cloro 3 (clcn gene)	56.5	AMO 4862	clcn3	canal de cloro 3
cfaAffx. 19424.1.S1_en	3.33 E- 02	4.46E -01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a claudin 4 (LOC489802); ARNm	100	XM 5469 20	CLDN4	claudin 4
Cfa. 18933.2S1_en	6.63 E- 02	4.51E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a lectina inhibidor de osteoclastos isoforma 1 (LOC611449); ARNm	53.8	XM 8491 16	CLEC2D	C-tipo lectina familia dominio 2. miembro D
Cfa. 18933.1. S1_en	3.82 .E- 02	4.46E -01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a lectina inhibidor de osteoclastos isoforma 1 (LOC611449); ARNm	59.9	XM 8491 16	CLEC2D	C-tipo lectina familia dominio 2. miembro D
Cfa. 18933.2S1_s_e n	9.51 E- 02	4.63E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a lectina inhibidor de osteoclastos isoforma 1 (LOC611449); ARNm	100	XM 8491 16	CLEC2D	C-tipo lectina familia dominio 2. miembro D
Cfa. 2567.2.S1_en	3.22 E- 02	4.46- 01	1.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a cinasa UMP-CMP (cinasacitidilato) (desoxicitidilatocinasa) (citidinamonofosfatocinasa) (uridinamonofosfato/citidinamonofosfatocinasa) (UMP/CMP cinasa) (UMP/CMPK) (uridinamonofosfatocinasa) (LOC610291); ARNm	87.5	XM 8477 56	CMPK1	citidinamonofosfato (UMP-CMP) cinasa 1. Citosólica

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2956.1. S1_s_en	1.75 E- 02	4.46E -01	1.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a Cornicon isoforma 1; variante transcripta 4 (LOC609358); ARNm	100	XM 8593 02	CNIH	Homólogo de Cornicon (Drosophila)
Cfa. 20110.1. S1_en	6.39 E- 03	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Pan troglodytes CNKSR3); ARNm	50.9	XM 5188 20	CNKSR3	CNKSR tipo familiar 3
Cfa Affx. 4925.1. S1_s_en	2.24 E- 03	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo sin transcripción; subunidad 3; variante transcripta 4 (LOC484312), ARNm	65.5	XM 8577 08	CN0T3	complejo sin transcripción; subunidad 3
Cfa. AffX.2659.1. S1_s_en	9.73 E- 02	4.64E -01	0.7	Predicho:Canis familiaris similar a colágeno; tipo XXII; alfa 1 (LOC482056); ARNm	42.4.	XM 5391 77	COL22A1	Colágeno, tipo XXII; alfa 1
Cfa. 18065.1. S1_s_en	3.28 E- 02	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de unión al antígeno Goodpasture (GPBP) (enlace proteína Colágeno tipo IV alfa 3) (la proteína de transferencia de lípidos relacionados con StAR 11) (STARD11); variante transcripta 1 (LOC612799); ARNm	100	XM 8449 32	COL4A3 BP	Colágeno tipo IV alfa 3 (Goodpasture antígeno), proteína de enlace
Cfa. 1656.1.A1_en	2.89 E- 02	4.46E -01	1.33	De longitud de completa clon ADNc CS0DB004YM03 de neuroblastomacot 10 normalizador de Homo sapiens (humano)	47.7	CR6 1162 28	COMMD 1	COMM contiene dominio 10
Cfa. 9530.1. S1_en	9.32 E- 02	4.62E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a COMN contiene domino 2 (LOC485713); ARNm	54.3	XM 5428 34	COMMD 2	COMN contiene dominio 2
Cfa. 1670.1. S1_en	2.89 E- 02	4.46E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a COMN contiene proteína 8 (LOC475138); ARNm	95.9	XM 5323 68	COMMD 8	COMN contiene dominio 8
cfa.2267.1. S1_s_en	2.43 E- 02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a signalosoma COP9 subunidad 4; variante transcripta 2 (LOC478455); ARNm	100	XM 8511 95	COPS4	COP9 constituye homólogo morfo génico subunidad 4 (Arabidopsis)
Cfa. 11305.1.A1__s _en	5.07 E- 02	4.48E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo signalosoma COP9 subunidad 5; (Signalosoma subunidad 5) (SGN5) Jun proteína 1 de activación enlace dominante) (Kip1 C-terminal interacción proteína 2) variante transcripta 1 (LOC477901); ARNm	99.6	XM 5350 93	COPS5	COP9 constituye homólogo morfo génico subunidad 5 (Arabidopsis)

ES 2 524 475 T3

CfaAffX.18967.1. S1_s_en	2.77 E-02	4.46E-01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a complejo signalosoma COP9 subunidad 8; (Signalosoma subunidad 8) (SGN8) (JAB1-contiene signalosoma subunidad 8) (COP9 homólogo) (hCOpg) (LOC477417); ARNm	100	XM 5346 12	COPS8	COP9 constituye homólogo morfo génico subunidad 8 (Arabidopsis)
Cfa Affx. 16929.1. S1_s_en	8.64 E-03	4.46E-01	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9410-PA; isoforma A; (LOC478853); ARNm	81.9	XM 5360 15	COQ10B	Coenzima Q10 homólogo B (S. cerevisiae)
Cfa. 2647.1. S1_en	4.40 E-03	4.46E-01	1.31	PREDICHO Canis familiaris similar a para-hidroxibenzoato-polipreniltransferasa; mitocondriales; variante transcripta 1 (LOC478457); ARNm	99.8	XM 5356 34	COQ2	Homólogo Coenzima Q2, preniltransferasa (levadura)
Cfa Affx. 13209.1. S1_s_en	6.17 E-03	4.46E-01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris ceruplasmina; variante transcripta 1 (CP); ARNm	100	XM 5343 01	CP	Ceruloplasmina (ferroxidasa)
Cfa Affx. 13068.1. S1_s_en	3.13 E-02	4.46E-01	0.65	Canis lupus familiaris ZAP47 ARNm para proteína asociada a la membrana de gránulos de zimógeno; cds completo	99.3	D78 348	CPB1	Carboxipeptidasa B1 (tejido)
Cfa Affx. 1589.1. S1_en	2.80 E-03	4.46E-01	1.48	PREDICHO: Macaca mulata carboxipeptidasa M; variante transcripta 2 (CPM); ARNm	86.8	XM 0011 1735 3	CPM	Carboxipeptidasa M
Cfa. 15225.1. S1_a_en	5.77 E-02	4.50E-01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a Carnitina O-palmitoiltransferasa II; precursor mitocondrial (CPT II) (LOC489585); ARNm	99.6	XM 5467 05	CPT2	Carnitina O-palmitoiltransferasa II
Cfa Affx. 18218.1. S1_en	3.75 E-03	4.46E-01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris complemento completo receptor 2 (CR2); ARNm	83.7	XM 5473 88	CR2	Complemento completo (3d/el virus de Epstein Barr) receptor 2.
Cfa. 9676.2S1_s_en	7.34 E-02	4.54E-01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a cereblon (predicho); variante transcripta 1 (LOC476551); ARNm	95.2	XM 5337 57	CRBN	cereblon
Cfa. 9676.1. S1_en	5.30 E-02	4.49E-01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a cereblon (predicho); variante transcripta 1 (LOC476551); ARNm	98.1	XM 5337 57	CRBN	cereblon
Cfa. 6267.3.S1_en	4.75 E-02	4.48E-01	0.74	Homo sapiens ADNc FLJ40971 fis; clon UTERU2012786	36.2	AK0 9829 0	CRIP1	Cisteína –rica en proteína 1 (intestinal)

ES 2 524 475 T3

Cfa 4111.1. S1_s_en	Affx. 1.44 E_0 2	4.46E -01	0.73	PREDICHO: Canis familiaris similar a Cisteína – rica en precursor proteína 2 (CRISP-2) (Testículo proteína específica TPX-1); variante transcripta 2 (LOC474932); ARNm	95.7	XM 5321 66	CRISP2	Cisteína – rica secretora proteína 2
Cfa 15157.1. S1_s_en	Affx. 3.50 E- 02	4.46E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a el dominio frio de choque (CSD) proteína E1 (proteína UNR) (proteína de genes en dirección N-ras); variante transcripta 14 (LOC475801); ARNm	96.6	XM 8517 43	CSDE1	dominio frio de choque (CSD) proteína E1. Enlace- ARN.
Cfa. 3499.1.A1 en	5.67 E-02	4.5 0E- 01	0.7 7	ARNm citocromo p450 2C41 canis familiaris; cds completo	99.6	AF016 8248	CYP2C 41	citocromo p450 2C41
Cfa Affx. 14588.1. S1 en	5.3S E-02	4.5 oe- 01	1.4 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a homología de plestrina; Dominos de Sec7 y alambre enrollado; enlazamiento de proteína (LOC488360); ARNm	100	XM 545482	CYTIP	citohesina 1 que interactúa con la proteína
Cfa Affx. 2872.1. S1 s en	2.23 e-02	4.4 6e- 01	0.6 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa 1 asociada a la muerte (DAP quinasa 1) (LOC484142); ARNm	100	XM 541259	DAPK1	proteína quinasa 1 asociada a la muerte
Cfa. 17267.1. S1 en	2.53 E-02	4.4 6E- 01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa 3 asociada a la muerte (DAP quinasa 3) (quinasa similar a DAP) (Dik) (ZIP quinasa) (LOC476745); ARNm	100	XM 533950	DAPK3	proteína quinasa 3 asociada a la muerte
Cfa Affx. 14766.1. S1 en	2.07 E-03	4.4 6E- 01	0.7 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1b asociada a la muerte (LOC607792); ARNm	98.5	XM 844590	DAPL1	1 similar a la proteína asociada a la muerte
Cfa Affx. 3674.1. S1 s en	5.82 E-02	4.5 0E- 01	1.4 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa de fase S (LOC475219); ARNm	100	XM 532451	DBF4	homólogo DBF4 (S. cerevisiae)
Cfa. 10974.1. S1 en	8.96 E-02	4.5 9E- 01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína C20orf35 (HSMNP1); variante transcripta 1(477243); ARNm	99.8	XM 534435	DBND D2	dominio de disbindina (distrobrevina que enlaza la proteína 1) que contiene 2

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 27695.1.s1 s en	5.93 E-02	4.5 0E- 01	0.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad 62 de dinactina(LOC479326); ARNm	99.8	XM 862430	DCTN4	dinactina 4 (p62)
Cfa Affx. 3918.1. S1 en	3.45 E-02	4.4 6E- 01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6597-PA; isoforma A (LOC611020); ARNm	99	XM 848631	DCUN1 D4	DCN1, defectuosa en nedilación 1 de culina; dominio que contiene 4 (S. cerevisiae)
Cfa Affx. 1516.1. S1 en	3.65 E-02	4.4 6E- 01	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 de potenciación de desarrollo y diferenciación (LOC482044); ARNm	96.7	XM 539165	DDEF1	factor 1 de potenciación de desarrollo y diferenciación
Cfa Affx. 20537.1. S1 en	6.39 E-02	4.5 0e- 01	0.7 3	Bos taurus ARfGAP con dominio SH3; repetición de anquirina y dominio PH 3; ARNm (clon ADNc MGC: 155101); cds completo	93.3	BC133 412	DDEFL 1	1 similar al factor de potenciación de desarrollo y diferenciación
Cfa. 3952.1. S1 en	1.17 E-02	4.4 6E- 01	1,6 8	ARN de fosfolipasa que prefiere el ácido fosfatídico de Bos taurus	48	AF045 022	DDHD1	Dominio DDHD que contiene 1
Cfa. 5351.1.A1 en	6.76 E-03	4.4 6E- 01	1.4 7	PREDICHO: dominio DDHD de Pan troglodytes que contiene 2 (DDHD2); ARNm	57.1	XM 519711	DDHD2	Dominio DDHD que contiene 2
Cfa. 7473.1.A1 en	5.49 E-02	4.5 0E- 01	1.5 9	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio dispeldin epitelial del precursor del receptor 1 (tirosina quinasa DDR) (receptor de discoldin de tirosina quinasa) (proteína tirosina quinasa CAK) (adhesión celular de quinasa) (TRK E) (proteína tirosina quinasa RTK 6) (antígeno CD167a) (HGK2)... variante transcrita (LOC474832); ARNm	99.8	XM 532062	DDR1	dominio discoidina receptor de tirosina quinasa 1
Cfa Affx. 6502.1. S1 s en	1.27 E-02	4.4 6E- 01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido 1 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp); variante transcrita 2 (LOC475671); ARNm	100	XM 843772	DDX1	polipéptido 1 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp);

ES 2 524 475 T3

Cfa. 11394.1.A1 en	4.11 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido 31 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) isoforma 1 (LOC480690); ARNm	100	XM 537810	DDX31	polipéptido 31 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa Affx. 20479.1. S1 s en	2.98 E-02	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar al polipéptido 47 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) isoforma 2 (LOC477692); ARNm	58.8	XM 861747	DDX47	polipéptido 47 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa Affx. 14226.1. S1 s en	9.07 E-02	4.6 0E-01	0.5 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a C28H8.3 (loc475493); ARNm	99.6	XM 532716	DDX60	polipéptido 60 de la caja DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)
Cfa Affx. 10810.1. S1 s en	2.30 E-03	4.4 6E-01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1 autorregulador epidermal deformado (LOC483409); ARNm	98.5	XM 540529	DEAF1	factor 1 autorregulador epidermal deformado (Drosophila)
Cfa. 6367.1.A1 en	1.38 E-02	4.4 6E-01	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a 2;4-dienoil-CoA reductasa; precursor mitocondrial (2;4-dienoil-CoA reductasa [NADPH]) (4-enoil-reductasa [NADPH]) (LOC477938); ARNm	100	XM 535127	DECR1	2;4-dienoil-CoA reductasa 1; mitocondrial
Cfa Affx. 14220.1. S1 s en	5.00 E-02	4.4 8E-01	1.9 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a 2;4-dienoil-CoA reductasa; precursor mitocondrial (2;4-dienoil-CoA reductasa [NADPH]) (4-enoil-reductasa [NADPH]) (LOC477938); ARNm	100	XM 535127	DECR1	2;4-dienoil-CoA reductasa 1; mitocondrial
Cfa. 1983.1. S1 en	5.03 E-02	4.4 8E-01	1.3 8	PREDICHO: Canis familiaris similar al oncógeno DEK (enlazante de ADN) (LOC610538); ARNm	99.6	XM 848066	DEK	oncógeno DEK (enlazante de ADN)
Cfa Affx. 28477.1. S1 en	5,11 E+00	4.4 8E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG18659-PA ; isoforma A (LOC480519); ARNm	99.8	XM 542137	DENN D1C	domino DENND1C que contiene 1C
Cfa. 9933.1. S1 en	1.48 E-02	4.4 6E-01	1.4 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína regulada de densidad (DRP) (proteína DRP) (proteína 3 asociada al músculo liso) (SMAP-3 (LOC610709); ARNm	54.2	XM 848252	DENR	proteína regulada de densidad

ES 2 524 475 T3

Cfa. 9451.1.A1 en	9.80 E-02	4.6 4E- 01	1.4 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a de-etiolado 1; (LOC479036); ARNm	99.2	XM 536186	DET1	homólogo 1 de de-etiolado 1 (Arabidopsis)
Cfa. 11327.1.A1 s en	2.88 E-02	4.4 6E- 01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a diacil-glicerol O-aciltransferasa 1 (Digliceride aciltransferasa) (ACAT relacionada con el producto del gen 1); variante transcripta 1 (LOC482093); ARNm	98	XM 539214	DGAT1	homólogo 1 de diacil-glicerol O-aciltransferasa (ratón)
Cfa-19642.1. S1 s en	7.30 E-02	4.4 6E- 01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de empalme de preARN putativo de helicasa de ARN (proteína 15 de la caja DEAH); variante transcripta 1 (LOC488856); ARNm	94.6	XM 859167	DHX15	polipéptido 15 de caja DEA (Asp-Glu-Ala-His)
Cfa. 9885.1. S1 s en	1.21 E-02	4.4 6E- 01	1.4 5	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de empalme de preARN putativo de helicasa de ARN (proteína 15 de la caja DEAH); variante transcripta 91 (LOC488856); ARNm	99.7	XM 846442	DHX15	polipéptido 15 de caja DEA (Asp-Glu-Ala-His)
Cfa. 11317.1.A1 s en	1.08 E-02	4.4 6E- 01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de empalme de preARN putativo de helicasa de ARN (proteína 15 de la caja DEAH); variante transcripta 91 (LOC488856); ARNm	100	XM 858970	DHX15	polipéptido 15 de caja DEA (Asp-Glu-Ala-His)
Cfa. 2263.1.A1 s en	3.83 E-02	4.4 6E- 01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a polipéptido 29 de la caja DEAH (Asp-Glu-Ala-His) (LOC478060); ARNm	99.4	XM 535238	DHX29	polipéptido 29 de la caja DEAH (Asp-Glu-Ala-His)
Cfa Affx. 7175.1. S1 a t	9.14 E-02	4.6 1E- 01	0.6 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a polipéptido 34 de la caja DEAH (Asp-Glu-Ala-His) isoforma 1 (LOC484422); ARNm	88.9	XM 541537	DHX34	polipéptido 34 de la caja DEAH (Asp-Glu-Ala-His)
Cfa. 1801.1. S1 en	1.24 E-02	4.4 6E- 01	1.3	PREDICHO: dimetiladenosinotransferasa de Pan troglodytes ; variante transcripta 2 (DIMT1); ARNm	62.8	XM 001136 488	DIMT1 L	similar a DIM1 dimetiladenosina transferasa 1 (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 429.1.A1 en	9.15 E-02	4.6 1E-01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6413-PA (LOC478346); ARNm	97.8	XM 535520	DIS3L	homólogo de control mitótico DIS3 (S cerevisiae)
Cfa. 862.1. S1 s en	3.21 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	dihidrolipoamida deshidrogenasa de Canis lupus familiaris (DLD); ARNm	99.8	NM 001003 294	DLD	dihidrolipoamida deshidrogenasa
Cfa Affx. 8344.1. S1 s en	2.36 E-02	4.4 6E-01	0.4 4	PREDICHO: Equus caballus eliminado en cáncer de pulmón y de esófago 1 (DLEC1); ARNm	87.2	XM 001488 926	DLEC1	eliminado en cáncer de pulmón y de esófago 1
Cfa Affx. 11407.1. S1 en	7.39 E-02	4.5 4E-01	0.7 6	dermoquina de homo sapiens; ARNm (clon de ADNc IMAGEN: 3690018); cds completo	82.8	BC004 493	DMKN	dermoquina
Cfa Affx. 11463.1. S1 en	3.84 E-02	4.4 6E-01	0.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1842-PA (loc486244); ARNm	100	XM 543369	DNAH1 0	dineína, axonemal, cadena pesada 10
Cfa Affx. 11469.1. S1 s en	7.46 E-02	4.5 4E-01	0.7 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1842-PA (loc486244); ARNm	100	XM 543369	DNAH1 0	dineína, axonemal, cadena pesada 10
Cfa. 406.1. S1 en	5.64 E-02	4.5 0E-01	1.4 4	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 14; variante transcripta 3 (LOC479982); ARNm	45.9	XM 001167 856	DNAJB 14	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 14;
Cfa Affx. 31168.1. S1 s en	2.69 E-02	4.4 6E-01	1.5 5	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 4; variante transcripta 3 (LOC479982); ARNm	97	XM 862576	DNAJB 4	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 4
Cfa. 16255.1. S1 en	4.08 E-02	4.4 6E-01	1.6 3	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 4; variante transcripta 3 (LOC479982); ARNm	99.8	XM 862584	DMAJB 4	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 4
Cfa. 17880.1. S1 en	7.82 E-02	4.5 5E-01	1.7 7	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 9; (LOC475286); ARNm	100	XM 532518	DNAJB 9	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 9

ES 2 524 475 T3

Cfa. 17880.2.S1 s en	8.92 E-02	4.5 9E-01	1.3 9	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 9; (LOC475286); ARNm	100	XM 532518	DNAJB 9	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia B; miembro 9
Cfa. 14652.1.A1 en	1.46 E-02	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 10; variante transcripta 2 (LOC477826); ARNm	96.2	XM 853802	DNAJC 1	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 10
Cfa. 1884.1. S1 en	7.47 E-02	4.5 4E-01	1.4 1	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 10; variante transcripta 2 (LOC478826); ARNm	95.1	XM 845828	DNAJC 10	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 10
Cfa. 10112.1.A1 s en	1.02 E-02	4.4 6E-01	1.4 6	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 2; variante transcripta 2 (LOC483275); ARNm	99.1	XM 540394	DNAJC 2	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 2
Cfa Affx. 5449.1. S1 a t	8.37 E-03	4.4 6E-01	1.6 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7822-PA; variante transcripta 1 (LOC481665); ARNm	100	XM 538787	DNAJC 25	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 25
Cfa. 12085.1.A1 en	3.29 E-02	4.4 6E-01	1.3 2	ILEGIBLE - (Hsp40) homólogo ; subfamilia C miembro 27; ARNm (clon ADNc MGC: 143217 IMAGEN: 8237369); cds completo	39.8	BM140 536	DNAJC 27	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 27
Cfa. 7822.1.A1 s en	2.61 E-02	4.4 6E-01	1.3 7	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 3; (LOC489047); ARNm	99.6	XM 534166	DNAJC 3	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 3
Cfa Affx. 22584.1. S1 s en	3.56 E-02	4.4 6E-01	1.4 6	PREDICHO: Pan troglodytes similar al homólogo DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 9; (LOC47649); ARNm	100	XM 546165	DNAJC 9	homólogo de DnaJ (Hsp40); subfamilia C; miembro 9
Cfa. 1926.1.A1 s en	5.49 E-02	4.5 0E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 2 de la proteína similar a dinamina; variante transcripta 3 (LOC477649); ARNm	100	XM 859793	DNM1L	similar a dinamina 1

ES 2 524 475 T3

Cfa 16137.1. S1. s en	Affx. E-02	8.98 E-02	4.5 9E-01	1.3 4	PREDICHO: dedicante de Equus caballus de citoquinesis 10 (DOCK 10); ARNm	93.2	XM 001493 461	DOCK1 0	dedicante de citoquinesis 10
Cfa. 337.1.A1 en		7.57 E-02	4.5 4E-01	1.4 3	PREDICHO: dedicante de Equus caballus de citoquinesis 3 (DOCK 3); ARNm	91.5	XM 001493 355	DOCK3	dedicante de citoquinesis 3
Cfa. 1118.1.A1 en		2.93 E-02	4.4 6E-01	1.6 2	PREDICHO: Canis familiaris similar al dedicante de la proteína 9 de citoquinesis (factor zizimin 1 de intercambio nucleótido de guanina Cdc42); variante transcripta 1 (LOC612820); ARNm	80	XM 844757	DOCK9	dedicante de citoquinesis 9
Cfa 9628.1. S1 s en	Affx. E-02	2.66 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar al dedicante de la proteína 9 de citoquinesis (factor zizimin 1 de intercambio nucleótido de guanina Cdc42); variante transcripta 1 (LOC612820); ARNm	100	XM 844757	DOCK9	dedicante de citoquinesis 9
Cfa 1937.1. S1 s en	Affx. E-02	5.66 E-02	4.5 0E-01	2.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a Dihidropirimidinas a (Dhpasa) (Hidantoinasa) (DHP); variante transcripta 1 (LOC475067) ARNm	100	XM 532301	DPYS	Dihidropirimidinas a
Cfa 13929.1. S1 s en	Affx. E-03	1.56 E-03	4.4 6E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a dihidropirimidinas a relacionada con la proteína 2 (DRP-2) (activado después en la división; proteína de 64 kDa) (TOAD-64) (proteína 2 mediadora de la respuesta a colapsina) (CRM-2); variante transcripta 3 (LOC486107); ARNm	100	XM 844032	DPYSL 2	2 similar a dihidropirimidinas a
Cfa 30839.1. S1 s en	Affx. E-02	3.15 E-02	4.4 6E-01	1.5 7	PREDICHO: Canis familiaris similar al subregulador de transcripción 1 (LOC479943); ARNm	100	XM 357068	DR1	subregulador de transcripción 1, enlazante de TPB (cofactor negativo 2)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2435.1. S1 en	4.50 E-02	4.4 7E-01	1.3 5	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo de ARN/RNP que interactúa con la fosfatasa (fosfatasa que interactúa con el complejo 1 ARN/RNP) proteína fosfatasa 11 de especificidad dual)) (LOC483110); ARNm	81.2	XM 540226	DUSP1 1	fosfatasa 11 de especificidad dual (que interactúa con el complejo de ARN/RNP)
Cfa. 21293.1. S1 s en	9.75 E-02	4.6 4E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar al complejo de ARN/RNP que interactúa con la fosfatasa (fosfatasa que interactúa con el complejo 1 ARN/RNP) proteína fosfatasa 11 de especificidad dual)) (LOC483110); ARNm	99.4	XM 540226	DUSP1 1	fosfatasa 11 de especificidad dual (que interactúa con el complejo de ARN/RNP)
Cfa. 12631.1.A1 s en	2.67 E-02	4.4 6E-01	1.4 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a la especificidad dual de fosfatasa 12 (LOC478985); ARNm	95.9	XM 536142	DUSP1 2	especificidad dual de fosfatasa 12
Cfa. 3338.1.A1 en	6.13 E-02	4.5 0E-01	1.4 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a ARNr probable que procesa la proteína EBP2 (EBNA 1 que enlaza la proteína 2) (proteína nucleolar p40 (LOC475391); ARNm	100	XM 848382	EBNA1 BP2	EBNA1 que enlaza la proteína 2
Cfa. 11133.1.A1 en	6.03 E-02	4.5 0E-01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a emopamil que enlaza la proteína relacionada; delta8-delta7 esterol isomerasa (LOC476910); ARNm	100	XM 534113	EBPL	similar a emopamil que enlaza la proteína
Cfa Affx. 20827.1. S1 en	5.89 E-02	4.5 0E-01	1.8 9	PREDICHO: potenciador de la degradación ER de Macaca mulatta; 3 similar a manosidasa alfa (EDEM3); ARNm	90.6	XM 001113 949	EDEM3	potenciador de la degradación ER; 3 similar a manosidasa alfa
Cfa. 10198.1.A1 s en	2.12 E-02	4.4 6E-01	1.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a desarrollo ectodérmico embrionario; variante transcripta 4 (LOC476779); ARNm	100	XM 852571	EED	desarrollo ectodérmico embrionario;

ES 2 524 475 T3

Cfa. 645.1.S2 en	1.44 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	PREDICHO: factor 1 alfa 1 de elongación de translación eucariótica de Canis familiaris; variante transcripta 2 (EEF1A1); ARNm	99.5	XM 862288	EED1A 2	factor 1 alfa 1 de elongación de translación eucariótica
Cfa. 18655.1.S1 s en	6.30 E-02	4.5 0E-01	1.3 1	PREDICHO: factor 1 delta 1 de elongación de translación eucariótica de Canis familiaris; variante transcripta 5 (LOC475115); ARNm	100	XM 851537	EEF1D	factor 1 delta 1 de elongación de translación eucariótica (nucleótido de guanina de intercambio de proteína)
Cfa. 11745.1.A1 en	3.41 E-02	4.4 6E-01	1.5 8	PREDICHO: factor 1 epsilon1 de elongación de translación eucariótica de Canis familiaris; (componente p18 auxiliar del complejo multisintetasa) (factor de elongación p18)(LOC478717); ARNm	100	XM 535882	EEF1E 1	factor 1 epsilon1 de elongación de translación eucariótica
Cfa Affx. 20697.1. S1 en	8.14 E-02	4.5 5E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a espergen-3 (LOC490916); ARNm	100	XM 548039	EFCAB 3	calcio de mano de EF que enlaza el dominio 3
Cfa. 9584.1.A1 s en	3.16 E-02	4.4 6E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de mano EF (terminal C) que contiene 2 (LOC480888); ARNm	100	XM 538001	EFHC2	dominio de mano (terminal C que contiene 2)
Cfa Affx. 2521.1. S1 s en	5.25 E-02	4.4 9E-01	1.4 7	PREDICHO: Canis familiaris similar al ADNc de RIKEN C920006C10); ARNm	99.8	XM 532333	EFR3A	homólogo A de EFR3 (S. cerevisiae)
Cfa. 15501.1.A1 en	9.37 E-02	4.6 2E-01	1.4 5	PREDICHO: Pan troglodytes similar a SM 20 (LOC469708); ARNm	47.9	XM 525092	EGLN1	homólogo 1 de nueve egl (C. elegans)
Cfa. 18497.1.S1 en	6.59 E-02	4.5 1E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1A de iniciación de translación eucariótica ; enlazado a Y (LOC611715); ARNm	98	XM 849416	EIFAX	factor 1A de iniciación de translación eucariótica, enlazado a X
Cfa. 18497.1.S1 s en	9.49 E-02	4.6 3E-01	1.6 7	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 1A de inhibición de translación eucariótica ; enlazado a Y (LOC611715); ARNm	100	XM 849416	EIF1AX	factor 1A de iniciación de translación eucariótica, enlazado a X

ES 2 524 475 T3

Cfa. 20670.1. S1 s en	5.76 E-02	4.5 0E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína CDA02; variante transcripta 1 (LOC 477112); ARNm	98.2	XM 534306	EIF2A	factor 2A de iniciación de translación eucariótica, 65 kDa
Cfa. 375.1. S1 en	1.95 E-02	4.4 6E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína CDA02; variante transcripta 1 (LOC 477112); ARNm	98.8	XM 860985	EIF2A	factor 2B de iniciación de translación eucariótica, subunidad 1 alfa, 26 kDa
Cfa Affx. 12030.1. S1 en	1.68 E-02	4.4 6E-01	1.5 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad del factor eIF-2B de iniciación de translación (factor de intercambio de eIF-2B GDP-GTP); variante transcripta 1 (LOC477447); ARNm	97.3	XM 534645	EIF2B1	factor 2B de iniciación de translación eucariótica, subunidad 3 gamma, 52 kDa
Cfa. 10883.1. S1 en	2.00 E-02	4.4 6E-01	1.5 9	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 de iniciación de translación eucariótica ; subunidad 3; gen estructural enlazado a X (LOC480866); ARNm	100	XM 537983	EIF2S3	factor 2 de iniciación de translación eucariótica, subunidad 3 gamma, 52 kDa
Cfa Affx. 20766.1. S1 s en	1.86 E-02	4.4 6E-01	1.5 7	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 2 de iniciación de translación eucariótica ; subunidad 3; gen estructural enlazado a X (LOC480866); ARNm	100	XM 537983	EIF2S3	factor 2 de iniciación de translación eucariótica, subunidad 3 gamma, 52 kDa
Cfa Affx. 1984.1. S1 s en	5.91 E-02	4.5 0E-01	1.4 4	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de iniciación de translación eucariótica ; subunidad 6 (predicho) variante transcripta 4 (LOC475070); ARNm	100	XM 854853	EIF3E	factor 3 de iniciación de translación eucariótica, subunidad E
Cfa. 1036.1. S1 en	1.00 E-01	4.6 5E-01	1.5 6	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de iniciación de translación eucariótica ; subunidad 2 (eIF beta) (EIF3 p36) EiF3i) (receptor beta TGF que interactúa con la proteína 1) (TRIP-1) (LOC478152); ARNm	100	XM 535328	EIF3I	factor 3 de iniciación de translación eucariótica, subunidad I
Cfa Affx. 20977.1. S1 en	6.93 E-03	4.4 6E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad 1 factopr 3 de iniciación de translación eucariótica (eIF-3alfa) (LOC478532); ARNm	98.7	XM 544656	EIF3J	factor 3 de iniciación de translación eucariótica, subunidad J

ES 2 524 475 T3

Cfa. 1719.1. S1 en	1.78 E-02	4.4 6E-01	1.4 8	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 4E de iniciación de translación eucariótica ; (el-E) (EIF4) proteína que enlaza el cap de ARN) (eIF4F subunidad de 25 kDa) variante transcripta 3 (LOC487870); ARNm	94.9	XM 857135	EIF4E	factor 4E de iniciación de translación eucariótica,
Cfa Affx. 27903.1. S1 s en	4.47 E-02	4.4 7E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a l factor 5 de iniciación de translación eucariótica ; variante transcripta 5 (LOC480422); ARNm	100	XM 863519	EIF5	factor 5 de iniciación de translación eucariótica,
Cfa Affx. 30080.1. S1 s en	3.16 E-02	4.4 6E-01	0.7 2	ARNm de neutrofil elastasa de Canis familiaris; cds completo	100	AF494 190	ELA2	elastasa 2, neutrófilo
Cfa. 14047.1.A1 en	1.47 E-02	4.4 6E-01	1.3 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 fosfodiesterasa ELAC de Zinc (Ribonucleasa Z1) (Rnasa Z 1) (t ARN 3 endonucleasa 1) proteína 1 homólogo de ElaC) Borrado en Ma29); variante transcripta 2 (LOC476197); ARNm	70.1	XM 844400	ELAC1	homólogo 1 de elaC (E. coli)
Cfa. 1872.1. S1 en	5.51 E-02	4.5 0E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor Elf-2 de transcripción relacionada con ETS (factor 2 similar a E74) (factor relacionado con Ets nuevo); variante transcripta 1 (LOC476080); ARNm	99.4	XM 533288	ELF2	factor 2 similar a E7a (factor de transcripción del dominio ets)
Cfa Affx. 4290.1. S1 s en	8.32 E-02	4.5 6E-01	1.3 2	ARNm de Pongo abelil; ADNc DKFZp469m0522 (del clon DKFZp469m0522)	82.9	CR857 140	ELOVL 5	miembro 5 de la familia ELOVL, elongación de ácidos grasos de cadena larga (similar a FEN1/Elo2; SUR4/Elo3, levadura)
Cfa Affx. 22271.1. S1 en	6.19 E-02	4.5 0E-01	1.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar al ribosoma probable de biogénesis de proteína NEP1 (proteína C2f); variante transcripta 2 (LOC477708); ARNm	100	XM 848282	EMG1	homólogo de proteína nucleolar EMG1 (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 8549.1. S1 a t	8.85 E-02	4.5 9E- 01	0.7 6	PREDICHO: Macaca mulatta similar a la proteína de la caja hoemótica agrelada-2 (Hu-En-2) (En2); ARNm	94.3	XM 001106 130	EN2	caja hoemótica 2 agregada
Cfa. 6825.1.A1 en	5.17 E-02	4.4 8E- 01	1.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a la enzima E-1 (LOC478452); ARNm	93.6	XM 535629	ENOP H1	enolasa-fosfatasa 1
Cfa. 15126.1. S1 en	9.76 E-02	4.6 4E- 01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 alfa endosulfina ; variante transcrita 6 (LOC475837); ARNm	99.8	XM 855982	ENSA	alfa endosulfino
Cfa Affx. 31149.1. S1 en	8.33 E-02	4.5 6E- 01	1.3 2	PREDICHO; Mus musculus similar a factor 2 de transporte nuclear (LOC100043462); ARNm	100	XM 001480 585	ENSM USG00 000071 497	gen predicho, ENSMUSG00000 071497
Cfa Affx. 9298.1. S1 s en	3.08 E-02	4.4 6E- 01	1.4 5	PREDICHO: Canis familiaris similar al potenciador del homólogo 2 de policombo (LOC476143); ARNm	98.7	XM 533350	EPC2	potenciador de homólogo 2 de policombo (Drosophila)
Cfa Affx. 22555.1. S1 en	6.94 E-02	4.5 3E- 01	0.7 3	PREDICHO: receptor AB de EPH de Equus caballus	50.5	XM 001501 504	EPHA8	receptor A8 de EPH
Cfa Affx. 26703.1. S1 s en	4.78 E-03	4.4 6E- 01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de eosinofil peroxidasa (EPO) (LOC491109); ARNm	100	XM 548229	EPX	eosinofil peroxidasa
Cfa Affx. 12511.1. S1 s en	5.05 E-03	4.4 6E- 01	1.5 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a arginina aminopeptidasa derivado de leucocitos (LOC488897); ARNm	98.8	XM 546014	ERAP2	retículo endoplásmico aminopeptidasa 2
Cfa Affx. 12177.1. S1 s en	3.61 E-02	4.4 6E- 01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a ERBB2 que interactúa con la proteína isoforma 7 (LOC478082); ARNm	34.2	XM 535260	ERBB2 IP	erbb2 que interactúa con la proteína
Cfa. 20250.1. S1 en	3.75 E-02	4.4 6E- 01	1.4 3	PREDICHO: erbb2 de Equus caballus que interactúa con la proteína (ERBB21P); ARNm	91.7	XM 001915 832	ERBB2 IP	erbb2 que interactúa con la proteína
Cfa. 14403.1.A1 s en	1.51 E-02	4.4 6E- 01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína PTX1; variante transcrita 1 (LOC 477657); ARNm	98.8	XM 534852	ERGIC 2	ERGIC y golgi 2

ES 2 524 475 T3

Cfa. 11513.1. S1 en	9.30 E-02	4.6 2E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar al potenciador del homólogo rudimentario (LOC480371); ARNm	99.4	XM 537493	ERH	potenciador del homólogo rudimentario (drosophila)
Cfa. 3168.1.A1 en	8.95 E-02	4.5 9E-01	1.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la proteína 29 del retículo endoplásmico (LOC477482); ARNm	100	XM 848584	ERP29	proteína 29 del retículo endoplásmico
Cfa. 13881.1. S1 en	1.39 E-03	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la proteína 29 del retículo endoplásmico (LOC477482); ARNm	100	XM 848584	ERP29	proteína 29 del retículo endoplásmico
Cfa. Affx. 13881.1. S1 s en	3.86 E-02	4.4 6E-01	1.3 5	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la proteína 29 del retículo endoplásmico (LOC477482); ARNm	100	XM 848584	ERP29	proteína 29 del retículo endoplásmico
Cfa. 15593.1.A1 en	1.29 E-02	4.4 6E-01	1.5 1	inhibidor 1 de retroalimentación del receptor de ERBB de homo sapiens (ERFI); ARNm	84.7	NM 018948	ERRFI 1	inhibidor 1 de retroalimentación del receptor de ERBB
Cfa. 12144.1.A1 en	1.73 E-03	4.4 6E-01	1.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína del gen 6 inducible de mitógeno (LOC489636); ARNm	99.4	XM 546756	ERRFI 1	inhibidor 1 de retroalimentación del receptor de ERBB
CfaAffxx.5785.1 . S1 en	1.46 E-02	4.4 6E-01	1.7 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína ETAA16 (LOC474621); ARNm	79.6	XM 531851	ETAA1	antígeno 1 asociado al tumor de Ewing
Cfa. 20483.1. S1 s en	5.96 E-03	4.4 6E-01	1.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad alfa de flavoproteína de transferencia de electrones: precursor mitocondrial (Elfa-ETF); variante transcrita 2 (LOC610134); ARNm	100	XM 862172	ETFA	flavoproteína de transferencia de electrones; polipéptido alfa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 265.1.A1 en	3.07 E-02	4.4 6E-01	1.3 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la flavoproteína ubiquinona oxirreductasa de transferencia de electrones; precursor mitocondrial (ETF-QO) (ETF-ubiquinona oxidorreductasa) ETF deshidrogenasa) flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones); variante transcripta 1 (LOC475480); ARNm	99.5	XM 532703	ETFDH	flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones
Cfa. 11262.1.A1 en	1.07 E-02	4.4 6E-01	1.4 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la flavoproteína ubiquinona oxidorreductasa de transferencia de electrones; precursor mitocondrial (ETF-QO) (ETF-ubiquinona oxidorreductasa) ETF deshidrogenasa) flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones); variante transcripta 1 (LOC475480); ARNm	100	XM 532703	ETFDH	flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones
Cfa Affx. 13728.1. S1 en	9.98 E-03	4.4 6E-01	1.6 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a la flavoproteína ubiquinona oxirreductasa de transferencia de electrones; precursor mitocondrial (ETF-QO) (ETF-ubiquinona oxidorreductasa) ETF deshidrogenasa) flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones); variante transcripta 1 (LOC475480); ARNm	100	XM 532703	ETFDH	flavoproteína deshidrogenasa que transfiere electrones
Cfa. 8923.1.A1 en	4.11 E-02	4.4 6E-01	1.4 3	PREDICHO: Canis familiaris similar al homólogo 1 del oncógeno E26 del virus eritoblastosis v-ets; variante transcripta 1 (LOC489287); ARNm	91.3	XM 546405	ETS1	homólogo 1 del oncógeno E26 del virus eritoblastosis v-ets (avian)
Cfa. 18126.1. S1 s en	7.62 E-02	4.5 4E-01	1.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6393-PA; isoforma A (LOC608878); ARNm	98.1	XM846 013	EXOD1	dominio de exonucleasa que conteien1

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2749.1.A1 en	8.15 E-02	4.5 5E-01	1.4 1	ILEGIBLE - 2 similar a (múltiple); ARNm (clon de ADNc MCG: 137797 IMAGEN: 8084414); cds completo	42.3	BC114 730	EXTL2	2 similar a (múltiples) exostosos
Cfa Affx. 14622.1. S1 en	7.72 E-02	4.5 5E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteinasa activada del precursor del receptor 1 (PAR-1) (receptor de trombina) receptor del factor II de coagulación (LOC488972); ARNm	99.8	XM 546059	F2R	receptor del factor de coagulación II (trambina)
Cfa Affx. 11994.1. S1 en	5.62 E-02	4.5 0E-01	1.7 2	PREDICHO: ácido graso de Canis familiaris que enlaza la proteína (FABP); ARNm	100	XM 532966	FABP1	ácido graso de que enlaza la proteína 1, hígado
Cfa. 3417.1. S1 en	1.53 E-02	4.4 6E-01	1.5 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la molécula1 inhibidora apoptótica de Fas (rFAIM) (LOC485687); ARNm	92.6	XM 542807	FAIM	molécula inhibidora apoptótica Fas
Cfa Affx. 17835.1. S1 s en	1.32 E-02	4.4 6E-01	1.5 8	PREDICHO: Canis familiaris similar a la molécula 3 inhibidora apoptótica de Fas (rFAIM) (LOC485687); ARNm	31.9	XM 547385	FAIM3	molécula 3 inhibidora apoptótica Fas
Cfa Affx. 17835.1. S1 en	1.33 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a la molécula 3 inhibidora apoptótica de Fas (rFAIM) (LOC485687); ARNm	50.7	XM 547385	FAIM3	molécula 3 inhibidora apoptótica Fas
Cfa. 2943.1.A1 en	1.35 E-02	4.4 6E-01	1.8 8	ILEGIBLE - similaridad de secuencia 127; ARNm (clon de ADNc MGC: 140692 IMAGEN: 8275199); cds completo	82.7	BC133 383	FAM12 2B	familia con similaridad de secuencia 122B
Cfa. 3241.1. S1 x en	5.88 E-02	4.5 0E-01	1.3 9	ILEGIBLE - similaridad de secuencia 122B; ARNm (clon de ADNc MGC: 155300 IMAGEN 8504472); cds completo	63.6	BC116 150	FAM12 7A	familia con similaridad de secuencia 127, miembro A
Cfa Affx. 13946.1. S1 en	7.67 E-02	4.5 5E-01	1.4 7	clon de ADNc de Homo sapiens IMAGEN: 8860439	59.1	BC142 990	FAM15 1B	familia con similaridad de secuencia 151, miembro B

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2661.1.A1 en	2.57 E-02	4.4 6E-01	1.4 9	ARNm de Pongo abelii; ADNC DKFZp459O172 (del clon DKFZp459O172)	53.7	CR861 402	FAM15 2A	familia con similaridad de secuencia 152, miembro A
Cfa Affx. 13154.1. S1 s en	2.20 E-02	4.4 6E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio de esterilidad masculina que contiene 2; variante transcripta 1 (LOC476863); ARNm	100	XM 534066	FAR1	reductasa 1 de acil Coa graso
Cfa Affx. 20798.1. S1 en	1.45 E-02	4.4 6E-01	1.3 2	PREDICHO: LOC478884 hipotético de Canis familiaris (LOC477884); ARNm	100	XM 536043	FASTK D2	dominios 2 de FAST quinasa
Cfa Affx. 8537.1. S1 en	3.77 E-02	4.4 6E-01	1.4 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F y a la proteína 3 de repetición rica en leucina (LOC485499); ARNm	98.4	XM 542618	FBXL3	caja F y a la proteína 3 de repetición rica en leucina
Cfa Affx. 31207.1. S1 en	3.34 E-02	4.4 6E-01	1.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F y a la proteína 8 de repetición rica en leucina (LOC6111261); ARNm	100	XM 848903	FBXL8	caja F y a la proteína 8 de repetición rica en leucina
Cfa. 5036.1.A1 s en	1.35 E-02	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F solamente proteína 22 (LOC487672); ARNm	100	XM 544796	FBXO2 2	proteína 22 de la caja F
Cfa Affx. 21489.1. S1 en	4.88 E-02	4.4 8E-01	1.4 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 33 de la caja F; variante transcripta 2 (LOC490663); ARNm	97.5	XM 845904	FBXO3 3	proteína 33 de la caja F
Cfa. 19071.1. S1 s en	1.16 E-02	4.4 6E-01	2	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F solamente proteína 4 isoforma 1 (LOC489220); ARNm	95.8	XM 546338	FBXO4	proteína 4 de la caja F
Cfa. 9443.1.A1 s en	1.36 E-03	4.4 6E-01	2.0 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F solamente proteína 4 isoforma 1 (LOC489220); ARNm	99.5	XM 546338	FBXO4	proteína 4 de la caja F
Cfa. 19261.1. S1 s en	1.31 E-02	4.4 6E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la caja F solamente proteína 8 (caja F/proteína FBS SEC7 (LOC477359); ARNm	100	XM 534554	FBXO8	proteína 8 de la caja F

ES 2 524 475 T3

Cfa. 7574.1.A1 s en	7.71 E-02	4.5 5E- 01	1.3 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 2 de repetición de la caja F/WD (proteína 2 de dominio de Caja F y WD-40) (proteína MD6) (variante transcripta 2 (LOC610990); ARNm	49.8	XM 862728	FBXW2	dominio de repetición de la caja F y WD que contienen 2
Cfa. 12128.1.A1 en	6.68 E-02	4.5 1E- 01	0.7 2	ARN de Felis catus para CD16; cds completo	37.2	AB025 314	FCGR3	receptor FC; IgG, baja afinidad III
Cfa Affx. 20159.1. S1 s en	5.35 E-02	4.5 0E- 01	0.6 8	PREDICHO: Canis familiaris similar a baja afinidad de gamma inmunoglobulina de la región Fc del precursor del receptor III-A (receptor III-2 de IgC Fc) (Fc-gamma RIII-alfa) (Fc-gamma RIIIa) (FcRIIIa) (FcRIII) (Antígeno CD16-A) (FcR-10) (LOC478984); ARNm	98.6	XM 536141	FCGR3 A	fragmento Fc de IgG, baja afinidad IIIa, receptor (CD16a)
Cfa Affx. 20171.1. S1 s en	8.75 E-02	4.5 9E- 01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a mucina y similar al receptor FC (FC488658); ARNm	100	XM 545775	FCRLA	A similar al receptor Fc
Cfa. 1780.1. S1 en	7.04 E-02	4.5 3E- 01	1.5 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la endonucleasa específica de la estructura de colgajo; variante transcripta 1 (LOC476063); ARNm	97.8	XM 533271	FEN1	endonucleasa 1 específica de estructura de colgajo
Cfa Affx. 5760.1. S1 en	5.02 E-02	4.4 8E- 01	0.7 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a los dominios 3 de cuatro y medio LIM (LOC608080	68.2	XM 844978	FHL3	dominios 3 de cuatro y medio LIM
Cfa. 11247.1. S1 en	1.46 E-02	4.4 6E- 01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 3 enlazante de FK506 (Peptidil-prolil cis-trans isomerasa) (PPLasa) (rotamasa) (25 kDa FKBP) (FKPB-25)(inmunofilina de 25 kDa selectiva de rapamicina); variante transcripta 1 (LOC480306); ARNm	100	XM 537428	FKBP3	FK506 que enlaza la proteína 3; 25 kDa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2909.1. S1 en Affx.	3.10 E-02	4.4 6E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína 5 enlazante de FK506 (peptidil-prolil cis trnas isomerasa) (PPIasa) (rotamasa) (proteína enlazante de FK506 de 51 kDa) (inmufilina asociada al receptor de progesterona de 54 kDa) (FKB54) (P54) (antígena FF1) (inmunoglobulina enlazante de HSP90) (,, (LOC481759); ARNm	97.2	XM 53880	FKBP5	FK506 que enlaza la proteína 5
Cfa. 10371.1.A1 en	2.69 E-02	4.4 6E-01	1.5 6	proteína FLJ20160 de Homo sapiens ; ARNm (clon de ADNc IMAGEN: 4780487); ARNm	89.6	BC039 058	FLJ201 60	proteína FLJ20160
Cfa. 12371.1.A1 s en	2.19 E-02	4.4 6E-01	0.7 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a Dimetilanilina monooxigenasa (que forma óxido) 2 (Monooxigenasa 2 que contiene flavina pulmonar) (FMO 2) (Dimetilanilina oxidasa 2) (FMO 1B1) (LOC480076); ARNm	99.4	XM 537197	FMO2	flavina que contiene monooxigenasa 2 (no funcional)
Cfa. 17017.1. S1 en Affx.	7.73 E-02	4.5 5E-01	1.4 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a Dimetilanilina monooxigenasa (que forma óxido) 5 (Monooxigenasa 5 que contiene flavina Hepática) (FMO 5) (Dimetilanilina oxidasa 5) ; variante transcripta 2 (LOC475819); ARNm	100	XM 853482	FMO5	flavina que contiene monooxigenasa 5
Cfa. 13491.1.A1 x en	2.94 E-02	4.4 6E-01	1.7 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a folato hidrolasa 1 os 1 (LOC476775); ARNm	93.4	XM 533980	FOLH1	folato hidrolasa (antígeno de la membrana específica de próstata) 1
Cfa. 22297.1.A1 en	3.48 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	PREDICHO: Caja O1A de horquilla de Pan troglodytes (FOX01A); ARNm	56	XM 522749	FOXO1	caja O1 de horquilla

ES 2 524 475 T3

Cfa. 1958.1. S1 en	9.19 E-02	4.6 1E-01	1.3 5	PREDICHO: Canis familiaris similar al sustrato 2 del receptor factor de crecimiento de fibroblasto; variante transcripta 3 (LOC474444); ARNm	98	XM 845407	FRS2	sustrato 2 del receptor factor de crecimiento de fibroblasto
Cfa Affx. 10640.1. S1 s en	4.90 E-02	4.4 8E-01	1.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG32045-PB; isoforma B (LOC477318); ARNm	100	XM 534510	FRY	homólogo peludo (Drosophila)
Cfa Affx. 4922.1S1 en	1.42 E-02	4.4 6E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar al folículo que estimula la hormona receptora precursor de la isoforma 1; variante transcripta 2 (LOC481367); ARNm	100	XM 859802	FSHR	folículo que estimula el receptor de hormona
Cfa. 18241.1. S1 s en	5.69 E-02	4.5 0E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar al elemento corriente arriba far que enlaza la proteína 1 (FUSE que enlaza la proteína 1) (FBP) (helicasa V de ADN) (HDH V); variante transcripta 20 (LOC490201); ARNm	93.9	XM 862748	FUBP1	elemento corriente arriba far que enlaza la proteína 1
Cfa. 19410.1. S1 s en	7.41 E-03	4.4 6E-01	1.3 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fucosidasa; alfa-L- 2; plasma (LOC484016); ARNm	97.3	XM 862753	FUBP1	elemento corriente arriba far que enlaza la proteína 1
Cfa. 9286.1. S1 en	4.05 E-02	4.4 6E-01	1.4 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a la fucosidasa; alfa-L- 2; plasma (LOC484016); ARNm	100	XM 541133	FUCA2	fucosidasa; alfa-L- 2; plasma
Cfa Affx. 1409.1. S1 en	5.58 E-02	4-50 E-01	1.4 3	ILEGIBLE - que interactúa con la proteína (rica en serina/arginina) 1; ARNm(clon de ADNc MGC: 19515 IMAGEN: 4302658); cds completo	100	XM 541133	FUCA2	fucosidasa; alfa-L- 2; plasma
Cfa. 8055.2.A1 en	3.72 E-02	4.4 6E-01	1.4 9	ARNm de Canis familiaris para alfa 1;6 fucosiltransferasa (gen fut 8)	94.4	BC010 074	FUSIP 1	FUS que interactúa con la proteína (rica en serina/arginina) 1

ES 2 524 475 T3

Cfa. 15798.1. S1 s en	4.25 EE- 02	4.4 7E- 01	1.4 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma b de la proteína 1 relacionada con el retardo mental X frágil; variante transcripta 12 (LOC478642); ARNm	99.8	AJ8307 17	FUT8	fucosil transferasa 8 (alfa (1,6) fucosiltransferasa)
Cfa. 19777.1. S1 s en	3.27 E-02	4.4 6E- 01	1.3 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la glucosa-6-fosfato 1- deshidrogenasa (G6PD) (LOC481088); ARNm	97.1	XM 851395	FXR1	retardo mental X frágil, homólogo autosomal 1
Cfa. 121132.1.A1 en	8.01 E-02	4.5 5E- 01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a Glucosa-6-fosfato 1- deshidrogenasa (G6PD) (LOC481088); ARNm	95.7	XM 538209	G6PD	glucosa-6-fosfato 1- deshidrogenasa
Cfa. 18988.1. S1 s en	4.17 E-02	4.4 7E- 01	0.6 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a Glucosa-6-fosfato 1- deshidrogenasa (G6PD) (LOC481088); ARNm	100	XM 538209	G6PD	glucosa-6-fosfato 1- deshidrogenasa
Cfa Affx. 29972.1. S1 en	5.74 E-02	4.5 0E- 01	0.6 8	PREDICHO: Canis familiaris similar a Glucosa-6-fosfato 1- deshidrogenasa (G6PD) (LOC481088); ARNm	100	XM 538209	G6PD	glucosa-6-fosfato deshidrogenasa
Cfa Affx. 6359.1. S1 s en	5.84 E-02	4.5 0E- 01	1.5 7	PREDICHO: Equus Caballus similar a proteína asociada a GRB2 que enlaza la proteína 1 (LOC100062924); ARNm	85.6	XM 001915 633	GAB1	asociada a GRB2 que enlaza la proteína 1
Cfa Affx. 4606.1. S1 en	4.36 E-02	4- 47 E- 01	0.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor tipo B de ácido Gamma-aminobutírico; precursor de la subunidad 2 (receptor 2 de GABA-B) (GABA-B-R2) (GB2) (GABABR2) (proteína G acoplada al receptor 51) (GPR51) (HG20) (LOC481627); ARNm	100	XM 538749	GABBR2	receptor B de ácido Gamma-aminobutírico (GABA), 2
Cfa. 10604.1.s1 en	3.34 E-02	4.4 6E- 01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a GA que enlaza la proteína del factor de transcripción; subunidad alfa (60 kDa) (LOC478394); ARNm	99.1	XM 533570	GABPA	GA que enlaza la proteína del factor de transcripción; subunidad 60 kDa
Cfa Affx. 20208.1. S1 en	6.05 E-03	4.4 6E- 01	0.7 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a galactosa -3-O-sulfotransferasa 3 (LOC483717); ARNm	48	XM 540838	GAL3S T3	galactosa -3-O-sulfotransferasa 3

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 27368.1. S1 en	5.41 E-02	4.5 0E-01	1.4 4	PREDICHO: polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 1 fr Pan troglodytes; variante transcripta 3 (Galnt1); ARNm	88.6	XM 001135 963	GALNT 1	UDP-N-acetil-alfa-D-galactosamina; polipéptido N-acetilgalactosaminiltransferasa 1 (GalNAc-T1)
Cfa Affx. 21040.1. S1 s en	1.85 E-02	4.4 6E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a GTPasa que activa la isoforma 2 similar al dominio 1 de Rap/RanGap; variante transcripta 2 (LOC612841); ARNm	100	XM 857199	GARNL 1	GTPasa que activa la isoforma 2 similar al dominio 1
CfaAffx2876.1. S1 s en	7.17 E-02	4.5 4E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor de la proteína 1 específica de detención de crecimiento (GAS-1) (LOC607496); ARNm	64.6	XM 844186	GAS1	1 específica de detención de crecimiento
Cfa Affx. 27916.1S1 en	1.62 E-02	4.4 6E-01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de transcripción GATA-6 (GATA que enlaza al factor 6) (LOC490520); ARNm	74.6	XM 547642	GATA6	GATA que enlaza la proteína 6
Cfa. 18612.1. S1 en	3.49 E-02	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG33084-PB; isoforma B (LOC477509); ARNm	97.6	XM 534705	GATC	glutamil- tARN (Gln) amidotransferasa ; subunidad C homólogo (cbacterial)
Cfa. 3954.1. S1 en	9.96 E-03	4.4 6E-01	1.4 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína NipSnap2 (secuencia amplificada de Glioblastoma); variante transcripta 1(LOC479700); ARNm	100	XM 536828	GBAS	secuencia amplificada de Glioblastoma
Cfa Affx. 4309.1. S1 s en	4.71 E-02	4.4 8E-01	1.5 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad catalítica de Glutamato-cisteína ligasa (Gamma-glutamocisteína sintetasa) Gamma-ECS (GCS de cadena pesada); variante transcripta 4 (LOC609822); ARNm	62	XM 861358	GCLC	subunidad catalítica de Glutamato-cisteína ligasa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 19511.1.A1 en	1.81 E-02	4.4 6E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a diferenciación inducida de ganclisoide asociado a la proteína 2; variante transcripta 1 (LOC475812); ARNm	95.7	XM 533021	GDAP2	diferenciación inducida de ganclisoide asociado a la proteína 2
Cfa Affx. 15531.1. S1 en	1.48 E-02	4.4 6E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a diferenciación inducida de ganclisoide asociado a la proteína 2; variante transcripta 1 (LOC475812); ARNm	100	XM 533021	GDAP2	diferenciación inducida de ganclisoide asociado a la proteína 2;
Cfa. 13044.1.A1 s en	6.66 E-03	4.4 6E-01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la membrana que interactúa con la proteína de RGS16; variante transcripta 2 (LOC479827); ARNm	95.7	XM 856841	GDE1	glicerolfosfodiéster fosfodiesterasa 1
Cfa Affx. 27702.1. S1 en	3.85 E-02	4.46 E-02	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la membrana que interactúa con la proteína de RGS16; variante transcripta 2 (LOC479827); ARNm	100	XM 856841	GDE1	glicerolfosfodiéster fosfodiesterasa 1
Cfa Affx. 21469.1. S1 en	4.80 E-02	4.4 6E-01	1.6 7	PREDICHO: Canis familiaris similar al precursor del factor 3 de diferenciación de crecimiento (LOC477702); ARNm	100	XM 534896	GDF3	factor 3 de diferenciación de crecimiento
Cfa. 12712.1. S1 en	2.32 E-02	4.4 6E-01	1.3 8	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor de elongación G; mitocondrial 1 (LOC477128); ARNm	100	XM 534320	GFM1	factor de elongación G; mitocondrial 1
Cfa. 7399.1.A1 a en	5.71 E-02	4.5 0E-01	1.4 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a glucosamina-fructosa-6-fosfato aminotransferasa (LOC474624); ARNm	100	XM 531854	GFPT1	glucosamina-fructosa-6-fosfato aminotransferasa
Cfa Affx. 5557.1. S1 a t	7.36 E-02	4.5 4E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a C44B7, (LOC611603); ARNm	99.8	XM 849284	GGCT	gamma-glutamil ciclotransferasa
Cfa. Affx. 7813.1. S1 en	8.43 E-02	4.5 6E-01	1.4 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a GTPasa; miembro 7 de la familia IMAP (LOC610898); ARNm	39.2	XM 848467	GIMAP 7	GTPasa; miembro 7 de la familia IMAP

ES 2 524 475 T3

Cfa. 1560.1.A1 s en		4.5 0E- 01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la isoforma 1 del interactor de quinasa 2 del receptor acoplado a la proteína G; variante transcripta 1 (LOC477520); ARNm	100	XM 534715	GIT2	interactor de quinasa 2 del receptor acoplado a la proteína G;
	6.05 E-02			PREDICHO: Canis familiaris similar al dominio glicosiltransferasa 8 que contiene 1 (LOC481414); ARNm	100	XM 541847	GLTD1	dominio glicosiltransferasa 8 que contiene 1
Cfa. 15751.1.A1 en	8.72 E-02	4.5 9E- 01	1.3 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína celular de menos gérmenes; variante transcripta 1 (LOC481414); ARNm	98.3	XM 538534	GMCL1	proteína celular de menos gérmenes; (Drosophila)
Cfa Affx. 5892.1. S1 s en	1.96 E-02	4.4 6E- 01	1.4 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína celular de menos gérmenes; variante transcripta 1 (LOC481414); ARNm	100	XM 538534	GMCL1	proteína celular de menos gérmenes; (Drosophila)
Cfa. 1020.1.A1 en	1.92 E-02	4.4 6E- 01	1.7 5	ARNm de Pongo alelii; ADNc DKFZp459J101 (del clon DKFZp459J101)	49	CR860 440	GMFB	factor de maduración glia; beta
Cfa. 1740.1. S1 en	3.96 E-02	4.4 6E- 01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar al nucleótido de guanina que enlaza la proteína (proteína G); alfa que inhibe la actividad del polipéptido 1 (LOC478227); ARNm	99.6	XM 535402	GNAI1	nucleótido de guanina que enlaza la proteína (proteína G); alfa que inhibe la actividad del polipéptido 1
Cfa. 3177.1. S1 en	3.58 E-02	4.4 6E- 01	1.5 9	ARNm de la subunidad gamma-12 de la proteína G de Homo sapiens : cds completo	88.6	AF119 663	GNG12	nucleótido de guanina que enlaza la proteína (proteína G); Gamma 12
Cfa Affx. 31283.1. S1 s en	4.97 E-02	4.4 8E- 01	0.7 7	PREDICHO: Canis familiaris similar al nucleótido de guanina que enlaza la proteína G(1)/G(S)/G(O) subunidad gamma 3 (LOC483783); ARNm	99.6	XM 540904	GNG3	nucleótido de guanina que enlaza la proteína (proteína G); Gamma 3
Cfa. 10270.2.A1 en	5.60 E-02	4.5 0E- 01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a la glucosamina-6-fosfato desaminasa 2; variante transcripta 1 (LOC608049); ARNm	97	XM 844324	GNPD A2	glucosamina-6-fosfato desaminasa 2

ES 2 524 475 T3

Cfa. 1846.1. S1 en	8.54 E-02	4.5 7E-01	1.6 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a la glucosamina-fosfato N- acetil transferasa 1 (LOC480325); ARNm	82.2	XM 537448	GNPN AT1	glucosamina-fosfato N- acetil transferasa 1
Cfa Affx. 22817.1. S1 en	9.09 E-02	4.6 0E-01	1.3 1	Glucosamina-fosfato N-acetil transferasa de Bos taurus; ARNm (clon de ADNc MGC: 142368 IMAGEN: 8182632); cds completo	100	BC123 552	GNPN AT1	Glucosamina-fosfato N-acetil transferasa
Cfa Affx. 11738.1. S1 s en	7.71 E-02	4.5 5E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG8027-PA (LOC475443), ARNm	100	XM 532667	GNPTA B	N-acetil grlucosamina-1-fosfato transferasa, subunidad alfa y beta
Cfa. 2839.2.S1 en	2.57 E-02	4.4 6E-01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar al autoantígeno de golgi; subfamilia a de golgi; 7 (LOC607476); ARNm	100	XM 844157	GOLG A7	autoantígeno de golgi; subfamilia a de golgi; 7
Cfa. 14522.1.A1 en	6.82 E-02	4.5 2E-01	1.4 3	PREDICHO: glicerol 3-fosfato aciltransferasa mitocondrial de Macaca mulatta; variante transcripta 1 (GPAM); ARNm	86.4	XM 001087 979	GPAM	glicerol 3-fosfato aciltransferasa mitocondrial
Cfa. 10656.1.A1 s en	1.83 E-02	4.4 6E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína enlazante del promotor rico en G+C; variante transcripta 7 (LOC478062); ARNm	97	XM 854791	GPBP1	proteína enlazante del promotor rico en GC
Cfa Affx. 13153.1. S1 x en	4.53 E-03	4.4 6E-01	0.7 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a glicerol 3-fosfato deshidrogenasa 1 (soluble); variante transcripta 2 (LOC607942); ARNm	79.3	XM 845287	GPD1	glicerol 3-fosfato deshidrogenasa 1 (soluble)
Cfa. 9219.1.A1 en	1.35 E-02	4.4 6E-01	1.3 1	ARNm de Pongo abelii; ADNc DKFZp459N0527 (del clon DKFZp459N0527)	30.9	CR860 697	GPM6 B	glicoproteína M6B
Cfa Affx. 13416.1. S1 s en	8.98 E-02	4.5 9E-01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a la proteína x 0004 (LOC477475); ARNm	96.6	XM 534673	GPN3	GTPasa 3 de bucle de GNP
Cfa Affx. 327.1. S1 en	3.15 E-02	4.4 6E-01	1.3 5	PREDICHO: receptor 18 acoplado a la proteína G de Canis familiaris (GPR18); ARNm	97.8	XM 542650	GPR18	receptor 18 acoplado a la proteína G
Cfa Affx. 26530.1. S1 en	7.33 E-02	4.5 4E-01	1.3 8	PREDICHO: Canis familiaris similar al receptor 65 acoplado a la proteína G (LOC490821); ARNm	100	XM 547943	GPR65	receptor 65 acoplado a la proteína G

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 11626.1. S1 a en	6.75 E-02	4.5 2E-01	0.7 1	Dominio GRAM de Bos taurus que contiene 1A (GRAMD1A); ARNm; cds de sonda 5 incompleto	92.6	BTO25 427	GRAM D1A	Dominio GRAM d que contiene 1A
Cfa. 17431.1. S1 s en	8.25 E-02	4.5 6E-01	0.7 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG330A-PA; IS a (loc484585); ARNm	98.9	XM 541699	GRAM D1A	Dominio GRAM d que contiene 1A
Cfa Affx. 15707.1. S1 en	6.88 E-02	4.5 3E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad delta-2 del receptor de Glutamato (GluR delta 2) (LOC487863); ARNm	100	XM 544985	GRID2	receptor de Glutamato , ionotrópico delta 2
Cfa. 17040.1. S1 s en	1.86 E-02	4.4 6E-01	0.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a l receptor de glutamato; ionotrópico; proteína 1 asociada a N-metil D-aspartato (LOC475118); ARNm	100	XM 532348	GRINA	receptor de glutamato; ionotrópico; proteína 1 asociada a N-metil D-aspartato (enlazante de glutamato)
Cfa Affx. 21855.1. S1 s en	4.10 E-02	4.4 6E-01	0.7 4	PREDICHO: granulina de Equus caballus (GRN); ARNm	80.1	XM 001489 741	GRN	granulina
Cfa. 21563.1. S1 s en	6.21 E-03	4.4 6E-01	0.7 6	PREDICHO: granulina de Equus caballus (GRN); ARNm	89.3	XM 001489 741	GRN	granulina
Cfa. 1176.1. S1 en	1.32 E-03	4.4 6E-01	1.7 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a la secuencia de ARN rica en G que enlaza al factor 1 (LOC475170); ARNm	97.8	XM 532402	GRSF1	secuencia de ARN rica en G que enlaza al factor 1
Cfa. 16646.1. S1 en	5.49 E-03	4.4 6E-01	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor 3 de liberación de la cadena de polipéptido; variante transcrita 1 (LOC480921); ARNm	96.3	XM 538042	GSPT2	transición 2 de fase G1 a S
Cfa. 18875.1. S1 s en	2.56 E-02	4.4 6E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar al factor IIE de iniciación de transcripción subunidad alfa (TFIIE-alfa) (subunidad de 56 kDa del factor IIE de transcripción general); variante transcrita 1 (LOC488002); ARNm	100	XM 545124	GTF2E 1	factor IIE de transcripción general; polipéptido 1 alfa 56 kDa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 2841.1.A1 en	4.78 E-02	4.4 8E-01	1.6 6	REDICHO: Canis familiaris similar al factor IIF de transcripción general; polipéptido 2 (LOC609164); ARNm	86.1	XM 846373	GTF2F 2	factor IIE de transcripción general; polipéptido 2 alfa 30 kDa
Cfa Affx. 14484.1. S1 en	3.46 E-02	4.4 6E-01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a la subunidad compleja p62 del factor de transcripción basal de TFIID (subunidad de 62 kDa del factor de transcripción Básica) (BTF p-62) factor IID de transcripción general polipéptido 1); variante transcripta 2 (LOC476881); ar	100	XM 860245	GTF2H 1	factor IIE de transcripción general; polipéptido 1 alfa 62 kDa
Cfa. 20989.1. S1 s en	4.31 E-02	4.4 7E-01	1.4 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad del complejo 44 del factor de transcripción basal de TFIID; subunidad de 44 kDa del factor 2 de transcripción básica (BTF-p44) (factor IID de transcripción general polipéptido 2); variante transcripta 1 (LOC478089); ARNm	100	XM 535266	GTF2H 2	factor IID de transcripción general; polipéptido 2 alfa 44 kDa
Cfa Affx. 12531.1. S1 en	9.25 E-02	4.6 2E-01	1.5 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad del complejo 44 del factor de transcripción basal de TFIID; subunidad de 44 kDa del factor 2 de transcripción básica (BTF-p44) (factor IID de transcripción general polipéptido 2); variante transcripta 1 (LOC478089); ARNm	100	XM 535266	GTF2H 2	factor IID de transcripción general; polipéptido 2 alfa 44 kDa
Cfa Affx. 694.1. S1 en	9.57 E-02	4.6 3E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a GTF21RD2 beta (LOC607692); ARNm	100	XM 844465	GTF2I RD2	dominio de repetición de GTF2I que contiene 2
Cfa. 15408.1.A1 s en	6.03 E-02	4.5 0E-01	1.4	PREDICHO: proteína hipotética de Canis familiaris (LOC607600); ARNm	100	XM 844347	GTPBP 8	proteína 8 que enlaza GTP (putativo)
Cfa. 3724.1. S1 en	1.14 E-02	4.4 6E-01	0.7 1	PREDICHO: guanilato ciclasa E de Canis familiaris (GUCY2D); ARNm	99.6	XM 850484	GUCY2 D	guanilato ciclasa 2D; membrana (específica de retina)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 12183.1.A1 en	2.31 E-03	4.4 6E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-hidroxiantranilato (3-HAO) (deshidrogenas de ácido 3-hidroxiantranílico) (oxigenasa 3-hidroxiantranilato) (LOC611728); ARNm	75.3	XM 849433	HAAO	3-hidroxiantranilato 3,4 dioxigenasa
Cfa Affx. 5140.1. S1 s en	6.55 E-02	4.5 1E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a hialurona sintasa 1 (LOC611700); ARNm	100	XM 849398	HAS1	hialurona sintasa 1
Cfa. 9889.1.A1 en	4.82 E-02	4.4 8E-01	1.9 3	factor C2 de células anfitrionas de Homo sapiens (HCFC2); ARNm	74.9	NM 013320	HCFC2	factor C2 de células anfitrionas
Cfa. 2398.1.A1 en	4.78 E-02	4.4 8E-01	1.4 4	PREDICHO: repetición HEAT de equus caballus que contiene 3 (HEATR3); ARNm	62.9	XM 001915 211	HEATR 3	repetición HEAT que contiene 3
Cfa Affx. 15624.1. S1 en	1.05 E-02	4.4 6E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG10286-PA (LOC478132); ARNm	100	XM 535308	HEATR 3	repetición HEAT que contiene 3
Cfa Affx. 20328.1. S1 s en	5.76 E-02	4.5 0E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG2747-PB; isoforma 8; variante transcripta 3 (LOC480285); ARNm	100	XM 856144	HEATR 5A	repetición HEAT que contiene 5A
Cfa. 21192.1. S1 s en	1.62E-02	4.4 6E-01	0.7 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio HECT que contiene 3; variante transcripta 1 (LOC 482518); ARNm	100	XM 5396 35	HECTD 3	dominio HECT que contiene 3
Cfa. 9346.1.a1 en	3.28E-02	4.4 6E-01	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG14536; isoforma A; variante transcripta 1 (LOC 475283); ARNm	97	XM 5325 15	HERP UD2	Miembro 2 de la familia HERPUD2
Cfa Affx. 5738.1. S1 en	2.57E-02	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG14536; isoforma A; variante transcripta 1 (LOC 475283); ARNm	98.5	XM 8604 78	HERP UD2	Miembro 2 de la familia HERPUD2
Cfa340.1.A1 en	4.26E-02	4.4 7E-01	1.3 1	PREDICHO: Transcripto similar a 1 abundante en el hipocampo de Pan troglodytes (HIATL1); ARNm	86.3	XM 5207 04	HIATL1	Transcripto similar a 1 abundante en el hipocampo
Cfa. 2048.1. S1 en	1.59-02	4.4 6E-01	1.4	Familiar similar a 3 hidroxilisobutirato deshidrogenasa; precursor mitocondrial (HIBADH); variante transcripta 1 (LOC 479610); ARNm	98.7	XM 5367 47	HIBAD H	3 hidroxilisobutirato deshidrogenada

ES 2 524 475 T3

Cfa. 126.2.S1 s en	4.96E-02	4.48E-01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris factor 1 inducible por hipoxia; variante transcripta 1 (HIF1A); ARNm	100	XM 860478	HIF1A	Subunidad alfa del factor 1 inducible por hipoxia (factor de transcripción hélice – bucle – hélice básico)
Cfa Affx. 12515.1. S1 en	4.59E-02	4.47E-01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 que interactúa con Hungtingtin relacionada (Hip1-relacionada) (LOC 486251); ARNm	100	XM 543376	HIP1R	proteína 1 que interactúa con Hungtingtina relacionada
Cfa Affx. 2154.1. S1 en	6.97E-02	4.53E-01	1.65	Canis lupus familiaris complejo de histocompatibilidad principal; clase II; DO beta (HLA-DOB); ARNm	100	NM 001048127	HLA-DOB	complejo de histocompatibilidad principal; clase II; DO beta
Cfa Affx. 17669.1. S1 en	9.75E-02	4.63E-01	0.72	PREDICHO: homeo secuencia similar a H2.0 de Pan troglodytes (HILX1); ARNm	90	XM 525068	HILX	homeo secuencia similar a H2.0
Cfa. 111635.1.A 1 s en	5.88E-02	4.50E-01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a 3-hidroxi-3-metilglutaril-coenzima A reductasa (HMG-CoA reductasa); variante transcripta 1 (LOC 479182); ARNm	100	XM 536323	HMGCTR	3-hidroxi-3-metilglutaril-coenzima A reductasa
Cfa. 3398.1.A1 s en	5.79E-02	4.50E-01	1.35	familiaris similar a isoforma del dominio 3 de unión nucleosomal del grupo de alta movilidad (LOC 479182); ARNm	100	XM 848958	HMGN3	dominio 3 de unión nucleosomal del grupo de alta movilidad
Cfa. 4338.1. S1 en	5.70E-03	4.46E-01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína nuclear heterogénea A3; variante transcripta 13 (LOC 608074); ARNm	99.4	XM 857010	HNRNPA3	ribonucleoproteína nuclear heterogénea A3
Cfa Affx. 1450.1. S1 s en	9.68E-02	4.64E-01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína nuclear heterogénea H (hnRNP H); variante transcripta 14 (LOC 481455); ARNm	95.5	XM 851737	HNRNPH1	ribonucleoproteína nuclear heterogénea n H1 (H)
Cfa. 750.1. S1 en	2.14E-02	4.46E-01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de ribonucleoproteína nuclear heterogénea H3; variante transcripta 1 (LOC 479227); ARNm	95.5	XM 536369	HNRNPH3	ribonucleoproteína nuclear heterogénea n H3 (2H9)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 18334.1. S1 sen	4.68E- 02	4.4 8E- 01	1.3 8	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de ribonucleoproteína nuclear heteróloga H3; variante transcripta 2 (LOC 479227); ARNm	100 0	XM 8484 97	HNRN PH3	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga n H3 (2H9)
Cfa Affx. 21010.1. S1 sen	2.27E- 02	4.4 6E- 01	1.4 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de ribonucleoproteína nuclear heteróloga H3; variante transcripta 4 (LOC 479227); ARNm	100	XM 8553 37	HNRN PH3	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga H3 (2H9)
Cfa Affx. 2983.1. S1 sen	6.66E- 02	4.5 1E- 01	1.8 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína nuclear heteróloga K; variante transcripta 29 (HNRPK); ARNm	89.9	XM 8525 99	HNRN PK	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga K
Cfa. 17567.1. S1 sen	2.27E- 02	4.4 6E- 01	1.4 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de ribonucleoproteína nuclear heteróloga M; variante transcripta 7 (LOC 476725); ARNm	97.6	XM 8632 61	HNRN PM	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga M
Cfa. 20749.1. S1 sen	2.01E- 02	4.4 6E- 01	1.5 4	PREDICHO: Bos taurus ribonucleoproteína nuclear heteróloga M; variante transcripta 2 (HNRPM); ARNm	100 0	XM 0012 53662	HNRN PM	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga M
Cfa. 19996.1. S1 sen	4.09E- 03	4.4 6E- 01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína nuclear heteróloga R; variante transcripta 2 (LOC 478192); ARNm	97.9	XM 8478 52	HNRN PR	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga R
Cfa. 19996.1. S1 sen	2.94E- 02	4.4 6E- 01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a ribonucleoproteína nuclear heteróloga R; variante transcripta 4 (LOC 478192); ARNm	98.5	XM 8614 23	HNRN PR	ribonucleoproteín a nuclear heteróloga R
Cfa. 4201.1.A1 en	4.99E- 02	4.4 8E- 01	1.3 1	PREDICHO: Pan troglodytes similar a hómoro 1b; variante transcripta 5 (HOMER1); ARNm	79.1	XM 0011 39767	HOME R1	Homólogo homer 1 (Drosophila)
Cfa Affx. 53323.1. S1 sen	1.49E- 02	4.4 6E- 01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de proteína de homeosecuencia A1; variante transcripta 4 (LOC 482367); ARNm	67.9	XM 8594 34	HOXA1	homeosecuencia A1
Cfa Affx. 14976.1. S1 en	8.38E- 02	4.5 6E- 01	1.4 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a miembro 8 de deshidrogenasa/ reductasa (familia SDR) (LOC 487848); ARNm	100	XM 5449 70	HSD17 B11	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 11

ES 2 524 475 T3

Cfa. 18106.1. S1 s en	6.10E- 02	4.5 0E- 01	1.3 1	familiaris similar a enzima multifuncional peroxisomal tipo 2 (MFE-2) (proteína D-bifuncional) (DBP) (17-beta-hidroxiesteroide deshidrogenasa 4) (17-beta-HSD 4); variante transcripta 4 (LOC 474630); ARNm	96.9	XM 8542 13	HSD17 B4	Hidroxiesteroide (17-beta) deshidrogenasa 4
Cfa. 10807.1. S1 en	1.74E- 03	4.4 6E- 01	1.6 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a Hidroxiesteroide deshidrogenasa similar a 2 (LOC 474804); ARNm	98	XM 8485 18	HSDL2	Hidroxiesteroide deshidrogenasa similar a 2
Cfa. 1348.1.A1 en	1.64E- 02	4.4 6E- 01	1.5 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 de factor de choque térmico (HSF 2) (factor 2 de transcripción de choque térmico) (HSTF 2) (LOC 476276); ARNm	99	XM 5334 82	HSF2	factor 2 de transcripción de choque térmico
Cfa Affx. 24595.1. S1 s en	4.48E- 02	4.4 7E- 01	1.4 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 de choque térmico; variante transcripta 1 (LOC 480355); ARNm	37.7	XM 5374 79	HSPA2	Proteína 2 de 70kDa de choque térmico
Cfa. 9305 .1.A1 en	3.87E- 03	4.4 6E- 01	1.3 9	PREDICHO: Macaca Mulatta similar a proteína 4L de 70kDa de choque térmico (proteína de tensión osmótica 94) (proteína APG-1 relacionada con choque térmico 70) (HSPA4L); ARNm	86.5	XM 01313 8	HSPA4 l	similar a proteína 4L de 70kDa de choque térmico (proteína de tensión osmótica 94) (proteína APG-1 relacionada con choque térmico 70)
Cfa. 9260.1. S1 en	2.80E- 02	4.4 6E- 01	1.3 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de choque térmico 60 kDa; precursor mitocondrial (Hsp60) (chaperonina 60 kDa) (CPN60) (proteína de choque térmico 60) (HSP-60) (proteína de matriz mitocondrial P1) (proteína de linfocito P60) (HuCHA60); variante transcripta 1 (LOC 478854); ARNm	99.4	XM 5360 16	HSPD1	proteína 1 de choque térmico 60 kDa (chaperonina)
Cfa. 18131.1. S1 s en	1.41E- 02	4.4 6E- 01	1.5 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 105 kDa de choque térmico (proteína 110 DA de choque térmico) (Antígeno NY-CO 25) (LOC 477322); ARNm	99	XM 5345 15	HSPH1	Proteína 1 de 105kDa/110kDa de choque térmico
Cfa. 2783.1.A1 en	7.05E- 03	4.4 6E- 01	1.6 8	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 105 kDa de choque térmico (proteína 110 DA de choque térmico) (Antígeno NY-CO 25) (LOC 477322); ARNm	100	XM 5345 15	HSPH1	Proteína 1 de 105kDa/110kDa de choque térmico

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 10792.1. S1 s en	7.30E-03	4.4 6E-01	2.1 6	familiaris similar a proteína 105 kDa de choque térmico (proteína 110 DA de choque térmico) (Antígeno NY-CO 25) (LOC 477322); ARNm	100	XM 5345 15	HSPH1	Proteína 1 de 105kDa/110kDa de choque térmico
Cfa. 3821.1. S1 s en	1.51E-02	4.4 6E-01	0.7 5	RDC4 ARNm de Canis familiaris para proteína G acoplada al receptor	99.6	X 14049	HTR1D	Receptor 1D de hidroxitriptamina (serotonina)
Cfa. 4771 2.A1 a en	7.01E-02	4.5 3E-01	1.4 4	PREDICHO: Canis familiaris proteína hipotética LOC608547:variante transcripta 4 (LOC 608547); ARNm	75.4	XM 8454 37	HVCN1	Canal 1 activado con voltaje de hidrógeno
Cfa. 15759 1.A1 en	6.96E-02	4.5 3E-01	1.4 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a C05C8.9a (LOC 609650); ARNm	96	XM 8459 49	HYLS1	Síndrome de hidroletalus 1
Cfa. 18217. 1. S1 s en	4.71E-02	4.4 8E-01	1.3 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoleucina tARN sintetasa mitocondrial (LOC 478963); ARNm	99.1	XM 5361 21	IARS2	isoleucil tARN sintetasa 2 mitocondrial
Cfa Affx. 18328. 1. S1 s en	3.97E-02	4.4 6E-01	1.3 9	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de molécula 2 de adhesión intracelular (ICAM-2) (antígeno CD102) (LOC 480475); ARNm	62.7	XM 5375 94	ICAM2	molécula 2 de adhesión intracelular
Cfa. 10513. 1.A1 en	2.17E-02	4.4 6E-01	1.4 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de molécula 2 de adhesión intracelular (ICAM-2) (antígeno CD102) (LOC 480475); ARNm	99.4	XM 5375 94	ICAM2	molécula 2 de adhesión intracelular
Cfa Affx. 19954. 1. S1 s en	4.77E-02	4.4 8E-01	1.4 5	Canis familiaris inducible por co-estimulador de célula T (ICOS) ARNm; cds completo	99.8	AY342 349	ICOS	co-estimulador de célula T inducible
Cfa. 842. 1. S1 en	2.61E-02	4.4 6E-01	1.4 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 que interactúa con la respuesta 3 temprana inmediata (LOC 612379) ARNm;	98.4	XM 8501 10	IER3IPI	proteína 1 que interactúa con la respuesta 3 temprana inmediata
Cfa. 10707. 1. S1 s en	5.91E-02	4.5 0E-01	1.3 3	familiaris similar a precursor de cadena alfa de receptor gama interferón (IFN-gama-R1) (antígeno CD119) (CDw119) (LOC 476216) ARNm;	99.3	XM 5334 21	IFNGR 1	receptor gama interferón 1
Cfa. 6194. 1.A1 s en	2.39E-02	4.4 6E-01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo de proteína NGD5 (LOC 610842) ARNm;	98.1	XM 8483 99	IFT52	Homólogo 52 de transporte intraflagelar (clamidomonas)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 17874. 1. S1 s en	6.44E-02	4.5 1E-01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de factor II de crecimiento similar a insulina (IGF-II) (Somatomedina A) (LOC 483664) ARNm;	97.6	XM 5407 85	IGF2	factor 2 de crecimiento similar a insulina (IGF-II) (Somatomedina A)
Cfa Affx. 1156. 1. S1 en	1.03E-02	4.4 6E-01	0.7 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a interleuquina 23; precursor de subunidad p19 alfa (LOC 481110) ARNm;	89.9	XM 5382 31	IL23A	interleuquina 23, subunidad p19 alfa
Cfa. 5910. 1.A1 en	6.92E-02	4.5 3E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor de citoquina clase I (LOC 484907) ARNm;	97.4	XM 5420 23	IL27RA	Receptor de interleuquina 27, alfa
Cfa. 1507. 1.A1 en	7.76E-02	4.5 5E-01	0.7 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor 3 de interleuquina; precursor alfa (LOC 609293) ARNm;	35	XM 8465 33	IL3RA	Receptor de interleuquina 3, alfa (baja afinidad)
Cfa. 21214. 1. S1 en	5.73E-02	4.5 0E-01	2.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor 7 de interleuquina; precursor de cadena alfa (IL-7R-alfa) (CDw127) (antígeno CD127) (LOC 612582) ARNm;	99.3	XM 8503 15	IL7R	Receptor de interleuquina 7
Cfa Affx. 18249. 1. S1 s en	8.44E-02	4.5 6E-01	0.7 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio similar a inmunoglobulina que contiene receptor 1 (LOC 608570) ARNm;	62.1	XM 8456 28	ILDR1	dominio similar a inmunoglobulina que contiene receptor 1
Cfa. 15063. 1. S1 en	7.60E-02	4.5 4E-01	1.5 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9240-PA (LOC 475954) ARNm;	100	XM 5331 64	IMMP1 L	Peptidasa de membrana mitocondrial interna IMP1 similar a (S. cerevisiae)
Cfa 18248 1 S1 s en	1.91E-02	4.4 6E-01	1.3 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a inositol monofosfatasa (IMPasa) (IMP) (inositol-1 (o 4)-monofosfatasa) (monofosfatasa A1 de mio-inositol sensible a litio) (LOC 477925) ARNm;	99.3	XM 5351 14	IMPA 1	inositol-1 (o 4)-monofosfatasa 1
Cfa Affx. 28 065.1. S1 s en	2.62E-02	4.4 6E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG33556-PA (LOC 475954) ARNm;	52.6	XM 5479 99	INF2	Formina invertida, dominio FH2 y WH2 que contiene
Cfa. 15497 .1.A1 s en	9.42E-02	4.6 3e-01	1.3 6	familiaris similar a inhibidor de proteína 2 de crecimiento (p33ING2) (inhibidor de crecimiento 1 similar a proteína) (LOC 482916); ARNm	99.8	XM 5400 31	ING2	Inhibidor de familia crecimiento, miembro 2

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 63 77.1. S1 s en	3.58E- 02	4.4 6E- 01	1.3 6	familiaris similar a inositol polifosfato-4 fosfatasa; tipo II; 105kD (LOC 476072); ARNm	98.3	XM 5332 80	INPP4 B	inositol polifosfato-4 fosfatasa; tipo II; 105kD
Cfa. 139.2. S1 s en	6.47E- 02	4.5 1E- 01	0.7 7	Canis familiaris factor similar a insulina 3 (INSL 3) ARNm; cds completo; dividido alternativamente	100	AY 251014	INSL3	Insulina similar a 3 (célula Leydig)
Cfa. 1009. 1.A1 en	6.85E- 02	4.5 3E- 01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a secuencia DEAD/H (Asp-Glu-Ala-Asp/His) (LOC 476905) ARNm;	80.1	XM 5341 09	INTS6	Subunidad 6 del complejo integrador
Cfa Affx. 14 8.16.1. S1 S en	4.88E- 02	4.4 8E- 01	1.5 4	ARNm de Homo sapiens; ADNc DKFZ686P06215 (a partir del clon DKFZ686P06215)	92.2	BX 538203	INTS8	Subunidad 8 del complejo integrador
Cfa Affx. 19 884.1. S1 S en	9.63E- 02	4.6 3E- 01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar IQGAP1 que activa Ras GTPasa (p195) (LOC 479050) ARNm;	100	XM 536199	IQGAP 1	Motivo IQ que contiene proteína 1 que activa GTPasa
Cfa Affx. 14 655.1. S1 s en	6.65E- 02	4.5 1E- 01	1.4 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína similar IQGAP2 que activa Ras GTPasa (LOC 479050) ARNm;	100	XM 5363 18	IQGAP 2	Motivo IQ que contiene proteína 1 que activa GTPasa
Cfa. 11039 .1.A1 s en	5.67E- 02	4.5 0E- 01	1.3 7	PREDICHO: Canis familiaris similar a motivo IQ y repeticiones WD 1 isoforma a; variante transcrita 5 (LOC 480085) ARNm;	57.5	SM 8575 79	IGWD1	motivo IQ y repeticiones WD
Cfa. 21371 .1S1 s en	1.72E- 02	4.4 6E- 01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a motivo IQ y repeticiones WD 1 isoforma a; variante transcrita 2 (LOC 480085) ARNm;	100	XM 8574 89	IQWD1	motivo IQ y repeticiones WD
Cfa Affx. 16 291.1. S1 en	3.99E- 02	4.4 6E- 01	0.7 5	PREDICHO: Pan troglodytes similar a proteína de homeodominio IRXA1 (LOC 750962) ARNm;	37.5	XM 0011 75374	IRX1	Homeosecuencia iroquois 1
Cfa Affx. 35 02.1. S1 a t	1.01E- 02	4.4 6E- 01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar proteína de homeosecuencia retinal (LOC 61571) ARNm;	100	XM 8481 03	ISX	Homeosecuencia específica a intestino
Cfa Affx. 74 24.1. S1 s At	5.92E- 02	4.5 0E- 01	1.3 8	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9667-PA; variante transcrita 6 (LOC 484629) ARNm;	100	XM 8439 96	ISY1	Homólogo de factor de corte y empalme ISY1 (S. cerevisiae)

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 12 151.1. S1 At	2.06E-02	4.4 6E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a ligasa proteína ubiquitina ITchy E3; variante transcripta 14 (LOC 477199) ARNm;	100	XM 8587 21	ITCH	Homólogo de ligasa proteína ubiquitina ITchy E3 (ratón)
Cfa Affx. 30 111.1. S1 en	4.93E-02	4.4 8E-01	0.7 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a marco de lectura abierto 9 de cromosoma 16 (LOC 477199) ARNm;	99.2	XM 5472 21	ITFG3	Repetición FG-GAP alfa integrina que contiene 3
Cfa Affx. 28 209.1. S1 en	5.15E-02	4.4 8E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a integrina; precursor alfa 1 (LOC 489210) ARNm;	100	XM 5463 28	ITGA1	Integrina, alfa 1
Cfa Affx. 21 822.1. S1 At	2.59E-02	4.4 6E-01	1.4 5	PREDICHO: Canis familiaris similar a integrina; precursor alfa 4 (integrina alfa IV) (VLA-4) (LOC 488429) ARNm;	100	XM 5455 51	ITGA4	Integrina, alfa 4 (antígeno CD49D, subunidad alfa 4 de receptor de VLA-4)
Cfa Affx. 25 819.1. S1 en	4.80E-02	4.4 8E-01	0.7 4	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor alfa-M de integrina (subunidad alfa MAC-1 de glicoproteína de superficie celular) (cadena alfa CR-3) (CD11b) (receptor de adhesión de leucocito MO1) (receptor de adherencia de neutrófilo); variante transcripta 2 (LOC 48928) ARNm;	98.3	XM 8434 34	ITGAM	Integrina, alfa M (subunidad del receptor 3 de componente 3 de complemento)
Cfa Affx. 25 820.1. S1 At	4.46E-02	4.4 7E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor alfa X de integrina (LOC 489929) ARNm;	100	XM 5470 49	ITGAX	Integrina, alfa X (subunidad del receptor 4 de componente 3 de complemento)
Cfa. 17954 .1. S1 en	3.04E-02	4.4 6E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 de unión beta-1 de integrina (proteína 1 asociada a dominio citoplasmático de integrina) (ICAP-1) (LOC 475660) ARNm;	98.7	XM 5328 68	ITGB1 BP 1	Proteína de unión a integrina beta 1
Cfa. 3634. 1. S1 en	4.97E-02	4.4 8E-01	0.7 2	Canis familiaris integrina B-2 (ITGB2) ARNm; cds parcial	44	AF181 965	ITGB2	Integrina, beta 2 (subunidad 4 y receptor 3 de componente 3 de complemento)
Cfa Affx. 17 241.1. S1 S en	2.42E-02	4.4 6E-01	0.6 8	Canis familiaris integrina B-2 (ITGB2) ARNm; cds parcial	98.6	AF181 965	ITGB2	Integrina, beta 2 (subunidad 4 y receptor 3 de componente 3 de complemento)

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 11 478.1. S1 en	3.24E-02	4.4 6E-01	0.7 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor beta-7 de integrina (LOC 477598) ARNm;	100	XM 5347 91	ITGB7	Integrina, beta 7
Cfa Affx. 26 876.1. S1 S en	2.15E-02	4.4 6E-01	1.7 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa de célula T inducible por IL2 (LOC 489159) ARNm;	99.8	XM 5462 77	ITK	Quinasa de célula T inducible por IL-2
Cfa. 15025 .1. S1 en	4.65E-02	4.4 8E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoformas a de proteína de unión del virus de influenza NS1A; variante transcripta 2 (LOC 480043) ARNm;	94	XM 5371 65	IVNS1 AB P	proteína de unión del virus de influenza NS1A
Cfa Affx. 20 987.1. S1 s en	2.80E-02	4.4 6E-01	1.3 3	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de proteína de unión del virus de influenza NS1A; variante transcripta 9 (LOC 480043) ARNm;	100	XM 8551 30	IVNS1 AB P	proteína de unión del virus de influenza NS1A
Cfa Affx. 28 446.1. S1 en	5.86E-02	4.5 0E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis janus quinasa 1; variante transcripta t (LOC 475265) ARNm;	96.2	XM 8600 95	JAK1	Janus quinasa 1 (una proteína tirosina quinasa)
Cfa. 9214. 1.A1 en	9.72E-02	4.6 4E-01	1.3 1	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de secuencia expresada AI591476; variante transcripta 2 (LOC 475265) ARNm;	100	XM 5324 99	JAZF1	Dedo de zinc JAZZ 1
Cfa Affx. 26 570.1. S1 en	9.25E-02	4.6 2E-01	0.7 4	Motivo KN de Bos taurus y dominios 2 de repetición de ancrina; (clon ADNc MGC: 137727 IMAGEN: 8178298); cds completo	92.8	BC115 992	KANK2	Motivo KN y dominios 2 de repetición de ancrina
Cfa Affx. 96 64.1. S1 a t	6.75E-02	4.5 2E-01	1.6 2	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor asociado con p300/CBP (LOC 477052) ARNm;	98.6	XM 5342 49	KAT2B	K (lisina) acetiltransferasa 2B
Cfa. 943.1. A1 s en	4.32E-02	4.4 7E-01	1.3 6	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad A 1 de katanina p60; variante transcripta 1 (LOC 475265) ARNm;	100	XM 5334 45	KATNA 1	subunidad A 1 (que contiene ATPasa) de katanina p60
Cfa. 511.1. S1 en	6.05E-02	4.5 0E-01	1.6 6	PREDICHO: Pan troglodytes repetición keich y dominio BTB (POZ) que contiene 7 (KBTBD7; ARNm;	64	XM 5226 66	KBTBD 7	repetición keich y dominio BTB (POZ) que contiene 7

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 16 78.1. S1 a t	4.78E-02	4.48E-01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma KV3.2b de proteína de canal de potasio activado por voltaje (LOC 481168) ARNm;	99.8	XM 5382 89	KCNC2	canal de potasio activado por voltaje, subfamilia relacionada con Shaw, miembro 2
Cfa. 3460. 1. S1 en	9.91E-02	4.65E-01	0.74	Bos taurus canal kV que interactúa con proteína 2; ARNm (clon ADNc MGC: 155025 IMAGEN: 8230333); cds completo	94	BC149 230	KCNIP 2	canal kV que interactúa con proteína 2
Cfa. 3583. 1. S1 s en	2.47E-02	4.46E-01	0.72	Canis familiaris del canal de potasio de rectificación hacia adentro Kr2.1 (KNCJ2) ARNm; cds completo	99.6	AF277 647	KCNJ2	canal de potasio de rectificación hacia adentro, subfamilia J, miembro 2
Cfa Affx. 16 002.1. S1 en	1.10E-02	4.46E-01	1.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a canal de potasio activado por voltaje; subfamilia similar a KQT; miembro 1 isoforma 2 (LOC 483669); ARNm;	100	XM 5407 90	KCNQ1	canal de potasio activado por voltaje; subfamilia similar a KQT; miembro 1
Cfa Affx. 30 206.1. S1 S en	5.29E-02	4.49E-01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a canal de potasio; subfamilia T; miembro 1; variante transcripta 1 (LOC 491258); ARNm;	98.5	XM 5483 79	KCNT1	canal de potasio, subfamilia T, miembro 1
Cfa Affx. 17 019.1. S1 S en	6.07E-02	4.50E-01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio de tetramerización de canal de potasio que contiene 10; variante transcripta 1 (LOC 486312); ARNm;	100	XM 5434 38	KCTD1 0	dominio de tetramerización de canal de potasio que contiene 10
Cfa Affx. 16 854.1. S1 en	8.98E-03	4.46E-01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio KH que contiene; unión de ARN; transducción de señal asociada a 1, variante transcripta 1 (LOC 487316); ARNm;	100	XM 5444 42	KHDR BS1	dominio KH que contiene, unión de ARN, transducción de señal asociada a 1
Cfa. 9538. 1. S1 en	9.06E-03	4.46E-01	1.66	PREDICHO: Pan troglodytes similar a proteína KIAA0143 (KIAA0143); ARNm	47.9	XR 02281 0	KIAA01 43	similar a proteína KIAA0143
Cfa. 1688. 1. S1 en	8.32E-03	4.46E-01	1.81	ARNm de Homo sapiens para proteína KIAA1712; cds parcial	86.4	AB051 499	KIAA17 12	KIAA1712
Cfa. 1938. 1.A1 en	6.32E-02	4.50E-01	1.51	Homo sapiens sustrato que interactúa con quinasa D; 220 kDa	59.6	NM020 7 38	KIDINS 22 0	sustrato que interactúa con quinasa D; 220 kDa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 10496 .1. S1 s en	6.44E-02	4.50E-01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína KIF2 similar a quinesina, (quinesina-2) (HK2); variante transcripta 1 (LOC 478071); ARNm;	99.7	XM 5352 49	KIF2A	Miembro 2A de cadena pesada de quinesina
Cfa. 2691. 1. S1 s en	9.79E-02	4.64E-01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína H sKin17; variante transcripta 1 (LOC 478010); ARNm;	94.3	XM 5351 94	KIN	KIN, determinante antigénico de homólogo de proteína recA (ratón)
Cfa Affx. 20 017.1. S1 en	4.50E-02	4.46E-01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a posible ortólogo de cadena liviana de quinesina 2 (LOC 483715); ARNm;	100	XM 5408 36	KLC2	cadena liviana de quinesina 2
Cfa. 10329 .1.A1 en	2.14E-02	4.46E-01	1.47	PREDICHO: Macaca mulatta similar a factor similar a Krueppel 9 (factor de transcripción BTEB1) (proteína de unión 1 a elemento de transcripción básico) (proteína de unión 1 de BTE) (proteína de unión 1 de secuencia GC) (KLF9); ARNm	95.4	XM 0010 94875	KLF9	factor similar a Krueppel 9
Cfa. 933.2. A1 en	2.80E-02	4.46E-01	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio Keich que contiene proteína 2 (antígeno 33 asociado con carcinoma hepatocelular) (homólogo de factor de célula antriona) (LOC 480314); ARNm;	70.9	XM 5374 36	KLHDC 2	dominio Keich que contiene 2
Cfa. 2055. 1. S1 en	4.18E-02	4.47E-01	1.39	PREDICHO: Pan troglodytes similar a keich similar a 7 (Drosophila); variante transcripta 2 (LOC 472311); ARNm;	59.8	XM 0011 55436	KLHL7	keich similar a 7 (Drosophila)
Cfa Affx. 50 24.1. S1 s en	6.55E-02	4.51E-01	1.38	PREDICHO: Equus caballus keich similar a 7 (Drosophila) (KLHL7); ARNm	73.3	XM 0014 98016	KLHL7	keich similar a 7 (Drosophila)
Cfa. 20052 .1. S1 s en	1.69E-02	4.46E-01	1.84	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 2 sw proteína SBB126; variante transcripta 3 (LOC 475255); ARNm;	95.9	XM 8580 43	KLHL7	keich similar a 7 (Drosophila)
Cfa Affx. 14 936.1. S1 en	7.21E-02	4.54E-01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a Keich similar a 8; variante transcripta 2(LOC 487847); ARNm;	85.9	XM 8550 20	KLHK8	keich similar a 8 (Drosophila)

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 52 95.1. S1 s en	6.24E-02	4.50E-01	0.74	C. familiaris dKlk-2 ARNm para calicreina	100	X75479	KLK1	Calicreina 1
Cfa. 8833 1.A1 a	1.80E-02	4.46E-01	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar relacionado con SWI/SNF; matriz asociada; regulador dependiente de actina de cromatina; subfamilia e; miembro 1; variante transcript8 8 (LOC608250); ARNm	97.6	XM 857912	SMARCE1	relacionado con SWI/SNF; matriz asociada. regulador dependiente de actina de cromatina, subfamilia e, miembro 1
Cfa. 5396 a.A1 s a	5.87E-02	4.50E-01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar relacionado con SWI/SNF; matriz asociada; regulador dependiente de actina de cromatina; subfamilia e; miembro 1; variante transcripta 8 (LOC608250); ARNm	98.4	XM 537645	SMARCE1	relacionado con SWI/SNF; matriz asociada, regulador dependiente de actina de cromatina, subfamilia e, miembro 1
Cfa Affx. 16837.1. S1 a	2.73E-02	4.46E-01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a mantenimiento estructural de cromosoma 3 (sulfato de condrotina proteoglicanoo 6) (polipéptido asociado a cromosoma) (hCAP) (Bamacan) (Condrotina proteoglicanoo asociado a membrana de base); variante trascripta 8 (LOC486886); ARNm	99.6	XM 864725	SMC3	Mantenimiento estructural de cromosoma 3
Cfa Affx. 22 .089.1. S1s a	8.33E-02	4.56E-01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a mantenimiento estructural de cromosomas 4 como proteína 1 (polipéptido C asociado a cromosoma) (hCAP-C) (homólogo deXCAP-C); variante transcripta 2 (LOC478679); ARNm	100	XM 856436	SMC4	Mantenimiento estructural de cromosomas 4
Cfa. 16405.2. S1 a	1.87E-02	4.46E-01	1.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SMC5 (LOC476327); ARNm	100	XM 533529	SMC5	Mantenimiento estructural de cromosomas 5
Cfa. 19957.1. S1 s a	8.03E-02	4.55E-01	1.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SMC6 (LOC475675); ARNm	98.1	XM 532882	SMC	Mantenimiento estructural de cromosomas 6

ES 2 524 475 T3

Cfa Affx. 28184.1. S1 a	3.13E -02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio bisagra SMC 2 (LOC490535); ARNm	78.4	XM 547857	SMCH D1	Mt cromosomas de domino bisagra flexible que contiene 1
Cfa Affx. 26898.1. S1 a	9.70E -02	4.74E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9351-PA; isoforma A; vt 2 (LOC612974); ARNm	83.7	XM 863366	SMEK1	Homólogo de SMEK1, supresor de mek1 (Dictyosellium)
Cfa. 20010.1. S1 s a	6.22E -02	4.50E -01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9351-PA; isoforma A (LOC474603); ARNm	98.3	XM 531833	SMEK2	Ho de SMEK 2, supresor de mek1 (Dictyoselium)
Cfa. 17900.1. S1 s a	7.72E -02	4.55E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG9351-PA; isoforma A (LOC474303)	98.7	XM 531833	SMEK2	homólogo 2 de SMEK, supresor de mek 1 (Dictyostelium)
Cfa. 15673.1S 1 s en	4.48E -02	4.47E -01	1.78	PREDICHO: Canis familiaris similar a fosfodisterasa 3A similar a esfingomielinasa (LOC476279); ARNm	100	XM 533485	SMPDL 3A	Esfingomielina fosfodiesterasa, similar a ácido 3A
Cfa Affx. 19324.1. S1 a	7.52E -02	4.54E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a dominio SET y MYND que contiene proteína 2 (HSKM-B) (LOC480026); ARNm	90.9	XM 537149	SMYD2	Dominio SET y MYND que contiene 2
Cfa. 20664.1. S1 s a	4.56E -02	4.47E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio SET y MYND que contiene proteína 2 (HSKM-B) (LOC480026); ARNm	99.7	XM 537149	SMYD2	Dominio SET y MYND que contiene 2
Cfa. 4357.1.A 1 a	4.02E -02	4.46E -01	1.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio SET y MYND que contiene proteína 2 (HSKM-B) (LOC480026); ARNm	100	XM 537149	SMYD2	Dominio SET y MYND que contiene 2
Cfa. 20272.1. S.1 a	2.74E -02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de interacción nuclear Smad (LOC475330); ARNm	98.8	XM 532557	SNIP1	Proteína 1 de interacción nuclear Smad
Cfa. Affx. 29166.1. S1 x a	7.60E -02	4.54E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína B asociada a ribonucleoproteína nuclear Smad (sn-RNP-B) (proteína B Sm) (Sm-B)(Sm-B) (SM11); variante transcripta 4 (LOC485806); ARNm	77.3	XM 856578	SNRPB	Polipéptidos B y B1 de ribonucleoproteínas nucleares pequeños

ES 2 524 475 T3

Cfa. 4340.1. S1 a	2.06E -02	4.46E -01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína marco de lectura corriente arriba SNRPN; variante transcripta 3 (LOC606883); ARNm	47.4	XM 843416	SNURF	Marco de lectura corriente arriba SNRPN
Cfa. Afx. 4575.1. S1 a	5.70E -02	4.50E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a nexina-13 aleatoria (proteína que contiene dominio RGS y dominio PHOX) (RGS-PX1) (LOC475252); ARNm	100	XM 532486	SNX13	Nexina 13 aleatoria
Cfa. 2011.1. S1 a	3.25E -02	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma de nexina 14 aleatoria a (LOC474985); ARNm	82.7	XM 532222	SNX14	Nexina 14 aleatoria
Cfa. 2011.1. S1 a	4.01E -02	4.46E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma de nexina 14 aleatoria a (LOC474985); ARNm	98.8	XM 532222	SNX14	Nexina 14 aleatoria
Cfa Afx. 15316.1. S1 a	6.39E -02	4.50E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma de nexina 21 aleatoria a (LOC485900); ARNm	100	XM 543024	SNX21	Miembro 21 de familia de nexina aleatoria
Cfa. Afx. 19614.1. S1 a	1.07E -02	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma de nexina 4 aleatoria a (LOC478595); ARNm	100	XM 535771	SNX4	Nexina aleatoria 4
Cfa. 8877.1.A 1 a	1.62 E-02	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a nexina 5 aleatoria (LOC485754); ARNm	55.2	XM 542877	SNX5	Nexina aleatoria 5
Cfa. Afx. .9150.1S 1 s a	5.02E -02	4.48E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a nexina 5 aleatoria (LOC485754); ARNm	99.8	XM 542877	SNX5	Nexina aleatoria 5
Cfa. Afx. 1703.1. S1 x a	3.72E -03	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma A de proteína enlazante a ADN SON; variante transcripta 14 (LOC478406); ARNm	39.8	XM 852093	SON	Proteína enlazante a ADN SON
Cfa. Afx. 16722.1. S1 s a	8.62E -03	4.46E -01	1.35 1	PREDICHO: Proteína de cuerpo nuclear SP110 de Equus caballus (SP110); ARNm	37	XM 001915 628	SP110	Proteína de cuerpo nuclear SP110
Cfa. Afx. 22014.1. S1 a	4.26E -02	4.47E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de antígeno 16 asociado a esperma (LOC478899); ARNm	54.4	XM 536057	SPAG1 6	Antígeno 16 asociado a esperma

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 26465.1. S1 s a	2.79E -02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de antígeno 9 asociado a esperma; variante transcripta 5 (LOC480557); ARNm	100	XM 860904	SPAG9	Antígeno 9 asociado a esperma
Cfa. Afx. 26551.1. S1 s a	1.98E -02	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 7 asociada a espermatogénesis; variante transcripta 2 (LOC480411); ARNm	98.6	XM 863275	SPATA Z	7 asociada a espermatogénesis
Cfa. 19894.1. S1 s a	1.79E -02	4.46E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 7 asociada a espermatogénesis; variante transcripta 2 (LOC480411); ARNm	99.1	XM 537532	SPATA Z	7 asociada a espermatogénesis
Cfa. 10778.1. A1 a	3.85E -03	4.46E -01	1.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 7 asociada a espermatogénesis; variante transcripta 2 (LOC480411); ARNm	100	XM 537532	SPATA Z	7 asociada a espermatogénesis
Cfa. Afx. 761.1. S1 a	1.33E -02	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína serina/treonina quinasa (GMPPA) específica de músculos estriados ; ARNm	99.8	XM 536083	SPEG	Locus de complejo SPEG
Cfa. 15603.1. S1 a	1.65E -02	4.42E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína33 racimmo ácida; variante transcripta 1(LOC487599); ARNm	47.8	XM 544724	SPG21	Paraplegia 21 espástica (recesiva autosómica, síndrome de Mast)
Cfa. Afx. 4194.1. S1 s a	5.92E -02	4.50E -01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a espindlina; variante transcripta 1 (LOC476353); ARNm	100	XM 533554	SPIN1	esplindina 1
Cfa. Afx. 5759.1. S1 s a	2.04E -02	4.46E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína relacionada con capacidad de brote con dominio 2 de EVH-1; variante transcripta 1 (LOC481397); ARNm	99.6	XM 538517	SPRED 2	Relacionada con capacidad de brote, dominio EVH1 que contiene 2
Cfa. Afx. 22419.1 S1 a	1.08E -02	4.46E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína SSB-2 de caja SOCS que contiene dominio SPRY (LOC477710); ARNm	100	XM 534903	SPS82	Domino del receptor SPIA/rianodina y caja SOCS que contiene 2
Cfa. Afx. 24765.1. S1 s a	6.72E -03	4.46E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de espectrina beta; variante transcripta 3 (LOC490734); ARNm	99.8	XM 847737	SPTB	Espectrina, beta, eritrocítica

ES 2 524 475 T3

Cfa. 9175.1. S1 s a	8.61E -02	4.58E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a escualeno monooxigenasa; variante transcripta 2 (LOC608021); ARNm	98.75	XM 856851	SQLE	Escualeno epoxidasa
Cfa. 9175.1. S1 a	7.41E -02	4.54E -01	1.55	PREDICHO: Canis familiaris similar a escualeno monooxigenasa; variante transcripta 2 (LOC608021); ARNm	99.7	XM 856851	SQLE	Escualeno epoxidasa
Cfa. 27911.A1 a	8.81E -02	4.59E -01	1.35	Proteína SR-140 (SR-140) asociada a U2 de Homo sapiens; ARNm	86.5	NM 0010 80415	SR140	Proteína SR140 asociada a U-2
Cfa. Afx. 13882.1. S1 a	9.07E -02	4.60E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris oncógeno src; variante transcripta 1 (src); ARNm	100	XM 52988	SRC	Homólogo de oncógeno viral (aviar) (Schmidt-Ruppin A-2) sarcoma v-src
Cfa. Afx. 25465.1. S1 a	4.37E -02	4.47E -01	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína activadora CBP relacionada con Snf1 (LOC479773); ARNm	100	XM 536900	SRCAP	Proteína activadora CREBBP relacionada con Snf2
Cfa. 21637.1. S1 a	7.30E -02	4.54E -01	0.76	PREDICHO: Bos taurus matriz 2 repetitiva serina/arginina (SRRM2); ARNm	100	XM 587832	SRRM2	Matriz 2 repetitiva serina/arginina
Cfa. 7664.1.A 1 s a	1.39E -02	4.46E -01	1.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a SYT; variante transcripta 1 (SS18); ARNm	100	XM 537295	SS18	Cromosoma 18, translocación por sarcoma sinovial
Cfa. Afx. 27783.1. S1 a	5.82E -02	4.50E -01	1.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a SYT; variante transcripta 1 (SS18); ARNm	100	XM 537295	SS18	Cromosoma 18, translocación por sarcoma sinovial
Cfa. 19683.1. S1 a	4.45E -02	4.47E -01	1.47	PREDICHO: antígeno B (autoantígeno La) de síndrome de Sjogren de Equus caballus; variante transcripta 1 (SSB); ARNm	42.9	XM 001497 893	SSB	Antígeno B (autoantígeno La) de síndrome de Sjogren
Cfa. Afx. 19266.1. S1 a	9.25E -03	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a autoantígeno La (LOC478787); ARNm	98.75	XM 535952	SSB	Antígeno B (autoantígeno La) de síndrome de Sjogren
Cfa. 16361.A1 s a	6.52E -02	4.51E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 de enlazamiento a ADN de cadena sencilla (proteína 2 de enlazamiento a ADN de cadena sencilla específico de secuencia); variante transcripta 1 (LOC479160); ARNm	51.9	XM 536304	SSBP2	Proteína 2 de enlazamiento a ADN de cadena sencilla

ES 2 524 475 T3

Acff.1637 .1. S1 s a	3.59E -02	4.46E -01	1.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 2 de enlazamiento a ADN de cadena sencilla (proteína 2 de enlazamiento a ADN de cadena sencilla específico de secuencia); variante transcripta 1 (LOC479160); ARNm	100	XM 536304	SSBP2	Proteína 2 de enlazamiento a ADN de cadena sencilla
Cfa. Affx. 21963.1. S1 a	6.38E -02	4.50E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno 2 específico de esperma (LOC478824); ARNm	100	XM 535986	SSFA2	Antígeno 2 específico de esperma
Cfa. Affx. 18120.1. S1 a	3.07E -03	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo 3 de honda (Drosophila) (predicho); variante transcripta 1 (LOC483699); ARNm	99.6	XM 540820	SSH3	Homólogo 3 honda (Drosophila)
Cfa. 20386.1. S1 a	8.21E -02	4.56E -01	1.8	PREDICHO: Canis familiaris similar a sarcoma sinovial; proteína de interacción 2 de punto de ruptura x; variante transcripta 7 (LOC479970); ARNm	100	XM 862329	SSX2IP	proteína de interacción 2 de punto de ruptura x, de sarcoma sinovial
Cfa. 10782.1. A1 a	2.73E -02	4.46E -01	1.43	Proteína 14a asociada con envejecimiento de Homo sapiens; ARNm; cds completo	55.3	AY826 824	ST13	Supresión de tumorigenicidad 13 (carcinoma de colon) (proteína de interacción Hsp70)
Cfa. Affx. 144961. S1 a	3.89E -02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a alfa 2.3-sialiltransferasa VI; variante transcripta 3 (LOC478535); ARNm	71.6	XM 843258	ST3GA L6	St3 beta-galactósido alfa-2,3-sialiltransferasa 6
Cfa. 18897.1. S1 s a	7.60E -02	4.54E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno 2 estromal; variante transcripta 7 (LOC492111); ARNm	98.2	XM 859856	STAG2	Antígeno estromal 2
Cfa. Affx. 25568.1. S1 s a	2.61E -03	4.46E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 8 de transferencia de lípidos relacionada con StAR (StARD8) (proteína 8 que contiene dominio START) (LOC491932); ARNm	100	XM 549052	STARD 8	Dominio que contiene 8 de transferencia de lípidos relacionado con StAR (START)
Cfa. 578.1. S1 a	4.63E -03	4.46E -01	1.77	PREDICHO: Pan troglodytes staufer homólogo 2; variante transcripta 7 (STAU2); ARNm	76.9	XM 001165 598	STAU2	Staufen, proteína enlazante a ARN, homólogo 2 (Drosophila)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 15324.1. S1 s a	7.06E -02	4.54E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a stauften; proteína enlazante a ARN; isoforma LL (A) homólogo 2; variante transcripta 1 (LOC477913); ARNm	98	XM 535103	STAU2	Staufen, proteína enlazante a ARN, homólogo 2 (Drosophila)
Cfa. 1481.1. S1 a	5.42E -02	4.50E -01	1.36	PREDICHO: Pan troglodytes hipotético LOC474070 (STCH); ARNm	35.5	XM 531517	STCH	Proteína chaperona de estrés 70, asociada a microsoma 60kDa
Cfa. Afx. 22970.1. S1 s a	4.30E -02	4.74E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a serina/treonina quinasa 36 (homólogo fusionado: Drosophila); variante transcripta 2 (LOC478913); ARNm	99.5	XM 858349	SKT36	Serina/treonina quinasa 36, homólogo fusionado (Drosophila)
Cfa. 10687.1. S1 a	1.09E -02	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína quinasa rica en prolina-alanina relacionada con STE20/SPS1 (quinasa relacionada con Ste-20) (serina/treonina-proteína quinasa 39) (DCHT) (LOC478779); ARNm	99.8	XM 535944	STK39	Serina treonina quinasa 39 (STE20/SPS1 homólogo, levadura)
Cfa. Afx. 7253.1. S1 s a	3.20E -02	4.46E -01	0.77	PREDICHO: Canis familiaris similar a estriatina-4 (Zinedina); variante transcripta 4 (LOC610799); ARNm	100	XM 860238 9	STRN4	Estriatina, proteína enlazante calmodulina 4
Cfa. Afx. 9075.1. S1 a	4.96E -02	4.48E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a fuente de péptidos asociados a MHC inmunodominates; variante transcripta 6 (LOC485628); ARNm	100	XM 856694	STT3B	Stt3. subunidad del complejo oligosacariltransferasa, homólogo B (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 26073.1. S1 a	7.44E -02	4.54E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a Sintaxina-10 (Syn10); variante transcripta 3 (LOC476691); ARNm	41.7	XM 862072	STX10	Sintaxina 10
Cfa. 18354.1. S1 s a	4.90E -02	4.48E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a Sintaxina 12 (LOC478168); ARNm	99.8	XM 535342	STX12	Sintaxina 12
Cfa. 18679.1. S1 a	7.08E -02	4.54E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a Sintaxina 12 (LOC478168); ARNm	100	XM 535342	STX12	Sintaxina 12
Cfa. 21018.1. S1 a	9.62E -03	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma a de sintaxina 16; variante transcripta 7 (LOC477275); ARNm	67.3	XM 862448	STX16	Sintaxina 16

ES 2 524 475 T3

Cfa. Affx. 24052.1. S1 s a	1.32E -02	4.46E -01	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a Sintaxina-18; variante transcripta 1 (LOC609342); ARNm	100	XM 845928	STX18	Sintaxina 18
Cfa. 19475.2. S1 s a	4.89E -03	4.46E -01	1. 32	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 2 de epimorfina (LOC477439); ARNm	98	XM 534637	STX2	Sintaxina 2
Cfa. 1859.1. S1 a	6.37E -02	4.50E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina 7; variante transcripta 5 (LOC483987); ARNm	81.3	XM 854089	STX7	Sintaxina 7
Cfa. Affx. 12431. S1 a	7.86E -02	4.55E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a sintaxina 7; variante transcripta 5 (LOC483987); ARNm	100	XM 854089	STX7	Sintaxina 7
Cfa. 18518.1. S1 a	8.32E -02	4.56E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 de enlazamiento a sintaxina (homólogo de UNC-18)(UNC-18C) (UNC-18-3) (Proteína Sec1 de plaqueta) (PSP); variante transcripta 1 (LOC490128); ARNm	99.2	XM 547249	STXBP 3	Proteína 3 de enlazamiento a sintaxina
Cfa. Affx. 7625.1. S1 a	6.26E -02	4.50E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a Succinil-CoA-ligasa cadena beta [formadora de ADP]; precursor mitocondrial (succinil-CoA-sintetasa; cadena beta A) (SCS-betaA) (subunidad beta de succinil CoA sintetasa específica para ATP) (LOC485448); ARNm	99.7	XM 542566	SUCLA 2	Subunidad beta, formadora de ADP, succinato CoA-ligasa
Cfa. 10099.1. S1 a	3.32E -02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a supresor de alelo G2 de SKP1 (LOC609605); ARNm	94.01	XM 846893	SUGT1	SGT1, supresor del alelo G2 de SKP1 (S. cerevisiae)
Cfa. 2575.1.A 1 a	3.48E -02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 1 que modifica la sulfatasa (LOC484681); ARNm	99.8	XM 541796	SUMF1	factor 1 que modifica la sulfatasa
Cfa. Affx. 28282.1. S1 a	8.78E -02	4.59E -01	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar a enlazado a JAZF1 (LOC491158); ARNm	83.4	XM 548278	SUZ12	Supresor de homólogo de Toque 12 (Drosophila)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 20926.1. S1 a	2.28E -02	4.46E -01	1.6	PREDICHO: Bos taurus similar a proteína SUZ12 Policombo supresor de homólogo de proteína Toque 12) (enlazado a proteína JAZF1) (proteína 9 objetivo de E2F precipitada con cromatina) (proteína ChET 9) (SUZ12); ARNm	93.8	XM 582605	SUZ12	Supresor de homólogo de toque 12 (Drosophila)
Cfs.1913 2.1 S1 s a	1.52E -02	4.46E -01	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 de supervilina; variante transcripta 4 (LOC477965); ARNm	98.1	XM 855044	SVIL	Supervilina
Cfa. Affx. 19552.1. S1 a	3.83E -03	4.46E -01	1.54	Homo sapiens cds completo FLJ60548 ADNc; altamente similar a proteína 1 asociada de sinapsis	54.3	AK295 322	SYAP1	Proteína 1 asociada a sinapsis, homólogo SAP47 (Drosophila)
Cfa. 10593.1. A1 a	3.31E -02	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 asociada a MS1 isoforma 2 (LOC474986); ARNm	96.7	XM 535223	SYNCR IP	Proteína interactuante con ARN citoplásmico enlazante a sinaptotagmina
Cfa. 180371. S1 s a	7.77E -02	4.55E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 42 asociado con SPT3 (LOC480090); ARNm	99.4	XM 537213	TADA1 L	Adaptador 1 transcripcional (homólogo HFI1 similar a levadura)
Cfa. Affx. 23924.1. S1 a	9.10E -03	4.46E -01	1.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 42 asociado a SPT3 (LOC480090); ARNm	100	XM 537213	TADA1 L	Adaptador 1 transcripcional (homólogo HFI1 similar a levadura)
Cfa. Affx. 21027.1. S1 a	6.19E -02	4.50E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 1A asociado a TBP isoforma 1 (LOC608850); ARNm	97	XM 845987	TAF1A	Protéina enlazante de caja TATA, factor asociado a (TBP), ARN polimerasa I, A, 48kDa
Cfa. Affx. 16255..1. S1 s a	8.92E -02	4.59E -01	1.4	PREDICHO: ARN polierasa II TAF5 de Equus caballus; proteína enlazante de caja TATA factor asociado a (TBP); 100 kDa (TAF5); ARNm	94.9	XM 001916 270	TAF5	ARN polimerasa II TAF5, proteína enlazante caja TATA (TBP), factor asociado 100 kDa
Cfa. 4252.1. S1a	1,30E -02	4,46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de iniciación de la transcripción TFIID subunidad 9 (Factor de iniciación de la transcripción, subunidad TFIID 31kda) (TAFII-31) (TAFII-32) (TAFII32) (STAF31/32); variante transcripta 3 (LOC480815); ARNm	49.7	XM 856831	TAF9	ARN polimerasa II TAF9, proteína enlazante caja TATA factor asociado a (TBP), 32 kDa

ES 2 524 475 T3

Cfa. 21037.1. S1 s a	7.66E -02	4.55E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 9L asociado a TBP; variante transcripta 1 (LOC480965); ARNm	100	XM 538086	TAF9B	ARN polimerasa II TAF9B, proteína enlazante caja TATA factor asociado a (TBP), 31 kDa
Cfa. 2947.1. S1 a	3.78E -02	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a proteína TANK de interacción con TRAF isoforma a (LOC608092); ARNm	96.9	XM 844996	TANK	Activador NFkB asociado a miembro de familia TRAF
Cfa. 2825.1.A 1 a	8.59E -02	4.58E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a treonil-ARNt sintetasa (LOC479370); ARNm	76.6	XM 536509	TARS	Treonil-ARNt sintetasa
Cfa. Afx. 9349.1. S1 a	2.64E -02	4.46E -01	1.9	PREDICHO: Canis familiaris similar a treonina aspartasa I (Taspasa I); variante transcripta 4 (LOC477152); ARNm	100	XM 853264	TASP1	Taspasa treonina aspartasa, 1
Cfa. 10871.1. A1 a	9.77E -02	4.64E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de Tax 1 (virus de leucemisa de células T humanas tipo I); variante transcripta 5 (LOC475264); ARNm	99.5	XM 859731	TAX1B P1	proteína 1 enlazante de Tax 1 (virus de leucemisa de células T humanas tipo I)
Cfa. Afx. 1657.1. S1 a	6.72E -02	4.51E -01	1.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia del dominio TBC1; miembro 15 (LOC474451); ARNm	100	XM 531681	TBC1D 15	Familia de dominio TBC1, miembro 15
Cfa. Afx. 9740.1. S1 s a	8.48E -02	4.57E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia del dominio TBC1; miembro 5 (LOC485651); ARNm	99.1	XM 542771	TBC1D 5	Familia de dominio TBC1, miembro 5
Cfa. 3145.1.A 1 a	4.66E -02	4.48E -01	1.56	PREDICHO: familia de dominio TBC1 de Equus caballus miembro 9 (con dominio GRAM) (TBC1D9); ARNm	54.7	XM 001501 060	TBC1D 9	Familia de dominio TBC1, miembro 9 (con dominio GRAM)
Cfa. Afx. 1484.1. S1 a	2.63E -02	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa 1 enlazante de TANK; variante transcripta 2 (LOC481145); ARNm	100	XM 855742	TBK1	Quinasa 1 enlazante a TANK
Cfa. Afx. 25534.1. S1 s a	6.17E -02	4.50E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína ProSAPIP2 (LOC491043); ARNm	88.9	XM 548163	TBKBP 1	Proteína 1 enlazante a TBK1
Cfa. 9500.1. S1 a	2.13E -02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor A de elongación de transcripción similar a 1 (SII); (LOC48100); ARNm	95.9	XM 538121	TCEAL 1	Factor A de elongación de transcripción similar a 1 (SII)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 21471.1. S1 s a	5.91E -02	4.50E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador 1 de elongación de transcripción (factor 25 asociado a proteína enlazante de caja TATA) (factor de transcripción CA150) (p-144) (proteína 28 enlazante de formina) (FBP28); variante transcripta 8 (LOC478052); ARNm	70.9	XM 853836	TCERG 1	Regulador 1 de elongación de transcripción
Cfa. Affx. 24891.1. S1 s a	4.76E -02	4.48E -01	1.3	PREDICHO: Factor 12 de transcripción de Equus caballus (HTF4; factores 4 de transcripción de hélice-bucle-hélice) (TCF12); ARNm	92.6	XM 001500 594	TCF12	Factor 12 de transcripción factores 4 de transcripción de hélice-bucle-hélice)
Cfa. 2128.1.1 S1 a	1.46E -02	4.46E -01	1.66	Factor de transcripción 12 de Bos taurus; ARNm (ADNc clon MGC; 142325 IMAGE:8185949); cds completo	97.4	BC126 561	TCF12	Factor de transcripción 12
Cfa. Affx. 1684.1. S1 a	1.54E -02	4.46E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de transcripción 19 (factor de transcripción SC1) (LOC474835); ARNm	100	XM 532065	TSF19	Factor de transcripción 19 (SC1)
Cfa. Affx. 8161.1. S1 a	4.47E -02	4.47E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 23 de transcripción (LOC483008); ARNm	100	XM 540123	TCF23	Factor de transcripción 23
Cfa. 217.1. S1 s a	3.42E -02	4.46E -01	1.42	ARNm TCT1L de Canis familiaris; cds completo	99.6	AF4913 01	TCTE1 L	Similar a 1 expresado en testículos asociado a complejo t
Cfa. Affx. 19914.1. S1 a	3.09E -02	4.64E -01	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína que contiene dominio Tudor y KH (LOC609125); ARNm	95.4	XM 946333	TDRKH	Contiene dominio Tudor y KH
Cfa. Affx. 11520.1. S1 s a	2.05E -02	4.46E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio C1 similar a tensina que contiene fosfatasa isoforma 1 (LOC477599). ARNm	100	XM 534792	TENC1	Dominio C1 similar a tensina que contiene fosfatasa (tensina 2)
Cfa. 6806.1.A 1 x a	9.96E -02	4.65E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a secuencia 13A expresada en testículo (LOC492058); ARNm	37	XM 549178	TEX13 A	13A expresado en testículo

ES 2 524 475 T3

Cfa. Affx. 19117.1. S1 a	7.78E -02	4.55E -01	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor A de transcripción; precursor mitocondrial (mtTFA) (factor 1 de transcripción mitocondrial) (MtTF1) (Factor de transcripción 6 similar a 2) (LOC488989); ARNm	100	XM 546107	TFAM	Factor A de transcripción, mitocondrial
Cfa. 11314.1. A1 a	5.14E -02	4.48E -01	1.24	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor B1 de transcripción; mitocondrial (LOC476253); ARNm	100	XM 533459	TFB1M	Factor B1 de transcripción. mitocondrial
Cfa. 3431.1.A 1 a	3.94E -02	4.46E -01	1.03	PREDICHO: Canis familiaris similar a gen fusionado a TRK; variante transcripta 3 (LOC487954); ARNm	95.5	XM 851438	TFG	Gen fusionado TRK
Cfa. 2654.1.A 1 a	4.04E -02	4.46E -01	1.38	ARNm STIO de Canis lupus familiaris; cds completo	35.3	DQ 342030	TFIP11	Proteína 11 que interactúa con tuftelina
Cfa. Affx. 7315.1. S1 s a	4.57E -02	4.47E -01	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a 1 similar a treonina sintasa (LOC477983); ARNm	100	XM 535167	THNSL 1	Similar a 1 treonina sintasa (S. cerevisiae)
Cfa. 4845.1.A 1 a	6.16E -02	4.50E -01	1.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 1 que contiene dominio tipo 1 de trombospondina (LOC477293); ARNm	100	XM 534485	THSD1	Dominio tipo 1 de trombospondina. que contiene 1
Cfa. 15469.1. A1 s a	7.71E -02	4.55E -01	1.61	PREDICHO: Canis familiaris similar a subunidad TIM9 A de translocasa de membrana interna de importación mitocondrial; variante transcripta 2 (LOC609619); ARNm	100	XM859 875	TIMM9	Translocasa de homólogo de membrana 9 mitocondrial interna (levadura)
Cfa. Affx. 23548.1. S1 a	8,22 E-04	4.46E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a TIP41; similar a regulador de ruta de señalización TOR (LOC480084); ARNm	100	XM 537207	TIPRL	TIP41. similar a regulador de ruta de señalización TOR (S. cerevisiae)
Cfa. 11048.1. A1 a	2.92E -02	4.46E -01	1.71	Clon de CSODM004YPO8 de ADNc de longitud completa de hígado fetal de Homo sapiens (humano)	96.1	CR612 105	TLE1	Potenciador similar a transducina de homólogo de división 1 (E(sp1), Drosophila)
Cfa. Affx. 19441.1. S1 a	5.18E -02	4.48E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a quinasa 1 similar a maraña; variante transcripta 1 (LOC478795); ARNm	95.3	XM 535959	TLK1	Quinasa 1 similar a maraña

ES 2 524 475 T3

Cfa. 11421.1. A1 s a	6.86E -02	4.53E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a talina 1; variante transcripta 6 (LOC474759); ARNm	96.4	XM 961571	TLN1	Talina 1
Cfa. Afx. 11983.1. S1 a	8.77E -02	4.59E -01	1.33	ARNm de receptor 3 similar a peaje (TLR3) de Felis catus; cds completo	92.4	DQ 266436	TLR3	Receptor 3 similar a peaje
Cfa. Afx. 21301.1. S1 s a	2.33E -02	4.46E -01	0.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a gen de familia 3 similar a canal transmembrana (LOC488760). ARNm	100	XM 545878	TMC3	3 similar a canal transmembrana
Cfa. Afx. 20818.1. S1 s a	2.78E -02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína de membrana putativa (LOC478992); ARNm	96.1	XM 549626	TMCO1	Dominios 1 de transmembrana y enrollado-rollo
Cfa. Afx. 23281.1. S1 a	5.26E -02	4.49E -01	0.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a transmembrana y dominios 4 enrollado-rollo (LOC487401); ARNm	100	XM 544527	TMC04	Dominios 4 de transmembrana y enrollado-rollo
Cfa. 2058.1.A 1 a	2.22E -02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: molécula 2 adaptadora de receptor similar a peaje de Pan troglodytes; variante transcripta 2 (TICAM2); ARNm	81.8	XM 001147 606	TMED7	Dominio de transporte de proteína emp24 transmembrana que contiene 7
Cfa. Afx. 1277.1. S1. s a	3.35E -02	4.46E -01	1.35	PREDICHO: molécula 2 adaptadora de receptor similar a peaje de Pan troglodytes; variante transcripta 3 (TICAM2); ARNm	88.5	TMED7		Dominio de transporte de proteína emp24 transmembrana que contiene 7
Cfa. Afx. 15844.1. S1 s a	6.61E -02	4.51E -01	2.2	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína transmembrana con similar a EGF y dos precursores de dominios 2 similares a folistatina (Tomorregulina) (TR) (LOC478848); ARNm	98.5	XM 536010	TMEFF 2	proteína transmembrana con similar a EGF y dos precursores de dominios 2 similares a folistatina
Cfa. 1297.1.A 1 a	6.73E -02	4.52E -01	2	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína transmembrana con similar a EGF y dos precursores de dominios 2 similares a folistatina (Tomorregulina) (TR) (LOC478848); ARNm	98.8	XM 536010	TMEFF 2	proteína transmembrana con similar a EGF y dos precursores de dominios 2 similares a folistatina
Cfa. Afx. 15844.1. S1 a	4.80E -02	4.48E -01	1.87	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína transmembrana con similar a EGF y dos precursores de dominios 2 similares a folistatina (Tomorregulina) (TR) (LOC478848); ARNm	100	XM 536010	TMEFF 2	proteína transmembrana con similar a EGF y dos precursores de dominios 2 similares a folistatina

ES 2 524 475 T3

Cfa. 11400.1. A1 a	9.71E -02	4.64E -01	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína PM1; variante transcripta 1 (LOC479532); ARNm	90.1	XM 536671	TMEM1 1	Proteína 11 transmembrana
Cfa. 11891.1. A1 a	5.38E -02	4.50E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor de prooncosis inductor de gen de lesión en membrana (LOC611863); ARNm	97.9	XM 849585	TMEM1 23	Proteína 123 transmembrana
Cfa. 15090.1. S1 a	7.69E -02	4.55E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a LOC479094 hipotético (LOC479094); ARNm	99.4	XM 536241	TMEM1 28	Proteína 128 transmembrana
Cfa. Afx. 13247.1. S1 s a	3.23E -02	4.46E -01	1.54	PREDICHO: Bos taurus similar a proteína 161B transmembrana (TMEM161B); ARNm	87.6	XM 587515	TMEM1 61B	Proteína 161B transmembrana
Cfa. Afx. 30730.1. S1 a	4.78E -02	4.48E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG12341-PA; variante transcripta 1 (LOC612858); ARNm	100	XM 845412	TMEM1 70A	Proteína 170A transmembrana
Cfa. Afx. 10870.1. S1 a	2.86E -02	4.66- 01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2 conjugación ubiquitina variante transcripta 2 (LOC608470); ARNm	100	XM 544068	TMEM1 89UBE 2V1	Tmem189ube2v1
Cfa. 369.1S1 a	1.89E -02	4.46E -01	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 19 transmembrana ; (LOC474450); ARNm	97.5	XM 531680	TMEM1 9	Proteína 19 transmembrana
Cfa. Afx. 3132.1. S1 s a	2.46E -02	4.46E -01	1.3	ADNc cabeza de neonato; biblioteca enriquecida de longitud completa RIKEN; clon; producto 4833406C17; proteína hipotética; secuencia inserto completo	89.8	AK029 366	TMEM2 09	Proteína 209 transmembrana
Cfa. Afx. 3133.1. S1 a	7.33E -02	4.54E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG6479-PA; isoforma A BT15 (LOC475194); ARNm	100	XM 532426	TMEM2 09	Proteína 209 transmembrana
Cfa. Afx. 20084.1. S1 a	1.85E -02	4.46E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 26 transmembrana (LOC489000); ARNm	100	XM 546118	TMEM2 6	Proteína 26 transmembrana
Cfa. 1749.1.A 1 a	8.99E -02	4.59E -01	1.53	Bos taurus proteína 41B transmembrana; ARNm (clon MGC:143027 IMAGE:8308402 ADNc); cds completo	87.5	BC 142213	TMEM1 4B	Proteína 41b transmembrana

ES 2 524 475 T3

Cfa. Affx. 11373.S1 a	2.70E-02	4.46E-01	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a miembro de familia PeRoxireDoXin (prdx-6) (LOC486958); ARNm	100	XM 544087	TMEM68	Proteína 68 transmembrana
Cfa. Affx. 12987.1. S1 s a	3.94E-02	4.46E-01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7506-PA (LOC477915); ARNm	100	XM 535105	TMEM70	Proteína 70 transmembrana
Cfa. 93501. S1 a	4.28E-02	4.47E-01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG4025-PA; variante transcripta 1 (LOC479905); ARNm	100	XM 537031	TMEM77	Proteína 77 transmembrana
Cfa. Affx. 30101.1. S1 a	5.22E-04	4.46E-01	0.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína 8 transmembrana (proteína M83) (LOC479896); ARNm	100	XM 537022	TMEM8	Proteína 8 transmembrana (5 dominios de barrido de membrana)
Cfa. 4347.1. S1 a	3.10E-02	4.46E-01	1.65	PREDICHO: Canis familiaris proteína hipotética LOC610900 (LOC610900); ARNm	96.8	XM 848469	TMEM E97	Proteína 97 transmembrana
Cfa. 9768.1. S1 a	1.81E-02	4.46E-01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a R12C12.6; variante transcripta 1 (LOC476843); ARNm	100	XM 534047	TMEM9 B	Familia dominio TMEM 9. miembro B
Cfa. 1063.1. S1 a	2.45E-02	4.46E-01	1.5	Bos taurus tropomodulina 3 (ubicua); ARNm (clon ADNc MGC:127550 IMAGE:7950646) cds completo	34.1	BC 105347	TMOD3	Tropomodulina 3 (ubicua)
Cfa. 21287.1S 1 s a	2.06E-03	4.46E-01	0.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a tropomodulina-4 (tropomodulina del músculo estructural) (Sk-Tmod); variante transcripta 2 (LOC483194); ARNm	99.2	XM 540312	TMOD4	Tropomodulina 4 (músculo)
Cfa. 7342.2.A 1 a	9.08E-02	4.60E-01	1.3	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de necrosis tumoral; proteína 1 alfa-inducida; variante transcripta 2 (LOC491161); ARNm	97.1	XM863 033	TNFAI P1	Factor necrosis tumoral, proteína 1 alfa-inducida (endotelial)
Cfa. Affx. 1221.1. S1 a	6.62E-03	4.46E-01	1.96	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de necrosis tumoral; proteína 8 alfa-inducida; (LOC481428); ARNm	100	XM 538548	TNFAI P8	Factor necrosis tumoral, proteína 8 alfa-inducida

ES 2 524 475 T3

Cfa. 21032.1. S1 s a	7.82E -02	4.55E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 1 asociado a Nef (Naf!) (proteína 1 interacción TNFAJP3) (proteína interacción Nef HIV-1) (proteína de cierre nuclear asociada a virión) (VAN) (hVAN) (Nip40-1) (LOC489178); ARNm	99.8	XM 546296	TNIP1	Proteína 1 interacción con TNFAIP3
Cfa. Afx. 20015.1. S1 s a	1.02E -02	4.46E -01	0.74	Tirosina quinasa de Homo sapiens; no receptor; 2 (TNK2); variante transcripta 2 ARNm	67.4	NM 001010 938	TNK2	Tirosina quinasa, sin receptor. 2
Cfa. Afx. 24602.1. S1 s a	1.20E -02	4.46E -01	0.74	Repetición trinucleótido de Homo sapiens que contiene 18 (TNRC18); ARNm	87.1	NM 001080 495	TNRC1 8	Repetición trinucleótido que contiene 18
Cfa. Afx. 15080.1. S1 a	1.89E -02	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a translocasa de membrana 34 mitocondrial externa (LOC 477239); ARNm	100	XM 534431	TOMM 34	translocasa de membrana 34 mitocondrial externa
Cfa. Afx. 14675.1. S1. s a	9.37E -03	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a receptor de importación de proteína precursora mitocondrial (translocasa de membrana externa TOM70) (LOC478541) ARNm	100	XM 535719	TOMM 70A	Homólogo A translocasa de membrana 70 mitocondrial externa (S. cerevisiae)
Cfa. 18453.1S 1 s a	4.50E -02	4.47E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a topoisomerasa II ADN; isozima beta (LOC477044); ARNm	70.4	XM 534241	TOP2B	Topoisomerasa (ADN) II beta 180 kDa
Cfa. 11045.1. S1 s a	2.33E -02	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a topoisomerasa II ADN; isozima beta (LOC477044); ARNm	99.8	XM 534241	TOP2B	Topoisomerasa (ADN) II beta 180 kDa
Cfa. Afx. 10655.1. S1 s a	3.73E -02	4.46E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 enlazante de topoisomerasa II ADN (proteína 1 enlazante IIbeta topoisomerasa ADN) (TopBP1) (LOC477070); ARNm	100	XM 534266	TOPBP 1	Proteína 1 enlazante II (ADN) topoisomerasa
Cfa. 20269.1. S1 a	8.04E -02	4.55E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a polipéptido 1B asociado a lamina (LOC610317); ARNm	100	XM 847794	TOR1A IP1	Proteína 1 interacción con torsina A

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 21492.1. S1 a	1.40E -02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a torsina familia 3; miembro A (LOC490326); ARNm	99.8	XM 547446	TOR3A	Miembro A de torsina familia 3
Cfa. Afx. 25960.1. S1 s a	9.33E -02	4.62E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris, tropomiosina; variante transcrita 26 (TPM1); ARNm	100	XM 860214	TPM1	Tropomiosina 1 (alfa)
Cfa. Afx. 24216.1. S1 a	5.76E -02	4.50E -01	1.87	PREDICHO: Pan troglodytes hipotético LOC465115 (LOC465115) ARNm parcial	100	XM 001138 061	TPM4	Tropomiosina 4
Cfa. 15278.1. A1.s a	6.95E -02	4.53E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína enlazante PRPK (proteína quinasa relacionada p53) (LOC475794); ARNm	100	XM 533004	TPRKB	Proteína enlazante TP53RK
Cfa. Afx. 18832.1. S1 a	1.47E -02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 5 asociado a receptor TNF (LOC480019); ARNm	100	XM 537142	TRAF5	Factor 5 asociado a receptor TNF
Cfa. Afx. 10368.1. S1 s a	4.77E -02	4.48E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 22 motivo tripartito (proteína 94 dedo RING) (factor transactuante estimulado 50 kDa) (Staf 50) (LOC485284); ARNm	98.2	XM 542402	TRIM2 2	22 contiene motivo tripartito
Cfa. Afx. 10378.1. S1 s a	2.90E -02	4.46E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris familia 52 receptor olfativo cOR52B8 subfamilia similar a B (cOR52B); ar8	100	XM 848205	TRIM6- TRIM3 4	Trim6-trim34
Cfa. Afx. 23978.1. S1 s a	8.78E -02	4.59E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a metiltransferasa ARNt (N1G37) (LOC480347); ARNm	100	XM 537470	TRMT5	Homólogo metiltransferasa 5 TRM5ARNt (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 13305.1. S1 s a	4.95E -02	4.48E -01	1.64	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia de proteína 2 de dominio TSC22 (proteína 4 cremallera inducible por leucina relacionada con TSC22); variante transcrita 1 (LOC477111); ARNm	99.7	XM 534305	TSC22 D2	Familia dominio TSC22. miembro 2
Cfa. 10978.1. A1 s a	8.05E -02	4.55E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor de elongación Ts; precursor mitocondrial (EF-Ts) (EF-TsMt) (LOC481134); ARNm	100	XM 538255	TSMF	Factor de elongación de traducción Ts, mitocondrial
Cfa. 10562.1. S1 a	3.34E -02	4.46E -01	1.59	Bos taurus. factor X asociado a translina (TSNAX); ARNm	90.4	NM 001076 006	TSNAX	Factor X asociado a translina

ES 2 524 475 T3

Cfa. 21306.1. S1 a	9.07E -02	4.60E -01	1.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a tetraspanina 12 (LOC611262); ARNm	98.3	XM 850002	TSPAN 12	Tetraspanina12
Cfa. 52001.A1 a	4.84E -03	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a tetraspanina-3 (Tspan-3) (Miembro 8 superfamilia transmembrana 4) (tetraspanina TM4-A) (LOC487663); ARNm	94.4	XM 544788	TSPAN 3	Tetraspanina 3
Cfa. Affx. 16101.1. S1 s a	2.77E -02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a tetraspanina-5 (Tspan-5) (Miembro 9 superfamilia transmembrana 4) (Tetraspan NET-4) ; variante transcripta 2 (LOC478486); ARNm	71.8	XM 845625	TSPAN 5	Tetraspanina 5
Cfa. 813.1. S1 a	2.75E -03	4.46E -01	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a tetraspanina-6 (Tspan-6) (Miembro 6 superfamilia transmembrana 4) (proteína T245) tetraspanina TM4-D) (homólogo A15); variante transcripta 2 (LOC480981); ARNm	99.2	XM 845260	TSPAN 6	Tetraspanina 6
Cfa. 10166.1. A1 a	8.92E -02	4.59E -01	1.35	ARNm (clon ADNc MGC:159681 IMAGE:8245508); cds completo	36.9	BC 151251	TSPYL 4	4 similar a TSPY
Cfa. Affx. 9696.1. S1 s a	8.47E -02	4.56E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG5290-PA (LOC475719); ARNm	100	XM 532927	TTC27	Dominio 27 repetición tetratricopéptido
Cfa. 4004.1. S1 a	2.11E -02	4.46E -01	0.72	Mus musculus, familia similar a tubulina tirosina ligasa; miembro 3 (Ttll3); variante transcripta 1, ARNm	57.1	NM 133923	TTII3	familia similar a tubulina tirosina ligasa; miembro 3
Cfa. Affx. 8903.1. S1 s a	2.69E -02	4.46E -01	0.67	PREDICHO: Canis familiaris similar a tubulina tirosina ligasa; miembro 3 (LOC484664); ARNm	100	XM 541779	TTLL3	familia similar a tubulina tirosina ligasa; miembro 3
Cfa. Affx. 21712.1. S1 s a	3.44E -02	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris . titina cardiaca (TTN); ARNm	71.4	XM 535982	TTN	Titina

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 10216.S1 a	1.34E -02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a componente 3 complejo gamma-tubulina (GCP-3) (homólogo de proteína Spc98 de cuerpo polo de huso) (hSpc98) (hGCP3) (h104p) (LOC476991); ARNm	100	XM 534189	TUBGC P3	Proteína 3 asociada con complejo gamma-tubulina
Cfa. 11058.1. A1. a	9.89E -02	4.65E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína complejo anillo gamma-tubulina (gen 76p) (LOC478273); ARNm	98.9	XM 535447	TUBGC P4	Proteína 3 asociada con complejo gamma-tubulina
Cfa. Afx. 19346.1. S1 s a	7.18E -02	4.54E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína complejo anillo gamma-tubulina (gen 76p) (LOC478273); ARNm	100	XM 535447	TUBGC P4	Proteína 4 asociada con complejo gamma-tubulina
Cfa. Afx. 15065.1. S1 s a	2.99E -02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a componente 5 complejo gamma-globulina (GCP-5) (LOC478999); ARNm	99.8	XM 536154	TUBGC P5	Proteína 5 asociada con complejo gamma-tubulina
Cfa. Afx. 15062.1. S1 a	2.41E -02	4.46E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a componente 5 complejo gamma-globulina (GCP-5) (LOC478999); ARNm	100	XM 536154	TUBGC P5	Proteína 5 asociada con complejo gamma-tubulina
Cfa. 1243.1.A 1 a	5.93E -02	4.50E -01	1.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma b candidato supresor tumoral; variante transcripta 1 (LOC475608); ARNm	98	XM 532823	TUSC3	Candidato 3 supresor tumoral
Cfa. Afx. 11143.1. S1 a	7.43E -02	4.54E -01	1.37	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma b candidato supresor tumoral; variante transcripta 2 (LOC475608); ARNm	98.4	XM 844352	TUSC2	Candidato 3 supresor tumoral
Cfa. 2475.1.A 1 a	3.95E -02	4.46E -01	1.5	ARNm Pongo abelii; ADNc DKFZp46901925 (del clon DKFZp46901925)	63.4	CR 860082	TWF1	Twinfilina, proteína enlazante a actina, homólogo 1 (Drosophila)
Cfa. 3002.1. S1 a	1.84E -02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína 1 que contiene dominio tiorredoxina (proteína relacionada a Trx transmembrana) (proteína transmembrana relacionada a tiorredoxina) (LOC610791); ARNm	62.4	XM 848339	TXNDC 1	Dominio tiorredoxina que contiene 1

ES 2 524 475 T3

Cfa. Affx. 22542.1. S1 s a	1.56E -02	4.46E -01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína 1 que contiene dominio tiorredoxina (proteína relacionada a Trx transmembrana) (proteína transmembrana relacionada a tiorredoxina) (LOC610791); ARNm	100	XM 848339	TXNDC 1	Dominio tiorredoxina que contiene 1
Cfa. 20679.1. S1 a	1.66E -02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a disulfuro isomerasa (LOC609963); ARNm	100	XM 847320	TSNDC 15	Dominio tiorredoxina que contiene 15
Cfa. 20940.1. S1 s a	3.70E -02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E1B activadora 1 similar a ubiquitina (enzima subunidad 2 activadora de SUMO-1) (resistencia asociada a antraciclina ARX) variante transcripta 1 (LOC476490); ARNm	99.8	XM 533699	UBA2	Enzima 2 activadora modificadora similar a ubiquitina
Cfa. 1092.1. S1 a	4.49E -02	4.47E -01	1.52	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E1c isoforma 1 activadora de ubiquitina; variante transcripta 3 (LOC476560); ARNm	100	XM 846697	UBA3	Enzima 3 activadora modificadora similar a ubiquitina
Cfa. Affx. 5086.1. S1 a	2.27E -02	4.46E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E1 (activadora ubiquitina (complementando sensibilidad a temperatura A1S9T y BN75); ARNm	98.5	XM 532390	UBA6	Enzima 6 activadora modificadora similar a ubiquitina
Cfa. 19833.1. S1 s a	2.49E -02	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E1 (activadora ubiquitina (complementando sensibilidad a temperatura A1S9T y BN75); ARNm	98.9	XM 532390	UBA6	Enzima 6 activadora modificadora similar a ubiquitina
Cfa. Affx. 16279.1. S1 s a	6.40E -02	4.50E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a ubiquitina asociada y dominio contenedor SH3; una forma corta (LOC487779); ARNm	98.9	XM 544904	UBASH 3A	Ubiquitina asociada y dominio SH3 contenedor. A
Cfa. 11972.1. A1 A	4.80E -02	4.98E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris hipotético LOC481900 (LOC481900); ARNm	99.4	XM 539021	UBE2C BP	Proteína enlazante E2C de enzima conjugante de ubiquitina

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 19102.1. S1 a	5.93E -02	4.50E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2D 1 conjugadora de ubiquitina; homólogo UBC4/5 (LOC608578); ARNm	97.3	XM 845637	UBE2D 1	enzima E2D 1 conjugadora de ubiquitina; (homólogo UBC4/5 levadura)
Cfa. Afx. 811.1. S1 a	6.34E -02	4.50E -01	2.06	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2D 1 conjugadora de ubiquitina; (ligasa 1 proteína ubiquitina) (proteína 1 transportadora ubiquitina) (proteína ligasa SUMO-1) (enzima conjugadora de SUMO-1) (enzima Ubce2A conjugadora de ubiquitina) (LOC491332); ARNm	100	XM 548453	UBE2I	enzima E21 conjugadora de ubiquitina; (homólogo UBC9. levadura)
Cfa. 20704.1. S1 a	5.15E -02	4.48E -01	1.7	PREDICHO: Canis familiaris similar a enzima E2T que conjuga ubiquitina (putativa) (LOC607154); ARNm	100	XM 843751	UBE2T	E2T que conjuga ubiquitina
Cfa. 18990.1. S1 a	5.04E -02	4.48E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 similar a ubiquitina (proteína HCG-1); variante transcripta 2 (LOC607436); ARNm	98.2	XM 853885	UBL3	3 similar a ubiquitina
Cfa. Afx. 10890.1. S1 a	2.56E -02	4.46E E01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 similar a ubiquitina (proteína HCG-1); variante transcripta 1 (LOC607436); ARNm	100	XM 844441 5	UBL3	3 similar a ubiquitina
Cfa. Afx. 26450.1. S1 s a	7.57E -02	4.54E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio similar a ubiquitina que contiene la fosfatasa 1 CTD; variante transcripta 1 (LOC489153); ARNm	77.8	XM 546271	UBLCP 1	dominio similar a ubiquitina que contiene la fosfatasa 1 CTD
Cfa. 501.1. S1 a	4.44E -02	4.47E -01	1.46	Dominio ubiquitina Homo sapiens que contiene 2 (UBTD2) ARNm	37.6	NM 152277	UBTD2	Dominio ubiquitina que contiene 2
Cfa. 1152.1.A 1 s a	2.34E -02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a hidrolasa UCH37 terminal C ubiquitina (LOC478958); ARNm	98.8	XM 536116	UCHL5	Hidrolasa L5 terminal carboxilo ubiquitina
Cfa. 2621.1. S1. a	4.09E -02	4.46E -01	1.42	Bos taurus dominios UEV y lactato/deshidrogenasa; ARNm (clon ADNc MGC:152503 IMAGE:8422613); cds completo	50.4	BC142 095	UEVLD	dominios UEV y lactato/deshidrogenasa

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 24510.1. S1 s a	8.75E -02	4.59E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP-glucosa deshidrogenasa; variante transcripta 1 (LOC479107); ARNm	98.4	XM 536254	UGDH	UDP-glucosa deshidrogenasa
Cfa. Afx. 2954.1. S1 a	7.15E -02	4.54E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína isoforma b dedo RING similar a Np95; variante transcripta 2 (LOC474702); ARNm	100	XM 846656	UHRF2	Similar a ubiquitina con PHD y dominios 2 dedo RING
Cfa. 10244.1. A1 s a	1.66E -02	4.46E -01	1.48	PREDICHO: Canis familiaris similar a 5-monofosfato sintasa de uridina (UMP sintasa) (LOC478593); ARNm	98.7	XM 535769	UMPS	monofosfato sintetasa de uridina
Cfa. 10244.1. A1 a	2.10E -02	4.46E -01	1.42	PREDICHO: Canis familiaris similar a 5-monofosfato sintasa de uridina (UMP sintasa) (LOC478593); ARNm	100	XM 535769	UMPS	monofosfato sintetasa de uridina
Cfa. Afx. 8340.1. S1 a	3.66E -02	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a homólogo D de unc-13 (LOC483319); ARNm	100	XM 540438	UNC13 0	homólogo D de unc-13 (C. Elegans)
Cfa. 2046.1. S1 a	9.65E -02	4.63E -01	1.39	Homólogo A de unc-84 Homo sapiens (C. Elegans) (unc84a); variante transcripta 1: ARNm	32.3	NM 001130 965	UNC84 A	Homólogo A de unc-84 (C. Elegans)
Cfa. Afx. .22509.1. S1 s a	3.40E -02	4.46E -01	0.71	PREDICHO: Canis familiaris similar a regulador de transcriptos 1 sin sentido (LOC476664); ARNm	96.3	XM 533868	UPF1	Regulador UPF1 de homólogo de transcriptos sin sentido (levadura)
Cfa. Afx. 26344.1. S1 a	2.60E -02	4.46E -01	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG5537-PA; variante transcripta 2 (LOC480960); ARNm	100	XM 538081	UPRT	Homólogo de uracil fosforribosiltransferasa (FUR1) (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 13431.1. S1 s a	4.83E -02	4.48E -01	1.5	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor p115 de transporte general vesicular (proteína asociada a transcitosis) (TAP) (proteína acumulación vesícula) variante transcripta 2 (LOC478430); ARNm	46	XM 851270	USO1	Homólogo USO1, proteína acumulación vesícula (levadura)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 19994.1. S1 s a	8.1E- 03	4.46E -01	1.68	PREDICHO: Canis familiaris similar a hidrolasa 1 terminal carboxilo de ubiquitina (ubiquitina tiolesterasa 1) (proteasa 1 procesamiento específico ubiquitina) (enzima 1 desubiquitinizante) (hUBP); variante transcripta 1 (LOC479549); ARNm	97.5	XM 536688	USP1	Peptidasa 1 específica para ub
Cfa. Affx. 28718.1. S1 a	4.76E -03	4.46E -01	1.69	PREDICHO: Canis familiaris similar a hidrolasa 1 terminal carboxilo de ubiquitina (ubiquitina tiolesterasa 1) (proteasa 1 procesamiento específico ubiquitina) (enzima 1 desubiquitinizante) (hUBP); variante transcripta 1 (LOC479549); ARNm	98	XM 536688	USP1	Peptidasa 1 específica para ubiquitina
Cfa. Affx. 11142.1. S1 a	1.33E -02	4.46E -01	1.65	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasa 1 similar a 12 específica para ubiquitina (LOC486033); ARNm	91.5	XM 543159	USP12	Peptidasa 12 específica para ubiquitina
Cfa. Affx. 22784.1. S1 s a	9.70E -03	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a similar a proteasa 37 específica para ubiquitina; variante transcripta 1 (LOC488523); ARNm	100	XM 545643	USP37	Peptidasa 37 específica para ubiquitina
Cfa. 19135.1. S1 s a	3.25E -02	4.46E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteasa 8 específica para ubiquitina. variante transcripta 1 (LOC478299); ARNm	97	XM 535474	USP8	Peptidasa 8 específica para ubiquitina
Cfa. Affx. 1504.1. S1.s a	7.98E -02	4.55E -01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a uronil-2-sulfotransferasa (LOC476238); ARNm	98.7	XM 533443	UST	uronil-2-sulfotransferasa
Cfa. Affx. 26503.1. S1 a	4.00E -02	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 50 de repetición WD (LOC491088); ARNm	99.8	XM 548208	UTP18	UTP18, componente de procesoma subunidad pequeña (SSU), homólogo (levadura)
Cfa. 11226.1. A1 a	4.31E -02	4.47E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno asociado a carcinoma hepatocelular; variante transcripta 2 (LOC480616); ARNm	97.2	XM 848784	UTP6	UTP6, componente de procesoma subunidad pequeña (SSU), homólogo (levadura)

ES 2 524 475 T3

Cfa. 13657.1. S1 s a	9.62E -03	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a antígeno asociado a carcinoma hepatocelular; variante transcripta 2 (LOC480616); ARNm	98.7	XM 848784	UTP6	UTP6, componente de procesoma subunidad pequeña (SSU), homólogo (levadura)
Cfa. Afx. 4057.1. S1 a	8.43E -02	4.56E -01	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a UDP gluconato descarboxilasa 1 (LOC481318); ARNm	92.2	XM 538439	UXS1	UDP gluconato descarboxilasa 1
Cfa. 21235.1. S1 a	2.69E -02	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 26 selección vacuolar; variante transcripta 2 (LOC479233); ARNm	60.7	XM 855882	VPS26 A	proteína 26 selección vacuolar homólogo A (S. pombe)
Cfa. Afx. 21356.1. S1 s a	3.99E -02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 26 selección vacuolar; variante transcripta 2 (LOC479233); ARNm	100	XM 536375	VPS26 A	proteína 26 selección vacuolar homólogo A (S. pombe)
Cfa. 505.1.A1 a	4.49- O2	4.47- 01	1.35	PREDICHO: Pan troglodytes proteína 33A selección vacuolar; variante transcripta 5 (VPS33A); ARNm	39.2	XM 509444	VPS33 A	proteína 33A selección vacuolar; (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 11256.1. S1 a	4.63E -02	4.47E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 1 relacionada con carcinoma hepatocelular (LOC475611); ARNm	100			proteína 37 selección vacuolar; (S. cerevisiae)
Cfa. 9055.1. S1A	1.14E -02	4.46E -01	1.79	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 54 selección vacuolar isoforma 2; variante transcripta 2 (LOC474616); ARNm	97.8	XM 860879	VPS54	proteína 54 selección vacuolar; (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 16885.1. S1 a	9.67E -02	4.63E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris hipotético LOC487986 (LOC487986); ARNm	100	XM 545108	VSTM3	Dominio V-set y transmembrana que contiene 3
Cfa. 10473.1. S1 s a	6.57E -03	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio 20 repetición WD isoforma 2; variante transcripta 6 (LOC611234); ARNm	97.9	XM 863505	WDR20	dominio 20 repetición WD
Cfa. Afx. 15597.1. S1 s a	4.68E -02	4.48E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 repetición WD LOC484143; ARNm	99.6	XM 540261	WDR3	dominio 3 repetición WD
Cfa. 8901.1.A 1 s a	7.14E -02	4.54E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 repetición WD LOC488875; ARNm	100	XM 545992	WDR36	dominio 36 repetición WD

ES 2 524 475 T3

Cfa. 1554.1.A 1 a	4.14E -02	4.46E -01	1.59	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 47 repetición WD; variante transcripta 1 (LOC490126); ARNm	99.8	XM 547247	WDR47	dominio 47 repetición WD
Cfa. 17135.1. S1 s a	1.33E -02	4.46E -01	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 75 repetición WD LOC488443; ARNm	98.4	XM 545565	WDR75	dominio 75 repetición WD
Cfa. Afx. 14786.1. S1 a	9.72E -02	4.64E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetición WD; dominio SAM y U-caja que contiene 1; (LOC478761); ARNm	92.2	XM 535926	WDSU B1	Repetición WD, dominio estéril motivo alfa y U-caja que contiene 1
Cfa. 847.1. S1 a	2.10E -02	4.46E -01	1,35	PREDICHO: Canis familiaris similar a repetición WD; dominio SAM y U-caja que contiene 1; (LOC478761); ARNm	99.5	XM 535926	WDSU B1	Repetición WD, dominio estéril motivo alfa y U-caja que contiene 1
Cfa. Afx. 13857.1. S1 a	5.44E -02	4.50E -01	0.76	PREDICHO: Canis familiaris similar a precursor de proteína Wnt1 protooncógeno (LOC)484560); ARNm	100	XM 543686	WNT1	Familia sitio integración MMTV tipo sin alas, miembro 1
Cfa. Afx. 31013.1. S1 a	7.32E -02	4.54E -01	0.72	PREDICHO: Canis familiaris similar a ubiquitina-proteína ligasa WWP2 E3 similar a Nedd-4 (proteína 2 que contiene dominio WW) proteína 2 que interactúa con atropina-1)(AIP2) variante transcripta 2 (LOC479672); ARNm	100	XM 846047	WWP2	Ubiquitina proteína ligasa 2 E3 que contiene dominio WW
Cfa. 1421.1. S1 a	9.36E -02	4.62E -01	1.39	PREDICHO: Canis familiaris similar a exportina 1; homólogo CRM1; variante transcripta 4 (LOB474609); ARNm	62.4	XM 860656	XPO1	Exportina 1 (homólogo CRM1, levadura)
Cfa1264 7.1.A1 s a	1.98E -02	4.46E -01	1.61	PREDICHO Pan troglodytes Exportina 4; variante transcripta 4 (XPO4); ARNm	94.9	XM 001148 771	XPO4	Exportina 4
Cfa. 19844.1. A1 a	4.11E -02	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 enlazante de Ku70 (LOC474422); ARNm	73.9	XM 531653	XRCC6 BP1	Proteína 1 enlazante de XRCC6
Cfs.1084 4.1.A1 s a	5.90E -02	4.50E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 3 enlazante de Ku70 (LOC474422); ARNm	100	XM 531653	XRCC6 BP1	Proteína 1 enlazante de XRCC6
Cfa. 10196.1. A1 a	6.63E -02	4.50E -01	1.66	PREDICHO: Canis familiaris similar a dominio YEATS que contiene 4 (LOC474443); ARNm	97.9	XM 531673	YEATS 4	dominio YEATS que contiene 4

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 1601.1. S1 s a	5.23E-02	4.49E-01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a YEATS que contiene 4 (LOC474443); ARNm	99.8	XM 531673	YEATS 4	dominio YEATS que contiene 4
Cfa. Afx. 1601.1. S1 a	1.40E-02	4.46E-01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a YEATS que contiene 4 (LOC474443); ARNm	100	XM 531673	YEATS 4	dominio YEATS que contiene 4
Cfa. 1460.1. S1 a	4.20E-02	4.47E-01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a familia dominio Yip1; miembro 4 (LOC475717); ARNm	96.3	XM 532925	YIPF4	familia dominio Yip1; miembro 4
Cfa. 576.1. S1 a	2.12E-02	4.46E-01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 5 asociada a célula de músculo liso (LOC478048); ARNm	95.9	XM 535226	YIPF5	familia dominio Yip1; miembro 5
Cfa. 1083.1. S1 a	1.74E-02	4.46E-01	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 3 1 similar a YME1. (LOC 477988); ARNm	96.5	XM 535172	YME1L 1	1 similar a YME1 (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 7542.1. S1 s a	1.20E-02	4.46E-01	1.52	PREDICHO: Canis familiaris similar a isoforma 3 1 similar a YME1, (LOC 477988); ARNm	100	XM 535172	YME1L 1	1 similar a YME1 (S. cerevisiae)
Cfa. Afx. 19065.1. S1 s a	2.68E-02	4.46E-01	1.54	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína theta 14-3-3 (proteína teu 14-3-3); variante transcripta 1 (LOC607060); ARNm	96.5	XM 532871	YWH A Q	Proteína de activación tirosina 3-monooxigenasa/triptófa no 5-monooxigenasa, polipéptido theta
Cfa. Afx. 6010.1. S1 a	1.55E-02	4.46E-01	1.46	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína theta 14-3-3 (proteína teu 14-3-3); variante transcripta 3 (LOC607060); ARNm	99.5	XM 851129	YWH A Q	Proteína de activación tirosina 3-monooxigenasa/triptófa no 5-monooxigenasa, polipéptido theta
Cfa. 1311.1. S1 s a	6.15E-03	4.46E-01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína theta 14-3-3 (proteína teu 14-3-3); variante transcripta 3 (LOC607060); ARNm	99.6	XM 851129	YWH A Q	Proteína de activación tirosina 3-monooxigenasa/triptófa no 5-monooxigenasa, polipéptido theta
Cfs.1579. 1.A1 a	1.01E-02	4.46E-01	1.38	PREDICHO: Canis lupus familiaris dedo de zinc; tipo BET que contiene 5 (ZBED5); ARNm	97.8	NM 001097 982	ZBED5	Dedo de zinc, tipo BET que contiene 5
Cfa. 10527.3. S1 a	1.54E-02	4.46E-01	1.48	PREDICHO: Canis lupus familiaris dedo de zinc; tipo BET que contiene 5 (ZBED5); ARNm	99.7	NM 001097 982	ZBED5	Dedo de zinc, tipo BET que contiene 5
Cfa. Afx. 24591.1. S1 a	9.55E-02	4.63E-01	1.32	PREDICHO; Pan troglodytes dedo de zinc y dominio BTB que contiene 1; variante transcripta 1 (ZBTB1); ARNm	93.5	XM 001170 591	ZBTB1	dedo de zinc y dominio BTB que contiene 1

ES 2 524 475 T3

Cfa. 16746.1. S1 a	2.76E -02	4.46E -01	1.46	PREDICHO: Macaca mulata proteína dedo de zinc ZNF-U69274 (ZBTB11); ARNm	73.8	XR 011969	ZBTB1 1	Proteína ZNF-U69274 dedo de zinc
Cfa. Afx. 15082.1. S1 a	3.05E -02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zin y dominio BTB que contiene proteína 11 (LOC487956); ARNm	100	XM 545078	ZBTB1 1	Dedo de zinc y dominio BTB que contiene 11
Cfa. 2010.1.A 1 a	7.95E -02	.55E- 01	0.74	ADN de tumor de hígado masculino; biblioteca enriquecida longitud completa RIKEN; clon: 730007E04 producto no clasificable; secuencia de inserto completa	65.6	AK 149418	ZBTB2 0	Dedo de zinc y dominio BTB que contiene 20
Cfa. Afx. 28238.1. S1 a	2.54E -02	4.46E -01	1.31	PREDICHO: equus caballus dedo de zinc y dominio BTB que contiene 32 (ZBTB33); ARNm	95.9	XM 001501 266	ZBTB3 3	Dedo de zinc y dominio BTB que contiene 33
Cfa. Afx. 22376-1- S1 s a	4.67E -02	4.48E -01	1.36	PREDICHO: Canis lupus familiaris tipo CCCH que contiene 15 (ZC3H15); ARNm	98.5	NM 011146 05	ZC3H1 5	Dedo de zinc tipo CCCH que contiene 15
Cfa. 768.1. S1 a	2.55E -02	4.46E -01	1.37	PREDICHO: Canis lupus familiaris tipo CCCH que contiene 15 (ZC3H15); ARNm	100	NM 011146 05	ZC3H1 5	Dedo de zinc tipo CCCH que contiene 15
Cfa. 2227.1.A 1 s a	5.98E -02	4.50E -01	1.56	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc; dominio CCHC que contiene isoforma B 11; vy 1 (LOC475349); ARNm	93.2	XM 532573	ZCHC1 1	Dedo de zinc, dominio CCHC que contiene 11
Cfa. 3049.1. S1 a	3.61E -02	4.46E -01	1.36	PREDICHO: Pan troglodytes dedo de zinc; dominio CCHC que contiene 3 (ZCCHC3); ARNm	60.9	XM 001150 561	ZCCHC 3	Dedo de zinc, dominio CCHC que contiene 3
Cfa. Afx. 12605.1. S1 a	7.78E -02	4.55E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc; dominio CCHC que contiene 8 (LOC477460); ARNm	100	XM 534658	ZCCHC 8	Dedo de zinc, dominio CCHC que contiene 8
Cfa. 352.1.A1 a	2.60E -02	4.46E -01	1.36	PREDICHO: canis familiaris similar a dedo de zinc; dominio CCHC que contiene 9; variante transcripta 2 (LOC479161); ARNm	74.8	XM 536305	ZCCHC 9	Dedo de zinc, dominio CCHC que contiene 9
Cfa. Afx. 6949.1. S1 s a	4.72E -02	4.48E -01	1.57	PREDICHO: Canis familiaris similar a factor 8 de transcripción (proteína dedo de zinc NIL-2-A) (regulador negativo de IL2); variante transcripta 7 (LOC477966); ARNm	84.7	XM 854899	ZEB1	Homeocaja 1 enlazante a caja E dedo de zinc

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 28070.1. S1 a	6.59E -02	4.51E -01	0.75	Proteína 830 dedo de zinc; ARNm (clon de ADNc MGC:125001 IMAGE: 7381762); cds completo	61.1	BC 104717	ZFP83 0	Proteína 830 dedo de zinc
Cfa. Afx. 27140.1. S1 s a	5.67E -02	4.50E -01	1.49	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc; isoforma 1 tipo 1 matrina (LOC480993); ARNm	100	XM 538114	ZMAT1	Dedo de zinc, tipo 1 matrina
Cfa. Afx. 9824.1. S1 a	9.35E -02	4.62E -01	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc; tipo 2 marina; variante transcripta 2 (LOC607047); ARNm	100	XM 852454	ZMAT2	Dedo de zinc, tipo 2 matrina
Cfa. Afx. 11883.1. S1 a	7.21E -02	4.54E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 198 dedo de zinc (fusionada en proteína de desórdenes mieloproliferativos) (reorganizada en una proteína de trastornos mieloproliferativos atípica) variante transcripta 3 (LOC477346); ARNm	100	XM 855426	ZMYM2	Dedo de zinc, tipo MYM 2
Cfa. Afx. 6343.1. S1 a	7.64E -02	4.46E -01	1.52	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 258 dedo de zinc; variante transcripta 3 (LOC475341); ARNm	99.5	XM 853798	ZMYM6	Dedo de zinc, tipo MYM 6
Cfa. 21595.1S 1 s a	4.78E -02	4.48E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 11 que contiene dominio MYND dedo de zinc (proteína enlazante a adenovirus 5E1A) proteína B569); variante transcripta 3 (LOC478023); ARNm	55.3	XM 853691	ZMYN D11	Dedo de zinc, dominio MYND que contiene 11
Cfa. Afx. 9458.1. S1 s a	2.97E -02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 11 que contiene dominio MYND dedo de zinc (proteína enlazante a adenovirus 5E1A) proteína B569); variante transcripta 3 (LOC478023); ARNm	100	XM 535205	ZMYN D11	Dedo de zinc, dominio MYND que contiene 11
Cfa. 9806.1.A 1 a	9.00E -02	4.59E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 133 dedo de zinc (LOC477145); ARNm	100	XM 534335	ZNF13 3	Dedo de zinc proteína 133
Cfa. Afx. 23416.1. S1 a	3.77E .02	4.46E -01	1.6	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 21 dedo de zinc isoforma 1 (LOC491864); ARNm	100	XM 548983	ZNF18 2	Dedo de zinc proteína 182

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 1761.3.1. S1 s a	2.66E -02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 184 dedo de zinc (similar a Kruppel) (LOC478746); ARNm	100	XM 535912	ZNF18 4	Dedo de zinc proteína 184
Cfa. Afx. 4758.1. S1.s a	8.63E -02	4.458 E-01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 189 dedo de zinc; variante transcripta 1 (LOC474786); ARNm	60.3	XM 532016	ZNF18 9	Dedo de zinc proteína 189
Cfa. Afx. 28174.1. S1 s a	9.22E -03	4.46E -01	1.31	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 207 dedo de zinc (LOC480611); ARNm	99.2	XM 537731	ZNF20 7	Dedo de zinc proteína 207
Cfa. 18401.1. S1 s a	6.66E -02	4.51E -01	1.36	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 207 dedo de zinc (LOC480611); ARNm	100	XM 537731	ZNF20 7	Dedo de zinc proteína 207
Cfa. Afx. 30907.1. S1 s a	2.10E -02	4.46E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 23 dedo de zinc; variante transcripta 1 (LOC489720); ARNm	100	XM 546840	ZNF23	Dedo de zinc proteína 23 (KOX16)
Cfa. Afx. 30900.1. s1 a	7.49E -02	4.54E -01	1.63	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 23 dedo de zinc; variante transcripta 2 (LOC489720); ARNm	100	XM 857244	ZNF23	Dedo de zinc proteína 23 (KOX16)
Cfa. Afx. 28649.1. S1 a	3.08E -02	4.46E -01	1.33	PREDICHO: Canis familiaris similar a supresor de homólogo 3 de ala vellosa (LOC481049); ARNm	79	XM 538171	ZNF28 0C	Dedo de zinc proteína 280C
Cfa. Afx. 24776.1. S1 s a	2.25E -02	4.46E -01	1.41	PREDICHO: Canis familiaris similar a supresor de homólogo 4 isoforma 1 (LOC478315); ARNm	98.5	XM 535490	ZNF28 0D	Dedo de zinc proteína 280D
Cfa. Afx. 13602.1. S1 a	3.86E -02	4.46E -01	1.57	Homo sapiens proteína dedo de zinc 160; ARNm (clon ADNc MGC: 176467 IMAGE 9021658); cds completo	94.2	BC 140790	ZNF29 4	Dedo de zinc proteína 294
Cfa. Afx. 27674.1. S1 x a	5.22E -02	4.48E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 300 dedo de zinc; variante transcripta 2 (LOC489183); ARNm	98.9	XM 862357	ZNF30 0	Dedo de zinc proteína 300
Cfa. Afx. 27633.1. S1 x a	1.95E -02	4.46E -01	1.43	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 300 dedo de zinc; variante transcripta 2 (LOC489183); ARNm	99	XM 862357	ZNF30 0	Dedo de zinc proteína 300

ES 2 524 475 T3

Cfa. 9245.1.A 1 a	1.41E -03	4.46E -01	1.8	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 300 dedo de zinc; variante transcripta 3 (LOC489183); ARNm	99.7	XM 862375	ZNF30 0	Dedo de zinc proteína 300
Cfa. 1108.1. S1 s a	5.71E -03	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Canis lupus familiaris proteína 331 dedo de zinc (ZNF331); ARNm	98.6	NM 001003 331	ZNF33 1	Dedo de zinc proteína 331
Cfa. 1349.1. S1 s a	2.69E -02	4.46E -01	1.42	PREDICHO; Bos taurus hipotético LOC524106; variante transcripta 1 (ZNF354A); ARNm	92.2	XM 602426	ZNF35 4A	Dedo de zinc proteína 354A
Cfa. 2534.1.A 1 a	8.18E -02	4.55E -01	1.42	Homo sapiens ANDc FLJ33970 fis; clon DNES2001564	71.9	AK 091289	ZNF36 7	Dedo de zinc proteína 367
Cfa. Afx. 218.1. S1 a	9.85E -03	4.46E -01	071	Homo sapiens ARNm proteína dedo de zinc; cds completo	69.7	AY 261676	ZNF43 4	Dedo de zinc proteína 434
Cfa. Afx. 24035.1. S1 s a	3.69E -02	4.46E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 509 dedo de zinc (LOC488826); ARNm	100	XM 545944	ZNF50 9	Dedo de zinc proteína 509
Cfa. Afx. 8271.1. S1 a	5.43E -03	4.46E -01	0.75	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 526 dedo de zinc (LOC484477); ARNm	60.6	XM 541591	ZNF52 6	Dedo de zinc proteína 526
Cfa. Afx. 4494.1. S1 s a	6.59E -03	4.46E -01	1.47	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 550 dedo de zinc (LOC484257); ARNm	99.8	XM 541372	ZNF55 0	Dedo de zinc proteína 550
Cfa. 2135.1.A 1 a	2.05E .02	4.46E -01	1.38	Pongo abelii ARNm; ADC DkFZp468L0511 (del clon DkfZ p468L0511)	32.7	CR 858158	ZNF56 6	Dedo de zinc proteína 566
Cfa. Afx. 960.1. S1 a	9.02E -02	4.60E -01	1.4	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 91 dedo de zinc (HPF7; HTF10(LOC484250); ARNm	99.3	XM 848551	ZNF59 4	Dedo de zinc proteína 594
Cfa. 17871. S1 a	4.43E -02	4.47E -01	1.34	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 630 dedo de zinc (proteína ZASC1 dedo de zinc) (proteína ANC_2H01 dedo de zinc) (LOC478636); ARNm	95.2	XM 535809	ZNF63 9	Dedo de zinc proteína 639
Cfa. 1787.1. S1 s a	5.21E -02	4.48E -01	1.38	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 630 dedo de zinc (proteína ZASC1 dedo de zinc) (proteína ANC_2H01 dedo de zinc) (LOC478636); ARNm	99	XM 535809	ZNF63 9	Dedo de zinc proteína 639

ES 2 524 475 T3

Cfa. Afx. 30924.1. S s a	2.48E -02	4.46E -01	1.92	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 644 dedo de zinc isoforma 2; variante transcripta 7 (LOC479957); ARNm	100	XM 862032	ZNF64 4	Dedo de zinc proteína 644
Cfa. Afx. 23026.1. S1 a	7.26E -02	4.54E -01	1.58	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína 655 dedo de zinc isoforma C; variante transcripta 2 (LOC489855); ARNm	100	XM 546973	ZNF65 5	Dedo de zinc proteína 655
Cfa. 9525.1.A 1 a	1.15E -02	4.46E -01	2	Proteína 667; ARNm (clon ADNc MGC:140150 IMAGE 8165998; cds completo	37.5	BC 148886	ZNF66 7	Dedo de zinc proteína 667
Cfa. 16203.1. S1 a	2.56E -03	4.46E -01	1.79	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína HSPC038 (LOC607293); ARNm	99.8	XM 843918	ZNF70 6	Dedo de zinc proteína 706
Cfa. 14593.1. S1 a	4.05E .02	4.46E -01	1.53	PREDICHO: Canis familiaris similar a proteína HSPC038 (LOC607293); ARNm	100	XM 843918	ZNF70 6	Dedo de zinc proteína 706
Cfa. Afx. 3499.1. S1 a	2.52E -02	4.46E -01	1.35	PREDICHO: Equus caballus proteína 800 dedo de zinc (ZNF800); ARNm	58.2	XM 001502 540	ZNF80 0	Dedo de zinc proteína 800
Cfa. Afx. 27651.1. S1 s a	3.31E -03	4.46E -01	0.74	PREDICHO: Canis familiaris proteína hipotética LOC 612606 (LOC612606); ARNm	100	XM 850639	ZNF83 9	Dedo de zinc proteína 839
Cfa. Afx. 31048.1. S1 a	2.98E -02	4.46E -01	1.45	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG1463-PA (LOC479966); ARNm	100	XM 537090	ZNHIT6	Dedo de zinc. tipo 6 HIT
Cfa. 15903.1. A1 a	2.19E -02	4.46E -01	1.39	Homo sapiens dedo de zinc y RING (ZNR2); ARNm	90	NM 147128	ZNR2	Dedo de zinc y RING 2
Cfa. 20128.1. 1S1 s a	2.63E -02	4.46E -01	1.51	PREDICHO: Canis familiaris similar a CG7386-PA; variante transcripta 1 (LOC476272); ARNm	99.5	XM 533478	ZUFSP	Dedo de zinc con dominio de peptidasa específico para UFM1
Cfa541.1 . S1 a	1.98E -02	4.46E -01	1.41	PREDICHO: Pan troglodytes homólogo B zyg-11 /ZYG11B); ARNm	35.5	XM 001139 134	ZYG11 B	Homólogo B de zyg-11 (C. Elegans)
Cfa. 323.1. S1 s a	9.91E -02	4.65E -01	1.32	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc; dominio ZZ que contiene 3; variante transcripta 1 (LOC490203); ARNm	100	XM 547324	ZZZ3	Dedo de zinc, tipo ZZ que contiene 3
Cfa. Afx. 31203.1 S1 s a	1,27E -02	4.46E -01	1.44	PREDICHO: Canis familiaris similar a dedo de zinc, dominio zz que contiene 3; variante transcripta 1 (LOC490203); ARNm	100	XM547 324	ZZZ3	Dedo de zinc, tipo ZZ que contiene 3

Las dietas que contienen cantidades más altas de ácidos grasos de cadena larga promueven la pérdida de peso y se puede utilizar para reprogramar la expresión génica del animal de manera que refleje una propensión a volverse delgado y potencialmente mantener la delgadez

5 Los datos obtenidos de los ingredientes seleccionados *in vitro* mencionados anteriormente indican que algunos ingredientes que son altos en ácidos grasos de cadena larga (véase Tabla 5) pueden tener el potencial de afectar la expresión de genes involucrados en el metabolismo de la grasa de una manera que promovería la delgadez del animal como un todo. Esto es determinado mediante el análisis de los datos obtenidos a partir de tejido adiposo y de los ensayos de ingredientes discutidos anteriormente utilizando el análisis de algoritmo de ordenador convencional. Los códigos para algoritmos útiles a este respecto son familiares para un experto en la técnica y puede desarrollarse sin experimentación indebida. A continuación se provee un ejemplo de tal código:

```
10 SELECT A.PROBE, TO_CHAR( AVG(Decode(A.EXPTDAY, 'D0', GENE_NORM_INT,
null))/AVG(Decode(A.EXPTDAY,'D14', GENE_NORM_INT, null)), '99999.99999') FATLEAN_FC,
STATS_T_TEST_INDEPU( A.EXPTDAY, GENE_NORM_INT) P_VALUE, B.TOP_HIT_DEF,
COUNT(DISTINCT C.INGREDIENT), COUNT(DISTINCT D.INGREDIENT)
15 FROM GERIATRICS_RNRM2 A, TOP_PROBE_ANNOT_2_3 B, FILT_INDIV_CELLS_2 C,
FILT_ACROSS_4_CELLS_2 D WHERE A.PROBE=B.PROBE AND A.PROBE=C.PROBE (+) AND
A.PROBE=D.PROBE (+) AND UPPER(A.PROBE) NOT LIKE 'AFFX%' GROUP BY A.PROBE, B.TOP_HIT_DEF
20 HAVING STATS_T_TEST_INDEPU( A.EXPTDAY, GENE_NORM_TNT) <=.01 AND AVG(Decode(A.EXPTDAY,
'D0', GENE_NORM_INT, null))/AVG(Decode(A.EXPTDAY, 'D14', GENE_NORM_INT, null)) >= 5 AND
SUM(Decode(PAMCALL,'P', 1,0))= 40 ORDER BY PROBE
```

Para confirmar los resultados resumidos en la Tabla 5 anterior que algunos componentes de dieta bioactivos tales como EPA/DHA (1.5: 1) como los encontrados en el aceite de pescado son más efectivos en traer la pérdida de peso en perros en comparación con otros componentes de dieta bioactivos actuando sobre genes clave asociadas con el metabolismo de los ácidos grasos (como se muestra en la Tabla 3) se han desarrollado tres dietas altas en proteína que contienen o bien ácidos grasos de cadena larga no añadida (Dieta A) o ácido linoléico añadido (aproximadamente el 1% basado en el 100% de la base de material seco, Dieta B) o EPA/DHA (1.5:1, aproximadamente 0.30%:0.20%) (Dieta C) para la comparación con una dieta alta en fibra que se sabe que induce la pérdida de peso en los perros. En el estudio, 45 perros clínicamente con sobrepeso son alimentados todos primero con una dieta de control nutricional completa durante 30 días antes del comienzo de la prueba. Después de los primeros 30 días, los perros se asignaron al azar en 4 grupos. Tres de los cuatro grupos reciben una de las dietas de prueba y a un grupo se le da la dieta alta en fibra como un control por un período determinado de tiempo, por ejemplo, de 4 meses. Los resultados indican que las tres comidas (dietas experimentales A, B y C) tienen substancialmente mayor digestibilidad que los alimentos altos en fibra. Los resultados también indican que aproximadamente el 38% de los perros que consumen el alimento que contiene EPA/DHA alcanzan su meta de pérdida de peso a los 90 días. De manera interesante, los perros que consumen el alimento EPA/DHA también mantienen la masa muscular magra y el contenido mineral de los huesos. Los resultados también indican que, al menos a nivel clínico, las dietas que contienen EPA/DHA pueden ser tan efectivas como las dietas de alto contenido de fibra en que afectan la pérdida de peso.

Ejemplo 5

40 Experimento de mantenimiento de la pérdida de peso posible

Con base en los resultados del experimento de la pérdida de peso discutido anteriormente, se plantea la hipótesis de que los animales alimentados con una dieta que contiene EPA/DHA no sólo perderán peso, sino también mantienen la pérdida durante un periodo de tiempo más largo en comparación con los animales alimentados con la otra prueba y controlar las dietas altas en fibra.

45 Con el fin de caracterizar los efectos de las Dietas A, B y C y la dieta alta en fibra en el mantenimiento de la pérdida de peso, uno podría realizar, por ejemplo, el siguiente tipo de experimento:

50 Los animales con sobrepeso pueden ser alimentados con los cuatro dietas diferentes (como se describe en el Ejemplo 4) hasta que alcancen un nivel óptimo de "delgadez". Pueden ser entonces asignados al azar y divididos en subgrupos que, o bien continúan siendo alimentados con la misma dieta de prueba con la cual fueron alimentados previamente o son cambiados a una dieta de mantenimiento que es nutricionalmente equilibrada, pero no está diseñada para inducir o mantener la pérdida de peso y no incluye cantidades apreciable de ácido linoléico o EPA/DHA, por ejemplo.

Los animales pueden ser entonces observados durante un período de tiempo determinado, por ejemplo, hasta 3 meses, con sus pesos registrados diariamente, sus puntuaciones de condición corporal determinado semanalmente

y sus porcentajes de grasa corporal determinada sobre una base mensual utilizando tecnologías convencionales DEXA.

REIVINDICACIONES

1. Una composición para el consumo canino que comprende:
 - (a) 26 % en peso a 35 % en peso de proteína cruda sobre una base de material seco;
 - (b) 7.5 % en peso a 8.5 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco;
 - 5 (c) 20 % en peso a 30 % en peso de fibra de dieta total sobre una base de material seco; and
 - (d) 10 % en peso a 20 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.
2. La composición de la reivindicación 1, en donde la proteína está presente en 28 % en peso a 33 % en peso, y preferiblemente, en donde la proteína está presente en 30 % en peso a 31 % en peso, y/o, en donde la grasa cruda está presente en 7.6 % en peso a 8.0 % en peso.
- 10 3. La composición de la reivindicación 1, en donde la fibra de diete total está presente en 22 % en peso a 28 % en peso, y preferiblemente, en donde la fibra de dieta total está presente en 24 % en peso a 26 %, y opcionalmente, en donde la fibra cruda está presente en 12 % en peso a 18 % en peso , y preferiblemente en donde la fibra cruda está presente en 14 % en peso a 16 %.
4. Una composición para consume de felino que comprende:
 - 15 (a) 30 % en peso a 37 % en peso de proteína cruda sobre una base de material seco;
 - (b) 7.5 % en peso a 9 % en peso de grasa cruda sobre una base de material seco;
 - (c) 30 % en peso a 35 % en peso de fibra de dieta total sobre una base de material seco; and
 - (d) 20 % en peso a 25 % en peso de fibra cruda sobre una base de material seco.
- 20 5. La composición de la reivindicación 4, en donde la proteína está presente en una cantidad de 31 % en peso a 36 % en peso, y preferiblemente, en donde la proteína está presente en una cantidad de 33% a 35%, y/o, en donde la grasa cruda está presente en una cantidad de u 8.0 % en peso, 8.5 % en peso.
6. La composición de la reivindicación 1, en donde la fibra de dieta total está presente en una cantidad de 31 % en peso a 34 % en peso, y opcionalmente, en donde la fibra cruda está presente en una cantidad de 21 % en peso a 24 % en peso.
- 25 7. La composición de la reivindicación 1 o la reivindicación 4, en donde la composición comprende además al menos 0.02% de ácido omega-3 poliinsaturado, y preferiblemente, 0.05% a 10% de ácido graso omega-3 poliinsaturado, y más preferiblemente, 0.1% a 6% de ácido graso omega-3 poliinsaturado.
8. La composición de la reivindicación 7 en donde el ácido graso omega-3 poliinsaturado es el ácido Docosahexaenoico (DHA) y/o ácido Eicosapentaenoico (EPA).
- 30 9. La composición de la reivindicación 1 o la reivindicación 4, en donde la composición es para uso en medicina.
10. La composición de la reivindicación 1 o la reivindicación 4, en donde la composición es para uso en la prevención o tratamiento de la obesidad.
11. La composición de la reivindicación 1 o la reivindicación 4, y la composición para su uso de acuerdo con la reivindicación 10, en donde la composición es para uso en la prevención o el tratamiento de uno o más de:
 - 35 resistencia a la insulina, pancreatitis, hipotiroidismo, osteoartritis, dislipidemia, hipertensión, trastornos oculares, función renal alterada, enfermedades respiratorias, arteriosclerosis, diabetes mellitus, enfermedad del tracto urinario, lipdosis hepática, dislipidemia hepática, lípidosis hepática, neoplasia, enfermedad oral/dental, dermatopatía, debilidad, hiperlipidemia, trastornos del metabolismo de glucosa, y enfermedad coronaria.

FIGURA 1

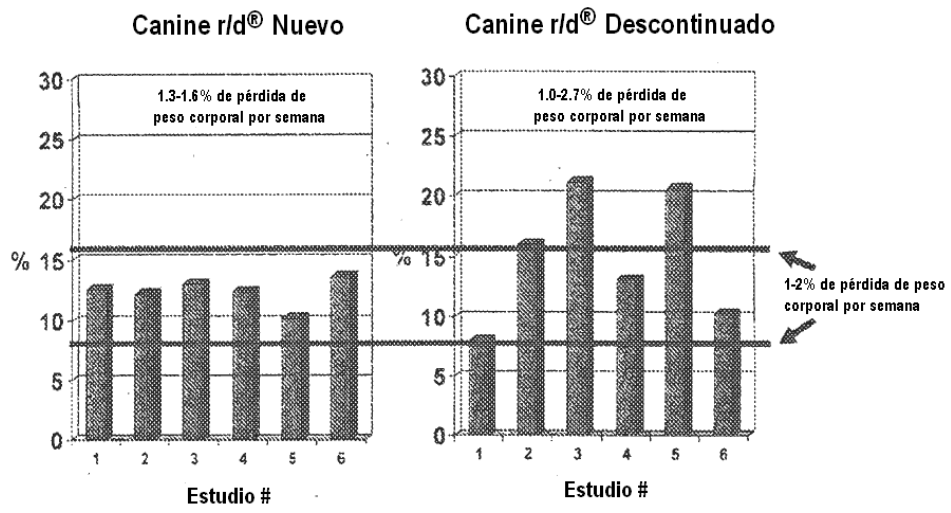
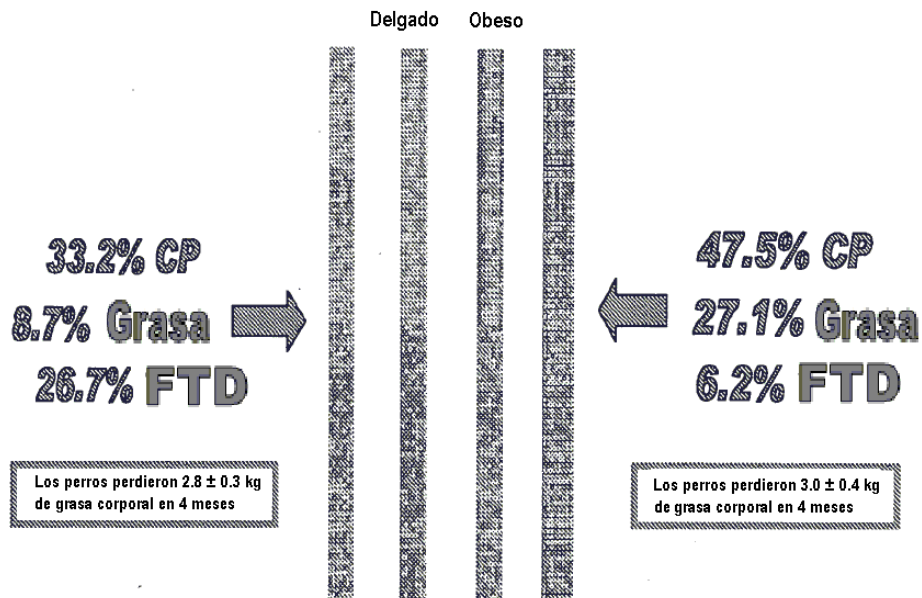


FIGURA 2



Perfiles de la Expresión del Gen